





① Número de publicación: 2 362 589

(21) Número de solicitud: 200931275

(51) Int. Cl.:

G01N 33/569 (2006.01) **A61K 39/015** (2006.01) **A61P 31/00** (2006.01)

© SOLICITUD DE PATENTE A1

22) Fecha de presentación: 28.12.2009

Solicitante/s: Centre de Recerca en Salut Internacional de Barcelona c/ Villarroel, 170 08036 Barcelona, ES Institució Catalana de Recerca i Estudis Avançats, Fundació Cellex y Hospital Clínic i Provincial de Barcelona

- 43 Fecha de publicación de la solicitud: 08.07.2011
- Inventor/es: Martín Jaular, Lorena y Portillo Obando, Hernando Antonio del
- 43 Fecha de publicación del folleto de la solicitud: 08.07.2011
- (74) Agente: Carpintero López, Mario
- (54) Título: Exosomas derivados de reticulocitos infectados con *Plasmodium sp.*, método para su obtención y su uso.
- (57) Resumen:

Exosomas derivados de reticulocitos infectados con *Plasmodium sp.*, método para su obtención y su uso. La presente invención pertenece al campo de la vacunas para la prevención y profilaxis contra la malaria, más concretamente se refiere a un exosoma aislado a partir de reticulocitos infectados con *Plasmodium sp.*, al método para su obtención y a su uso para la prevención y profilaxis frente a la malaria.

DESCRIPCIÓN

Exosomas derivados de reticulocitos infectados con *Plasmodium sp.*, método para su obtención y su uso.

5 Campo de la invención

La presente invención pertenece al campo de las vacunas para la prevención y profilaxis contra la malaria, más concretamente se refiere a un exosoma aislado a partir de reticulocitos infectados con *Plasmodium sp.*, al método para su obtención y a su uso para la prevención y profilaxis frente a la malaria.

Antecedentes de la invención

Plasmodium sp., es el agente etiológico causante de la malaria, también conocida como paludismo. Dentro del genero Plasmodium hay diferentes especies algunas de las cuales son inocuas. Otras especies, por el contrario, son altamente infecciosas y son la causa de la mayor parte de los casos de malaria humana a nivel mundial. Entre estas últimas, las especies más importantes son P. falciparum, y P. vivax.

Todas las especies humanas de *Plasmodium* (*P. falciparum*, *P. vivax*, *P. malariae*, *P. ovale*) infectan en mayor o menor medida a eritrocitos y/o a los precursores de estos los reticulocitos que requieren un proceso de maduración y diferenciación para alcanzar su estadio funcional final como eritrocitos. De entre las diferentes especies de *Plasmodium* existen algunas que tienen mayor capacidad de infección de reticulocitos que otras como, por ejemplo, *Plasmodium* vivax que infecta predominantemente este tipo de células.

Dentro del proceso de maduración y diferenciación de reticulocitos a eritrocitos, algunas proteínas que no son necesarias para estos últimos son secuestradas en vesículas internas localizadas en cuerpos multivesiculares "multivesicular bodies" (MVBs) y posteriormente liberadas al medio extra-celular como pequeñas nano-vesículas conocidas como exosomas.

Recientemente, la investigación de exosomas ha sido estimulada tras el hallazgo que otras células, tales como las células presentadoras de antígenos, son capaces de secretar este tipo de nano-vesículas sugiriendo un papel más allá del originalmente descrito en la maduración y diferenciación de reticulocitos. De hecho, varios estudios con diferentes tipos de células han revelado que los exosomas juegan un papel en la regulación del sistema inmune al transferir información entre células durante la respuesta inmune, y, por lo tanto, representan un nuevo modo de comunicación inter-celular (Schorey and Bhatnagar, 2008). En esta línea, ha sido demostrada la capacidad protectora de exosomas en infecciones experimentales con *Toxoplasma gondii*, miembro del phylum Apicomplexa al que pertenece también *Plasmodium* (Bhatnagar *et al.*, 2007).

Además, se han descrito varias estrategias basadas en el uso de exosomas como agentes profilácticos o inmunoestimuladores (Viaud *et al.* Exosomes for the treatment of human malignancies. Horm Metabl Res 2008, 40:82).

Entre otras, WO9705900 describe exosomas obtenidos a partir de células presentadoras de antígenos como células B, macrófagos o células dendríticas. Los exosomas descritos en este documento tienen la particularidad de que al ser obtenidos a partir de células presentadoras de antígeno, los antígenos son presentados en el contexto MHC-I y MHC-II.

Por su parte, el documento EP1523990 describe exosomas obtenidos a partir de células cancerígenas (identificados como texosomas) o a partir de células dendríticas cargadas o no de antígenos (este documento los denomina dexosomas).

WO2004014954 utiliza una estrategia diferente ya que para obtener exosomas que muestren en su superficie un antígeno deseado, se transfectan células de la línea CT26 (cáncer de colon murino) y células de la línea TA3HA (carcinoma mamario de ratón) con virus recombinantes que comprenden en su genoma la secuencia que codifica el antígeno deseado (muc-1) que es así expresado en la superficie de los exosomas aislados a partir de este tipo de células.

WO0028001 describe exosomas obtenidos a partir de mastocitos esencialmente desprovistos de moléculas MHC endógenas. Los exosomas descritos en este documento si expresan en su superficie, sin embargo, MHC recombinantes.

Por último, WO2008092153 describe exosomas obtenidos a partir de células cancerosas y desprovistas de uno o más polipéptidos inmunosupresivos normalmente presentes en los exosomas.

Los autores de la presente invención han desarrollado ahora una nueva estrategia en la prevención y profilaxis de la malaria basada en el uso de exosomas aislados a partir de reticulocitos de sujetos o modelos murinos infectados con *Plasmodium*. Estos exosomas son obtenidos por aislamiento de la fracción de exosomas derivados de reticulocitos a partir de sangre infectada con Plasmodium.

65

60

Breve descripción de las figuras

15

20

40

45

Figura 1: representa la caracterización de exosomas aislados a partir de plasma de ratones. (A) Análisis de tamaño por dispersión dinámica de luz. (B) Tinción negativa después de una fijación con paraformaldehído al 2%. La escala representa 100 nm.

Figura 2: representa la evolución en el tiempo de parasitemia y el análisis del tropismo celular de ratones inmunizados con exosomas. Las curvas de parasitemia fueron calculadas de la media de 2 ratones controles no infectados, 2 ratones controles infectados con exosomas aislados de animales normales, de 3 ratones infectados con exosomas obtenidos de animales infectados con la cepa no letal de *P. yoelli*, y de 3 ratones infectados con exosomas obtenidos de animales infectados con la cepa letal de *P. yoelli*. Tinción de Giemsa de extendidos de sangre periférica en el día antes de sacrificar de un animal representativo de cada grupo.

Figura 3: análisis por Western blot de la respuesta de anticuerpos IgG anti-*P. yoelli* en suero de animales inmunizados con exosomas. Las muestras fueron colectadas por punción maxilar en el día 20 después de la segunda inmunización. Cada panel corresponde a una mezcla de sueros de cada grupo de animales utilizados en estos experimentos. En el Western blot fue utilizado antígeno total obtenido de las cepas no-letal (AgNL) y letal (AgL), de *P. yoelli* y las respuestas de anticuerpos IgG fueron detectadas mediante el uso de suero de cabra conjugado a fosfatasa alcalina y producido contra la IgG de ratón.

Figura 4: representa un análisis por tinción intra-celular de células T, CD4+ y CD8+ en animales inmunizados con exosomas de la cepa no-letal de *P. yoelli*. Ratones Balb/c fueron inmunizados con 5 microgramos de exosomas PyNL en CpG-ODN. Dos semanas después de la primera inmunización, se realizó un refuerzo con 5 microgramos de exosomas sin CpG-ODN. (A) El porcentaje de linfocitos que son CD8+ IFN- γ + fue calculado después de una reestimulación *in vitro*, tinción intra-celular y análisis por citometría de flujo. El porcentaje de linfocitos CSFE+ que son CD4+ IFN- γ + está representado en (B) y el de CD4+IFN- γ + IL-2+ en (C). Los datos corresponden a un experimento y son expresados como la media \pm error estándar de 3 ratones no inmunizados y 3 ratones inmunizados con exosomas provenientes de ratones infectados con la cepa no letal exPyNL.

Figura 5: (A)-(D) espectro MS/MS resultante del análisis proteómico de los antígenos presentes en exosomas derivados de reticulocitos provenientes de ratones infectados con *P. yoelli* y de un paciente infectado con *P. vivax*. El análisis bioinformático del espectro confirma la presencia de antígenos tanto de *P. yoelli* como de *P. vivax* en las muestras de exosomas analizadas.

Descripción detallada de la invención

El primer objeto de la presente invención viene representado por un exosoma aislado a partir de plasma que comprende al menos un antígeno de *Plasmodium sp.* en su interior o en su superficie (a partir de ahora exosomas de la invención).

Los exosomas de la invención han demostrado capacidad inmunogénica frente a la malaria por lo que resultan de gran potencial utilidad en la preparación de una vacuna para la prevención y profilaxis de esta enfermedad.

El antígeno o antígenos presentes en los exosomas de la presente invención pueden provenir de cualquier especie de *Plasmodium*. En una realización particular de la invención el antígeno o antígenos presentes en los exosomas provienen de P. vivax, P. falciparum, P. malariae, P. ovale, P. yoelli, P. achiotense, P. achromaticum, P. aegyptensis, P. aeuminatum, P. agamae, P. anasum, P. atheruri, P. azurophilum, P. balli, P. bambusicolai, P. basilisci, P. berghei, P. bigueti P. brasilianum, P. brygooi, P. booliati, P. bubalis, P. bucki, P. coatneyi, P. cathemerium, P. cephalophi, P. chabaudi, P. chiricahuae, P. circularis, P. cnemidophori, P. coatneyi, P. coggeshalli, P. colombiense, P. corradettii, P. coturnix, P. coulangesi, P. cuculus, P. popo, P. cyclopsi, P. cynomolgi, P. diminutivum, P. diploglossi, P. dissanaikei, P. dominicana, P. durae, P. egerniae, P. elongatum, P. eylesi, P. fabesia, P. fairchildi, P. fallax, P. fieldi, P. foleyi, P. forresteri, P. floridense, P. fragüe, P. garnhami, P. gallinaceum, P. giganteum, P. giovannolai, P. girardi, P. gonatodi, P. gonderi, P. georgesi, P. gracilis, P. griffithsi, P. guanggong, P. gundersi, P. guyannense, P. heischi, P. hegneri, P. hermani, P. heteronucleare, P. hexamerium, P. holaspi, P. huffi, P. hylobati, P. icipeensis, P. inopinatum, P. inui, P. jefferi, P. josephinae, P. juxtanucleare, P. kempi, P. knowlesi, P. kentropyxi, P. leanucteus, P. lemuris, P. lophurae, P. lepidoptiformis, P. lygosomae, P. mabuiae, P. mackerrasae, P. maculilabre, P. maior, P. marginatum, P. matutinum, P. mexicanum, P. minasense, P. morulum, P. nucleophilium, P. octamerium, P. odocoilei, P. papernai, P. paranucleophilum, P. parvulum, P. pedioecetii, P. pelaezi, P. percygarnhami, P. petersi, P. pifanoi, P. pinotti, P. pinorrii, P. pitheci, P. pitmani, P. polare, P. praecox, P. reichenowi, P. relictum, P. rhadinurum, P. rhodaini, P. robinsoni, P. rouxi, P. sandoshami, P. sasai, P. schweitzi, P. silvaticum, P. simium, P. semiovale, P. shortii, P. smirnovi, P. subpraecox, P. tenue, P. tejerai, P. tomodoni, P. torrealbai, P. traguli, P. tribolonoti, P. tropiduri, P. uilenbergi, P. watteni, P. wenyoni, P. vacuolatum, P. vastator, P. vaughani, P. vinckei, P. volans y/o P. youngi.

En una realización preferida de la invención los exosomas comprenden antígenos que provienen de especies de Plasmodium que infectan al hombre, monos y/o roedores, es decir, en una realización preferida de la invención, dicho antígeno o antígenos presentes en el interior o en la superficie de los exosomas pertenecen a *Plasmodium vivax*, *Plasmodium falciparum*, *Plasmodium malariae*, *Plasmodium ovale*, *Plasmodium yoelli*, *P. berghei*, *P. brasilianum*, *P. chabaudi*, *P. cynomolgi*, *P. fragile*, *P. knowlesi* y/o *P. reichenowi*.

Los exosomas de la presente invención pueden ser aislados a partir de reticulocitos de cualquier mamífero infectado con Plasmodium sp. aunque preferiblemente se aíslan a partir de reticulocitos humanos, de monos y/o de ratones. Una realización preferida contempla el uso de reticulocitos humanos para en la medida de lo posible evitar reacciones indeseadas al ser administrados a pacientes humanos.

Otro objeto de la presente invención viene representado por un método para la obtención de los exosomas de la invención que comprende:

- obtener una muestra de sangre infectada con Plasmodium sp., a)
- obtener la fracción de exosomas derivada de reticulocitos mediante ultracentrifugación secuencial de la b) muestra de sangre de a).

En una realización particular la muestra de sangre puede estar infectada con P. vivax, P. falciparum, P. malariae, P. ovale, P. yoelli, P. achiotense, P. achromaticum, P. aegyptensis, P. aeuminatum, P. agamae, P. anasum, P. atheruri, P. azurophilum, P. balli, P. bambusicolai, P. basilisci, P. berghei, P. bigueti P. brasilianum, P. brygooi, P. booliati, P. bubalis, P. bucki, P. coatneyi, P. cathemerium, P. cephalophi, P. chabaudi, P. chiricahuae, P. circularis, P. cnemidophori, P. coatneyi, P. coggeshalli, P. colombiense, P. corradettii, P. coturnix, P. coulangesi, P. cuculus, P. popo, P. cyclopsi, P. cynomolgi, P. diminutivum, P. diploglossi, P. issanaikei, P. dominicana, P. durae, P. egerniae, P. elongatum, P. eylesi, P. fabesia, P. fairchildi, P. fallax, P. fieldi, P. foleyi, P. forresteri, P. floridense, P. fragile, P. garnhami, P. gallinaceum, P. giganteum, P. giovannolai, P. girardi, P. gonatodi, P. gonderi, P. georgesi, P. gracilis, P. griffithsi, P. guanggong, P. gundersi, P. guyannense, P. heischi, P. hegneri, P. hermani, P. heteronucleare, P. hexamerium, P. holaspi, P. huffi, P. hylobati, P. icipeensis, P. inopinatum, P. inui, P. jefferi, P. josephinae, P. juxtanucleare, P. kempi, P. knowlesi, P. kentropyxi, P. leanucteus, P. lemuris, P. lophurae, P. lepidoptiformis, P. lygosomae, P. mabuiae, P. mackerrasae, P. maculilabre, P. maior, P. marginatum, P. matutinum, P. mexicanum, P. minasense, P. morulum, P. nucleophilium, P. octamerium, P. odocoilei, P. papernai, P. paranucleophilum, P. parvulum, P. pedioecetii, P. pelaezi, P. percygarnhami, P. petersi, P. pifanoi, P. pinotti, P. pinorrii, P. pitheci, P. pitmani, P. potare, P. praecox, P. reichenowi, P. relictum, P. rhadinurum, P. rhodaini, P. robinsoni, P. rouxi, P. sandoshami, P. sasai, P. schweitzi, P. silvaticum, P. simium, P. semiovale, P. shortii, P. smirnovi, P. subpraecox, P. tenue, P. tejerai, P. tomodoni, P. torrealbai, P. traguli, P. tribolonoti, P. tropiduri, P. uilenbergi, P. watteni, P. wenyoni, P. vacuolatum, P. vastator, P. vaughani, P. vinckei, P. volans y/o P. youngi.

En una realización preferida de la invención, sin embargo, la muestra de sangre se encuentra infectada con Plasmodium vivax, Plasmodium falciparum, Plasmodium malariae, Plasmodium ovale, Plasmodium yoelli, P. berghei, P. brasilianum, P. chabaudi, P. cynomolgi, P. fragile, P. knowlesi y/o P. reichenowi.

A partir de la muestra de sangre infectada, el método de obtención de los exosomas de la invención comprende una serie de pasos de ultracentifugación secuencial (etapa b del método). La secuencia de ultracentrifugación comprende preferiblemente:

- i) centrifugar entre 400-900 x g durante 25-35 minutos
- centrifugar entre 10 000-14 000 x g durante 20-40 minutos ii)
- iii) centrifugar entre 90 000-110 000 x g durante 1-3 horas.

Opcionalmente, después de esta primera secuencia de ultracentifugación el pellet resultante se resuspende en una solución tampón, preferiblemente PBS, y se filtra a través de un filtro que discrimine por tamaño de partícula la fracción de exosomas (el filtro debe tener alrededor de 0,20 µm de poro). Preferiblemente, después de esta operación se vuelve a centrifugar a 90 000-110 000 x g durante 1-3 horas.

La centrifugación secuencial debe llevarse preferiblemente a cabo a una temperatura baja de entre 0-7°C para preservar la integridad de las proteínas y las estructuras proteícas de los exosomas purificados.

Tras la etapa b) del método se obtiene una fracción exosómica mayoritariamente formada por exosomas derivados de reticulocitos. Sin embargo, esta fracción puede contener una mínima fracción de exosomas derivados de otros tipos celulares sanguíneos.

Aunque la fracción obtenida está suficientemente enriquecida en exosomas derivados de reticulocitos, opcionalmente, si se desea obtener una fracción aún más enriquecida se puede someter la fracción de exosomas obtenidos a un método de purificación por inmunoaislamiento. El inmunoaislamiento implica el uso de anticuerpos específicos frente a reticulocitos o frente a moléculas específicas de reticulocitos presentes en los exosomas. En una realización particular y preferida el inmunoaislamiento se realiza mediante el uso de anticuerpos específicos frente al receptor de la transferrina.

La realización preferida comprende el inmunoaislamiento de los exosomas derivados de reticulocitos mediante el uso de bolas magnéticas recubiertas de anticuerpos frente al receptor de la transferrina. Los exosomas derivados de reticulocitos, una vez unidos a las bolas magnéticas a través de los anticuerpos anti-receptor de la transferrina, son separados de estas por medio de un tratamiento ácido.

4

10

15

40

45

Los exosomas de la invención han sido analizados por espectrometría de masa. Con esta información se ha desarrollado otro de los aspectos de la presente invención un exosoma artificial que comprende al menos un antígeno de *Plasmodium sp* en su interior o en su superficie.

Los exosomas se han desarrollado por métodos conocidos (de la Peña *et al.* 2009) a partir de los antígenos de *Plasmodium* identificados por espectrometría de masa. El uso de exosomas artificiales reduce el riesgo de que se produzca una respuesta autoinmune en el paciente inmunizado.

En una realización preferida de la invención los exosomas artificiales se encuentran acoplados principalmente por antígenos de Plasmodiums que infectan a monos ratones o humanos como por ejemplo *Plasmodium vivax, Plasmodium falciparum, Plasmodium malariae, Plasmodium ovale, Plasmodium yoelli, P. berghei, P. brasilianum, P. chabaudi, P. cynomolgi, P. fragüe, P. knowlesi, P. reichenowi.* En una realización preferida, los exosomas artificiales comprenden antígenos de *P. vivax, P. falciparum, P. malariae* y/o *P. ovale.*

Otro objeto de la presente invención es composición farmacéutica que comprende los exosomas de la invención o los exosomas artificiales de la invención y al menos un excipiente farmacéuticamente aceptable.

Los excipientes pueden seleccionarse entre portadores, excipientes, materiales de soporte, lubricantes, cargas, disolventes, diluyentes, colorantes, acondicionadores del sabor tales como azúcares, antioxidantes y/o aglutinantes. La selección de estos materiales auxiliares y/o excipientes y de las cantidades que han de utilizarse dependerá de la forma de aplicación de la composición farmacéutica.

La composición farmacéutica según la invención puede adaptarse a cualquier forma de administración, ya sea por vía oral o por vía parenteral, por ejemplo, por vía pulmonar, por vía nasal, por vía rectal y/o por vía intravenosa. Por tanto, la formulación según la invención puede adaptarse para la aplicación tópica o sistémica, particularmente para la aplicación dérmica, subcutánea, intramuscular, intraarticular, intraperitoneal, pulmonar, bucal, sublingual, nasal, percutánea, vaginal, oral o parenteral.

Un último objeto de la presente invención es una vacuna frente a la malaria que comprende exosomas de la invención o los exosomas artificiales de la invención.

Los siguientes ejemplos sirven para ilustrar la invención pero no pretenden ser limitativos del alcance de la misma.

Ejemplos

35 Ejemplo 1

Purificación de exosomas

Los exosomas fueron purificados de plasma obtenido de sangre de ratones colectado en EDTA. Fueron utilizados plasmas de ratones Balb/c no infectados e infectados con cepas P. yoelli 17X y 17XL al 10-30% de parasitemia. Para el aislamiento de los exosomas, los sueros fueron centrifugados secuencialmente a 500 x g por 30 min., a 12 000 x g por 35 min. y a 100 000 x g por 2 h a 4°C. El precipitado final fue resuspendido en PBS (usualmente 5x el volumen original de suero), filtrado a través de un filtro de 0.22-μm y centrifugado a 100 000 x g por 2 h a 4°C. Los precipitados fueron resuspendidos en 1XPBS y la cantidad de proteínas recuperada fue determinada mediante un ensayo de Bradford. Aproximadamente 5 microgramos de exosomas son obtenidos de 1.5 ml de suero. El material obtenido se utiliza inmediatamente o se congela mediante enfriamiento rápido y se almacena a -80°C. Los exosomas han sido analizados mediante dispersión dinámica de luz (DLS) y microscopía electrónica (EM) para confirmar su pureza y visualizar su morfología (Figura 1). Para las medidas de DLS, se analizaron 50 μ l de una suspensión 0.1 μ g/ μ l en PBS a 25°C utilizando un Zetasizer Nano S (Malvern Instruments). Los análisis de EM fueron hechos a partir de preparados frescos de exosomas fijados en 2% de paraformaldehído durante toda la noche a 4°C. Los exosomas fueron colocados en rejillas de formar durante 1 min. antes de ser lavados en agua destilada. Las rejillas fueron teñidas negativamente por 1 min. con una solución de 2% de acetato de uranilo en agua destilada. Después de ser secadas completamente, las rejillas fueron observadas en un microscopio de transmisión electrónica JEOL 1010. Ambas técnicas revelaron poblaciones homogéneas de nano-vesículas con un diámetro compatible con el tamaño previamente descrito para exosomas.

Ejemplo 2

60

Propiedades inmunogénicas de los exosomas

Ratones Balb/c fueron inmunizados con exosomas derivados de la sangre de ratones no infectados (exC) y ratones infectados con exosomas de la cepa no letal (exPyNL) y letal (exPyL). Para las inmunizaciones, los ratones recibieron inyecciones intravenosas (i.v.) de 5 μ g de exosomas en 100 μ l de PBS después de haber sido anestesiados con una combinación de Ketamina (100 mg/Kg) y Midazolam (5 mg/Kg) inyectado intra-peritonealmente. Han sido realizados dos experimentos con grupos de 4-6 ratones Balb/c (9-11 semanas de edad) inmunizados i.v. a intervalos de 20 días con dos dosis de exosomas. Los ratones no inmunizados (NI) no fueron tratados. Veinte días después de

la segunda inmunización, todos los ratones fueron infectados con 5.10⁵-10⁶ parásitos de la cepa letal (*P. yoelli* 17XL) y la parasitemia controlada diariamente. Notablemente, la mitad de los ratones inmunizados con exosomas de cada cepa mostró diferencias en las curvas de parasitemia con un tiempo mayor de supervivencia al compararlos con los ratones NI y exC (Figura 2A). Además, los ratones inmunizados con exosomas de animales infectados presentaron no solamente un aumento de reticulocitemia sino también un cambio de tropismo celular de la cepa letal de normocitos para reticulocitos (Tabla I).

TABLA I

Grupos de ratones Balb/c fueron inmunizados con exosomas de sangre de animales no infectados (exC, n=4) y ratones infectados con Py17XL (exPyL, n=4) y Py17XNL (exPyNL, n=6). Los ratones no inmunizados (NI) no fueron tratados. El porcentaje de reticulocitos infectados y la reticulocitemia fueron medidos el día antes de la muerte. Los resultados para los diferentes grupos se expresan con media ± error estándar

	Días sobrevividos después de la muerte de animales no inmunizados	% de reticulocitos infectados	Reticulocitemia
NI		0.65 ± 0.92	0.6 ± 0.85
exC	0.5 ± 0.33	3.08 ± 1.72	3.02 ± 1.48
exPyL	2.5 ± 1.37	49.15 ± 21.46	30.98 ± 16.11
exPyNL	3.5 ± 1.29	35.57 ± 18.66	23.68 ± 12.83

Ejemplo 3

10

15

20

2.5

30

35

Respuesta humoral y celular

Después de demostrar la capacidad inmunogénica de los exosomas derivados de animales infectados con las cepas letal y no letal de *P. yoelli*, se iniciaron experimentos para evaluar si las respuestas protectoras estaban asociadas con respuesta inmune celular y/o humoral.

Para estudiar la producción de anticuerpos específicos, los sueros fueron recolectados en el día 20 después de la segunda inmunización y almacenados a -20°C. Mezclas de sueros de los grupos de animales NI, exC, exPyNL y exPyL fueron utilizados para analizar los anticuerpos circulantes anti *P. yoelli* inducidos por la inmunización con exosomas. Western blots fueron realizados utilizando un lisado de antígeno total de *P. yoelli* obtenido por lisis de eritrocitos infectados con 1.5 M NH₄CL, 0.1 M KHCO₃ y 0.01 M EDTA seguido de varios ciclos de congelación y descongelación. Ratones inmunizados con exosomas provenientes de infección no letal produjeron anticuerpos IgG específicos contra antígenos de *P. yoelli* de ambas cepas (Figura 3). Como era de esperarse, no se detectaron anticuerpos contra *P. yoelli* en los sueros de animales no inmunizados.

La producción de citoquinas de células individuales para evaluar la respuesta inmune celular, se realizó mediante tinción intra-celular. Veinte días después de la segunda inmunización, células del bazo (esplenocitos) de animales inmunizados fueron sembradas por triplicado en placas de cultivo de 96 pozos (5x10⁵ células/pozo). Los esplenocitos fueron cultivados en medio DMEM suplementado con 10% de suero fetal de ternero (FCS) inactivado por temperatura, HEPES (10 mM), L-glutamina (2 mM), piruvato de sodio (1 mM), 2β -mercaptoetanol (50 μ M), y penicilina-estreptomicina (0.1 mM), y, en presencia o ausencia, de 10 µg/ml de antígeno de P. yoelli o 5 µg de una preparación congelada de exosomas. Para analizar la proliferación, las células fueron teñidas con 5-6-carboxy-fluoresceína diacetatosuccinimidil éster (CFSE) utilizando el kit vibrant CFDASE "cell tracer" kit (Invitrogen) antes del cultivo. Las placas fueron incubadas por 72 h a 37°C y con acetato de forbol miristato (50 ng/ml), ionomicina (500 ng/ml) y brefeldina A (10 µg/ml) en las últimas 4 horas. Las células fueron colectadas, lavadas y teñidas para detectar diferentes marcadores de superficie por 20 min. utilizando anticuerpos conjugados a diferentes fluoróforos. Después de dos lavados con PBS/BSA, las células fueron fijadas por 20 min. a temperatura ambiente con cytofix/cytoperm (BD Biosciences) y luego lavadas y resuspendidas en una solución perm/wash la cual las permeabiliza. Después de la permeabilización, las células fueron teñidas por 30 min. con anticuerpos conjugados específicos para diferentes citoquinas. Las muestras fueron analizadas en un FACS Calibur. El examen visual del color y la cantidad de células en los pozos después de 72 h de cultivo reveló una respuesta proliferativa mayor en esplenocitos de exPyNL, solo en presencia de exosomas y de antígeno de P. yoelli. El número de esplenocitos CD8+ T que produjeron IFN-y incrementó en animales inmunizados con exPyNL, y, después de la re-estimulación, con exosomas y antígeno total de P. yoelli (Figura 4A). Células T proliferativas CD4⁺ (CSFE low) que producen IFN-γ, solo o en combinación con IL-2, se detectaron en mayor número en el mismo grupo de animales después de la re-estimulación con antígeno total de *P. yoelli* y exosomas (Figura 4B, 4C).

Ejemplo 4

Análisis proteómico de los antígenos

Además de generar datos sobre inmunogenicidad de exosomas en infecciones experimentales de malaria utilizando el modelo murino de Balb/c - *P. yoelli*, también han sido generado datos que demuestran que los exosomas obtenidos de ratones infectados con *P. yoelli* o exosomas obtenidos de un paciente con *P. vivax* contienen antígenos del parásito. Para ello, alícuotas de 5 microgramos de exosomas purificados de ratones no infectados, ratones infectados con la cepa letal y no letal de *P. yoelli*, de un voluntario humano saludable y de un paciente con malaria de *P. vivax*, fueron analizados por espectrometría de masa.

Análisis por espectrometría de masas acoplada a cromatografía líquida

Las preparaciones de exosomas fueron resuspendidas en NH₄HCO₃ 0.4 M en urea 8M. Las muestras fueron reducidas con 5 mM DTT por 15 min a 50°C, alquilizadas con 10 mM iodoacetamida por 30 min. a temperatura ambiente y diluidas con agua grado HPLC hasta obtener una concentración de urea de 1 M. Después de digerir durante 16 h con tripsina con pureza de secuenciación 1/50 (relación enzima/proteína), la reacción fue terminada añadiendo ácido fórmico (FA) al 1% (Stone and Williams, 1996). Las muestras fueron desalineadas con POROS R2 ziptips (Jurado *et al.*, 2007) y secadas en una bomba de vacío. Posteriormente, las muestras fueron resuspendidas en 0.1% FA (sujetas a 2D LC-MS system (LC - Eksigent 1 D-plus, MS - Thermo Fisher LTQ XL with ETD, ESI source - Triversa, Adivion). Las muestras fueron colocadas individualmente en una columna de intercambio catiónico fuerte (SCX) (5 μL, Optimized Technologies), y eluídas automáticamente mediante la inyección de concentraciones crecientes de NaCl (0-500 mM NaCl en 5% acetonitrilo/0.5% FA). Los péptidos eluídos fueron atrapados y lavados en una columna casera C18 (1 cm, 75 μm, Phenomenex Luna C18, 5 μm). La separación se consiguió mediante una columna capilar C18 (20 cm, 75 μm, Phenomenex Luna C18, 5 μm) en un gradiente linear de ACN con 0.1% FA. Los espectros fueron recogidos en el modo "data-dependent acquisition mode" (Figura 5).

Análisis bioinformático

60

65

Los espectros MS/MS (figura 5) fueron convertidos a formato DTA y enviados a una búsqueda de bases de datos utilizando Sequest (Available in Bioworks 3.3.1, Thermo Fisher Scientific). Las bases de datos utilizadas de *P. vivax* y *P. yoelli* fueron las mas recientes liberadas en PLasmoDB (http://plasmodb.org), y las de secuencias contaminantes tales como queratina human, tripsina porcina, proteínas de medios de cultivo se buscaron en (http://www.ebi.ac.uk/IPI/IPIhelp.html o http://www.ncbi.nlm.nih.gov/sites/entrez?db=Protein&itool=toolbar). Todas las secuencias fueron concatenadas con la versión reversa para permitir el cálculo de falso-positivos (Elias and Gygi, 2007). Los datos obtenidos fueron filtrados para obtener aproximadamente una tasa de error de falso-positivos de 1-2%.

Notablemente, exosomas obtenidos de ratones infectados o del paciente con *P. vivax*, revelaron la presencia de proteínas de *Plasmodium* (Tabla II). Los datos de los espectros individuales validaron 100% que estos péptidos corresponden a proteínas de *Plasmodium*. Todos estos resultados demuestran inequívocamente que los exosomas contienen proteínas del parasito que causa malaria, incluyendo la malaria humana causada por *P. vivax*, y que estos son capaces de presentar antígeno, generar respuestas inmunes y protectoras en un modelo murino.

(Tabla pasa a página siguiente)
50

5		Peptide probability	8,75E-11	3,75E-09	9,73E-05	5,02E-05	2,21E-10	7,54E-07	8,52E-05	0,000569	4,49E-06	3,76E-07	1,93E-05
10		xcorr sum	87,127	70,545	37,951	31,953	38,922	33,698	27,502	25,306	20,313	19,382	8,462
15		Total number of spectra	47	36	20	15	25	4-	14	10	ω	10	4
20		Total number of of peptide	22	18	10	6	თ	o	7	7	ဖ	ည	က
25		° < 0 0 0 •	product_Papain	 +		-	productactate		26_11112 product_Papain		(_neat	ı	
30		47VNII product CEDA 9	AL produc	Z60		_/61_2980_ 	ا الص	ا ا	10126_1111 NL_produc	2343_1049; 2343_1049;	angth_580 NL_produc	- 147 30 	0368
35			1 18	F 100082_/25	utative	%LPY01986_/		73 ii_str17XNL	PY00119101 ii_str17XNL	Y Y U U U & Z	su 272_+ i_str17X		474_2572_1
40		iloox	1581_5430_+length_1205 Plasmodium yoelii yoelii str_17XNL_product	_ localionMALP Youo? i.m voelii voelii etr	9 precursor_putative length 679 um_yoelii_yoelii_str	location_M/	organism ridsimodum yoem yoem su se location MALPY01158 507 1457 organism Plasmodium yoelii yoelii str	precursor length_1773 yoelii_yoelii_s	_ location_MALPY00119_10126_11112 um_yoelii_yoelii_str17XNL product_	iocalioni_MALP Y 0 0 0 8 2_ 1 2 3 4 3_ 1 0 4 3 9_ +	1011_30ell30ellst17.NLproduct_fleat 101423_3332_5272_+length_580 ium_yoelli_yoelli_str17XNLproduct_Y13*	יייין ייייין ייייין	MALPY00
45		ition December	1581_5430_Plasmodium	pulative _ 10 Plasmodii 117	protein_9 p 09_5645	at antigen	_ MALPY011 Plasmodium	protein 1 p 11_6309 Plasmodium	ouclease _ l	1 ==	MALPY01 MALPY01 Plasmodium	oe - Iocailoi Disemodium	in_location
50		nber/descrip	LPY00082_1581_54; organism_Plasmod	protease_	zoite surface	eptide_repe	elocation_ elocation_ organism_	zoite surface >Y01871_99 _ organism_	_nucleotidase/nuclease 13 _ organism_Plasmodi	protease	50 location MALPY organism Plasmodi	alluopepiiua. Arganiem	- organisini hetical prote
55		Accession number/descripition	tg	larnily cysteine protease_ putative_ length_1133 tor_PV02883_organism_Plasmodi	product merozoite surface protein_9 precursor_putative product merozoite surface protein_9 precursor_putative location_MALPY00811_3609_5645length_679_tgr_PY05999_organism_Plasmodium_yoelii_yoelii_str_	product_octapeptide_repeat antigenlocation_MALPY01986_/61_2980 length_740 *** DV03005ccapiem_Plocation***	tg_r 103602 _ organism_rasmodum_yosm_dehydrogenase _ location_MALPY01158_507 tgr_PY05748 _ organism_Plasmodium_yoelii_	$\omega \sim \omega$	product 3nucleotidase/nucleaselocation_MALPY00° length_329	lamily cysteine protease_ putative length_1224 tar_DV04614organism_Dlamoo	shock protein 60 _ location_MALPY01423_3332_5272_+ _ length_580 tgr_PY02351 _ organism_Plasmodium_yoeliiyoeliistr17XNL product_Y13180	inditicatalytic etitopepituase _ tocation _ white 100045_ 11315_ 14 length_279 for PV01759 _ organism_Plasmodium_voalii_voalii_str17XNI	rg_r 17173 _ organism _ rasmodium_yoem_yoem_su 174NL_ product_hypothetical protein _ location_MALPY00474_2572_10368
60		\$ >	5 di	<u>o</u> <u>a</u>	5 5 5 D	ੁ <u>ਚ</u> ₹	ක් දී වි	⊈⊽p	<u> 후 한</u> 다	<u>a</u> <u>a</u> t	ម្រ ប្រម	<u> </u>	∌ ⊈.
65	Tabla II	Plasmodium yoelii XNL											

5	1,98E-11	0,000967	4,95E-05	1,32E-05	1,81E-05	0,000502	P (pro)	0,00014688	0,00037904	1,59E-05	7,96E-05	0,00057842
							a.	0,0	0,0	÷.	7,6	0,0
10	11,238	11,588	8,93	11,273	21,675	9,955	Score	2,02E+01	1,61E+01	2,22E+01	1,82E+01	1,02E+01
15	ဖ	4	ß	က	თ	လ						
20	ო	ო	м	ო	ဖ	ო	Peptide (Hits)	2 (2 0 0 0 0) 2 (0 0)	00)	00)	00)	(00
25	length_415 .ct_cell	ı			- - - - - - - - - -	-Ingoniu		2 2 5 10	5 5 100;tot	Heucal Hotios	li elicar Hotical	ובורמו וובורמו
30	prodt	_3580_+ L	, 		ı	L _ product_tubulin 46	:	product=hypothetica 3220(-) length=1422 product-icologod +P	ength=1206	ngth=1152	product=nypoinelicat length=955 product=bypothetical	ngth=1640
35	str17XNL 21_3570_540 _str17XNL	/01071_977 _str17XN	_str17XN	276	str17XN	_sui length_4	-	-1 product 043220(-) -1 product	30683(+)	1995(+) le	8600(-) ler	4640(+) le
40	yoelii_yoelii MALPY021. yoelii_yoelii	location_MALPY01071_977_3580_ um_yoelii_yoelii_str17XNL_	Type 6_B_ + length_261 um_yoelii_yoelii	putative_ 84_+ length_	um_yoelii_yoelii_str17XNL precursor length_1773	uni_yoeiisifi_Ank _3749_5925_+ length_446		m_vivax_sa 3:1038825-1	53:827063-8	5:598129-60	4:285733-28	2:119705-12
45	organism_Plasmodium_yoelii_yoelii_str_thetical protein_location_MALPY02121_3_organism_Plasmodium_yoelii_yoelii_str_	molog _ loca Pasmodium_	iit alpha Typ 8_1500_+ Nasmodium_	subunit_ put 257_17084_	_ ⊒ ← □		i	l=Plasmodiu n=CM00045 _Plasmodiu	on=CM0004	n=CM00045	n=CM00045	n=CM00044
50	organism_F netical protei	rotein 48 ho organism_F	some subur Y01255_29i organism_F	some beta_ 'Y00917_16	organism_Foote surface	cation_MALI		5 organism ved locatio	tative locati	ved location	04423 0198 ved locatio	ved locatio
55	length_2599 tgr_PY06307 _ organism_Plasmodium_yoelii_yoelii_str_17XNL_ product_hypothetical protein _ location_MALPY02121_3570_5407_ tgr_PY03639 _ organism_Plasmodium_yoelii_yoelii_str_17XNL_	division cycle protein 48 homolog_ length_816 tgr_PY04190_ organism_Plasmodi	product_proteasome subunit alpha Type 6_B_ location_MALPY01255_298_1500_+length_261 tgr_PY03212organism_Plasmodium_yoelii_yoelii_str17XNL_	product_proteasome beta_subunit_putative_ location_MALPY00917_16257_17084_+ length_276	tgr_PY05748 _ organism_Plasmodii product_merozoite surface protein 1 location_MALPY01871_991_6309_	tgrooz_rrorganismrrasmour beta chainlocation_MALPY01854	Reference	gb PVX_116515 organism=Plasmodium_vivax_sal-1 product=hypothetical protein, conserved location=CM000453:1038825-1043220(-) length=1422	gol, VA_00207.5 organism=1 rasmodram_vivax_0a1*1 product=1soredcyrtmvA synthetase, putative location=CM000453:827063-830683(+) length=1206 BEVAHDVY_199470 organism_Discordium_vivox_0a1*1 product_broathotion	ncvgb VA_1224/0 Oganish=rashrodidh_VVXA_3a-1 product=rypo protein, conserved location=CM000455:598129-601995(+) length=1152 REVahlDVX_084425 organism=Desmodium_vivax_Sal-1 product=hypo	ncvgbjr v.vvo442.3 organism=Frasmodium_vivax_Sar-1 product=11y protein, conserved location=CM000454:285733-288600(-) length=955 REVablDVX_087755 organism=Plasmodium_vivay_Sal-1 product=bw	protein, conserved location=CM000442:119705-124640(+) length=1640
60	leng tgr_ proc	ਰੂ <u>ਵ</u> ੇ	g og g	절		<u> </u>			S S	: <u>\$</u> 6	<u> </u>	prd
65					Plasmodium yoelii XL		: č	riasmodium vivax				

Referencias

15

25

30

35

40

45

50

55

60

- **Bhatnagar**, S., **Shinagawa**, K., **Castellino**, F.J., and **Schorey**, J.S. (2007). Exosomes released from macrophages infected with intracellular pathogens stimulate a proinflammatory response *in vitro* and *in vivo*. *Blood* 110, 3234-3244.
- De La **Pena**, H., **Madrigal**, J.A., **Rusakiewicz**, S., **Bencsik**, M., **Cave**, G.W., **Selman**, A., **Rees**, R.C., **Travers**, P.J., and **Dodi**, I.A. (2009). Artificial exosomes as tools for basic and clinical immunology. *Journal of immunological methods* 344, 121-132.
- **Elias**, J.E., and **Gygi**, S.P. (2007). Target-decoy search strategy for increased confidence in large-scale protein identifications by mass spectrometry. *Nat Methods* 4, 207-214.
 - **Jurado**, J.D., **Rael**, E.D., **Lieb**, C.S., **Nakayasu**, E., **Hayes**, W.K., **Bush**, S.P., and **Ross**, J.A. (2007). Complement inactivating proteins and intraspecies venom variation in *Crotalus oreganus helleri*. *Toxicon* 49, 339-350.
 - **Schorey**, J.S., and **Bhatnagar**, S. (2008). Exosome function: from tumor immunology to pathogen biology. *Traffic* (Copenhagen, Denmark) 9, 871-881.
- **Stone**, K.L., and **Williams**, K.R. (1996). Enzymatic digestión of proteins in solution and in SDS polyacrilamide gel. In The protein protocol handbook, J.M. Walker, ed. (Totowa, NJ, *Humana Press Inc.*).

REIVINDICACIONES

- 1. Exosoma aislado a partir de reticulocitos que comprende al menos un antígeno de *Plasmodium sp* en su interior o en su superficie.
- 2. Exosoma de acuerdo con la reivindicación 1 donde dicho antígeno o antígenos presentes en el exosoma pertenecen a Plasmodium vivax, Plasmodium falciparum, Plasmodium malariae, Plasmodium ovale, Plasmodium voelli P. achiotense, P. achromaticum, P. aegyptensis, P. aeuminatum, P. agamae, P. anasum, P. atheruri, P. azurophilum, P. balli, P. bambusicolai, P. basilisci, P. berghei, P. bigueti P. brasilianum, P. brygooi, P. booliati, P. bubalis, P. bucki, P. coatneyi, P. cathemerium, P. cephalophi, P. chabaudi, P. chiricahuae, P. circularis, P. cnemidophori, P. coatneyi, P. coggeshalli, P. colombiense, P. corradettii, P. coturnix, P. coulangesi, P. cuculus, P. popo, P. cyclopsi, P. cynomolgi, P. diminutivum, P. diploglossi, P. dissanaikei, P. dominicana, P. durae, P. egerniae, P. elongatum, P. eylesi, P. fabesia, P. fairchildi, P. fallax, P. fieldi, P. foleyi, P. forresteri, P. floridense, P. fragüe, P. garnhami, P. gallinaceum, P. giganteum, P. giovannolai, P. girardi, P. gonatodi, P. gonderi, P. georgesi, P. gracilis, P. griffithsi, P. guanggong, P. gundersi, P. guyannense, P. heischi, P. hegneri, P. hermani, P. heteronucleare, P. hexamerium, P. holaspi, P. huffi, P. hylobati, P. icipeensis, P. inopinatum, P. inui, P. jefferi, P. josephinae, P. juxtanucleare, P. kempi, P. knowlesi, P. kentropyxi, P. leanucteus, P. lemuris, P. lophurae, P. lepidoptiformis, P. lygosomae, P. mabuiae, P. mackerrasae, P. maculilabre, P. maior, P. marginatum, P. matutinum, P. mexicanum, P. minasense, P. morulum, P. nucleophilium, P. octamerium, P. odocoilei, P. papernai, P. paranucleophilum, P. parvulum, P. pedioecetii, P. pelaezi, P. percygarnhami, P. petersi, P. pifanoi, P. pinotti, P. pinorrii, P. pitheci, P. pitmani, P. polare, P. praecox, P. reichenowi, P. relictum, P. rhadinurum, P. rhodaini, P. robinsoni, P. rouxi, P. sandoshami, P. sasai, P. schweitzi, P. silvaticum, P. simium, P. semiovale, P. shortii, P. smirnovi, P. subpraecox, P. tenue, P. tejerai, P. tomodoni, P. torrealbai, P. traguli, P. tribolonoti, P. tropiduri, P. uilenbergi, P. watteni, P. wenyoni, P. vacuolatum, P. vastator, P. vaughani, P. vinckei, P. volans y/o P. youngi.
 - 3. Exosoma de acuerdo con la reivindicación 2 donde dicho antígeno o antígenos presentes en el exosoma pertenecen a *Plasmodium vivax*, *Plasmodium falciparum*, *Plasmodium malariae*, *Plasmodium ovale*, *Plasmodium yoelli*, *P. berghei*, *P. brasilianum*, *P. chabaudi*, *P. cynomolgi*, *P. fragüe*, *P. knowlesi* y/o *P. reichenowi*.
- 4. Exosoma de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores donde dicho exosoma ha sido aislado a partir de reticulocitos de mono, de ratón y/o humanos.
- 5. Uso de un exosoma de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores para su uso en la elaboración de un medicamento para la prevención y profilaxis frente a la malaria.
 - 6. Método para la obtención de los exosomas de acuerdo con la reivindicación 1 que comprende:
 - a) obtener una muestra de sangre infectada con *Plasmodium sp.*,

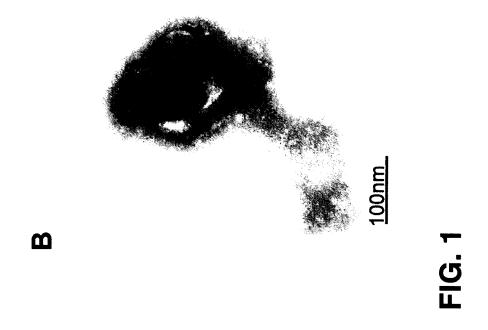
30

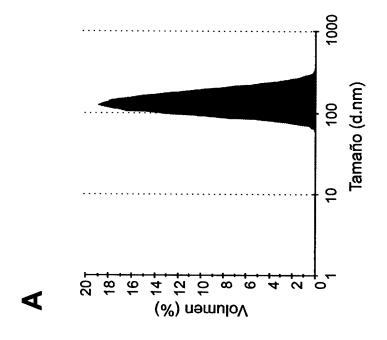
35

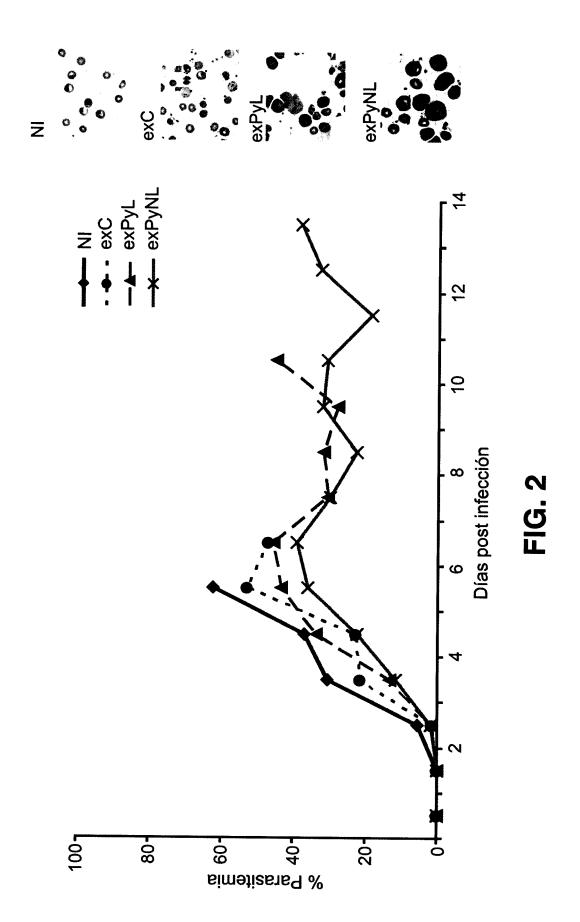
- b) obtener la fracción de exosomas derivada de reticulocitos mediante ultracentrifugación secuencial de la muestra de sangre de a).
- 7. Método de acuerdo con la reivindicación 6 donde la muestra de sangre puede estar infectada con Plasmodium 45 vivax, Plasmodium falciparum, Plasmodium malariae, Plasmodium ovale, Plasmodium yoelli P. achiotense, P. achromaticum, P. aegyptensis, P. aeuminatum, P. agamae, P. anasum, P. atheruri, P. azurophilum, P. balli, P. bambusicolai, P. basilisci, P. berghei, P. bigueti P. brasilianum, P. brygooi, P. booliati, P. bubalis, P. bucki, P. coatneyi, P. cathemerium, P. cephalophi, P. chabaudi, P. chiricahuae, P. circularis, P. cnemidophori, P. coatneyi, P. coggeshalli, P. colombiense, P. corradettii, P. coturnix, P. coulangesi, P. cuculus, P. popo, P. cyclopsi, P. cynomolgi, P. diminutivum, P. diploglossi, P. dissanaikei, P. dominicana, P. durae, P. egerniae, P. elongatum, P. eylesi, P. fabesia, P. fairchildi, P. fallax, P. fieldi, P. foleyi, P. forresteri, P. floridense, P. fragile, P. garnhami, P. gallinaceum, P. giganteum, P. giovannolai, P. girardi, P. gonatodi, P. gonderi, P. georgesi, P. gracilis, P. griffithsi, P. guanggong, P. gundersi, P. guyannense, P. heischi, P. hegneri, P. hermani, P. heteronucleare, P. hexamerium, P. holaspi, P. huffi, P. hylobati, P. icipeensis, P. inopinatum, P. inui, P. jefferi, P. josephinae, P. juxtanucleare, P. kempi, P. knowlesi, P. kentropyxi, P. leanucteus, P. lemuris, P. lophurae, P. lepidoptiformis, P. lygosomae, P. mabuiae, P. mackerrasae, P. maculilabre, P. maior, P. marginatum, P. matutinum, P. mexicanum, P. minasense, P. morulum, P. nucleophilium, P. octamerium, P. odocoilei, P. papernai, P. paranucleophilum, P. parvulum, P. pedioecetii, P. pelaezi, P. percygarnhami, P. petersi, P. pifanoi, P. pinotti, P. pinorrii, P. pitheci, P. pitmani, P. polare, P. praecox, P. reichenowi, P. relictum, P. rhadinurum, P. rhodaini, P. robinsoni, P. rouxi, P. sandoshami, P. sasai, P. schweitzi, P. silvaticum, P. simium, P. semiovale, P. shortii, P. smirnovi, P. subpraecox, P. tenue, P. tejerai, P. tomodoni, P. torrealbai, P. traguli, P. tribolonoti, P. tropiduri, P. uilenbergi, P. watteni, P. wenyoni, P. vacuolatum, P. vastator, P. vaughani, P. vinckei, P. volans y/o P. youngi.
 - 8. Método de acuerdo con la reivindicación 7 donde la muestra de sangre puede estar infectada con *Plasmodium vivax*, *Plasmodium falciparum*, *Plasmodium malariae*, *Plasmodium ovale*, *Plasmodium yoelli*, *P. berghei*, *P. brasilianum*, *P. chabaudi*, *P. cynomolgi*, *P. fragile*, *P. knowlesi* y/o *P. reichenowi*.

9. Método de acuerdo con la reivindicación 6 donde la ultracentrifugación secuencial de la etapa b) comprende:

	i)	centrifugar entre 400-900 x g durante 25-35 minutos
5	ii)	centrifugar entre 10 000-14 000 x g durante 20-40 minutos
	iii)	centrifugar entre 90 000-110 000 x g durante 1 -3 horas.
10	10. Com y al menos u	posición farmacéutica que comprende exosomas de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones 1 a un excipiente farmacéuticamente aceptable.
	11. Vacu	na frente a la malaria que comprende exosomas de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones 1 a 4.
15		
20		
25		
30		
35		
55		
40		
40		
45		
50		
55		
60		
65		







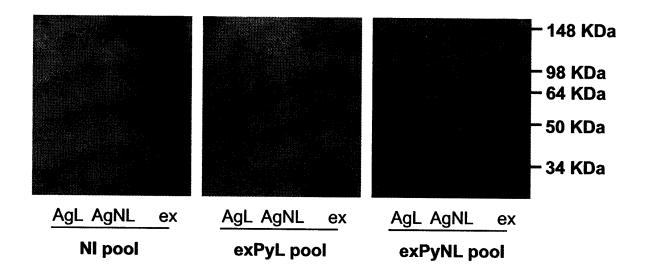
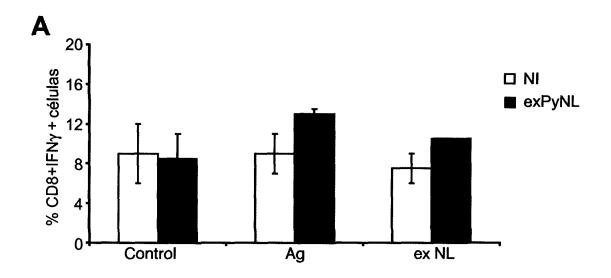
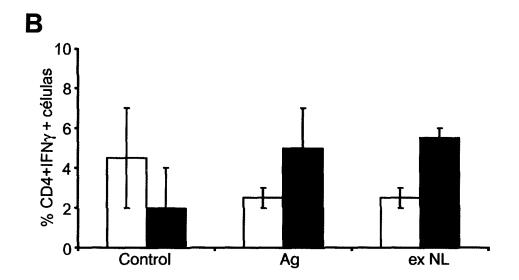
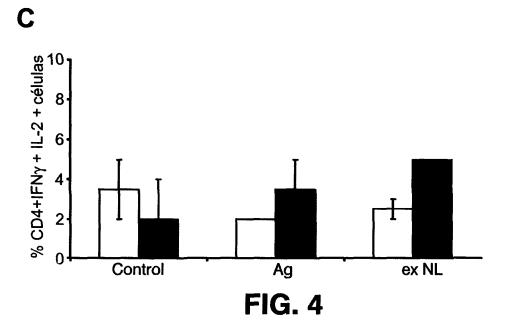


FIG. 3







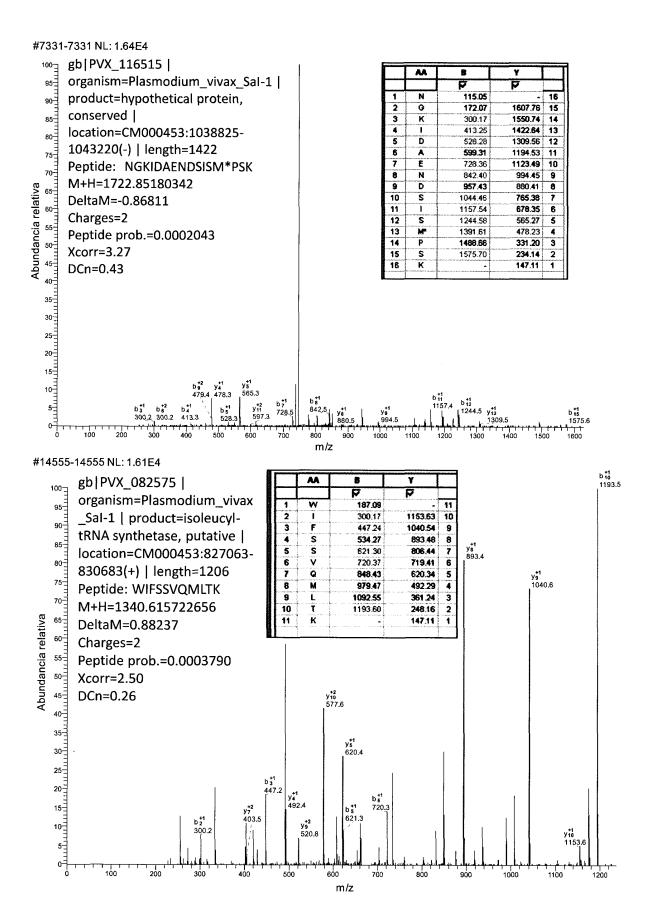
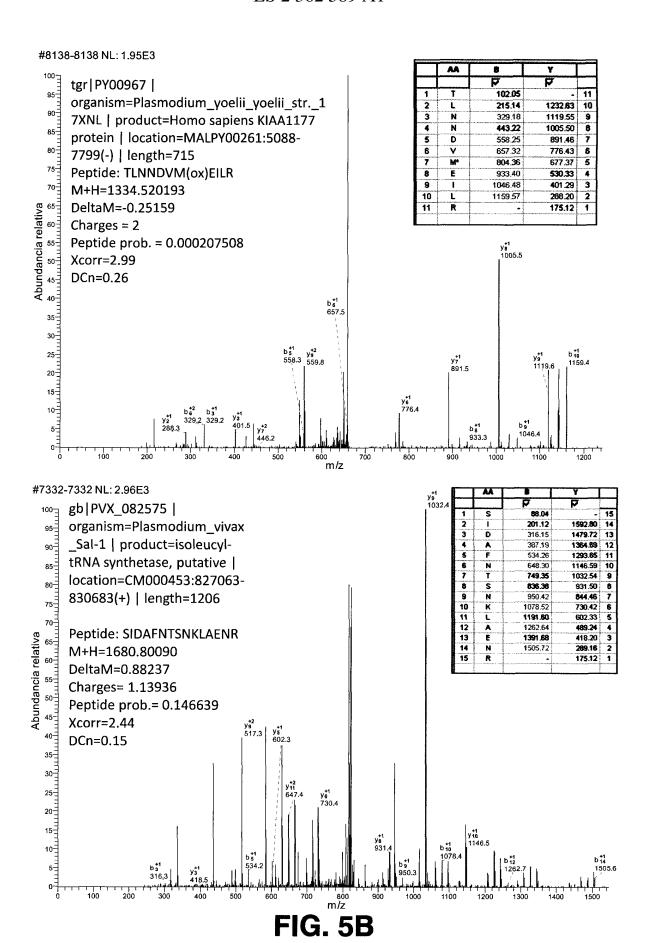
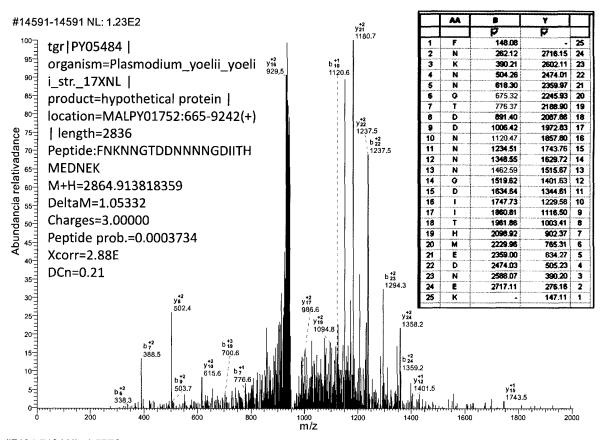


FIG. 5A



18



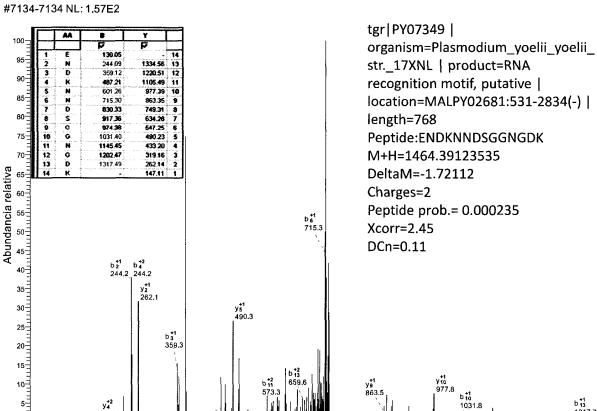
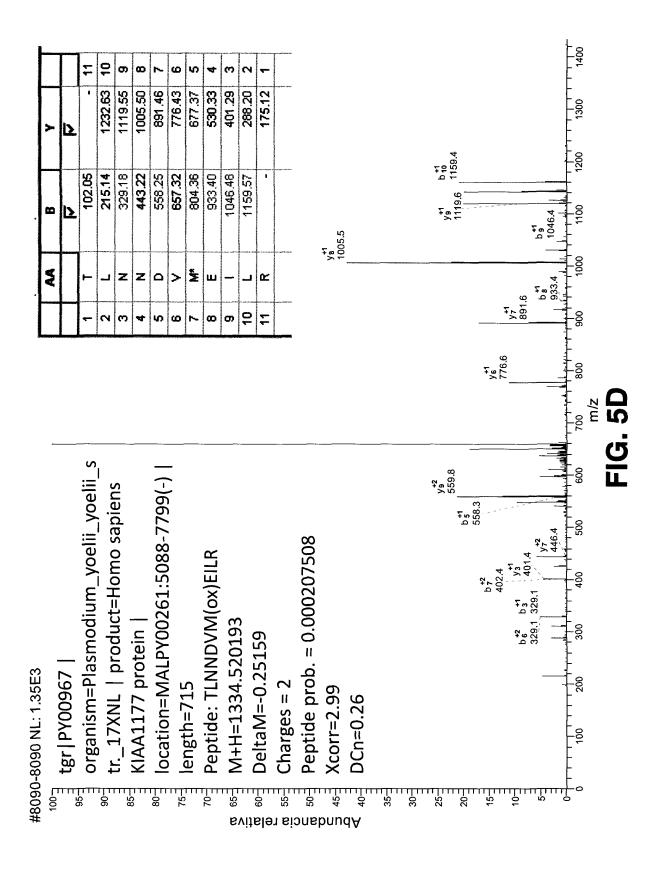


FIG. 5C





(2) N.º solicitud: 200931275

22 Fecha de presentación de la solicitud: 28.12.2009

32 Fecha de prioridad:

INFORME SOBRE EL ESTADO DE LA TECNICA

⑤ Int. Cl.:	Ver Hoja Adicional		

DOCUMENTOS RELEVANTES

Categoría	Reivindicaciones afectadas						
А		s are an effective vaccine against congenital toxoplasmosis in en 27, páginas 1750-1757, todo el documento.	1-11				
А		S. Exosome Function: From Tumor Immunology to Pathogen páginas 871-881, página 871, resumen; página 877, l.	1-11				
А		e Treatment of Human Malignancies. Horm Metab Res. 2008. a 82, resumen; página 86, columna 2 - página 87, columna 1.	1-11				
А	WO 2008092153 A2 (UNIVERSIT página 4, línea 25 – página 7, línea	TY OF LOUISVILLE RESEARCH FOUNDATION) 31.07.2008, a 11.	1-11				
А	ENGWERDA ChR. et al. The impo Volumen 21 (2), páginas 75-80, pá	ortance of the spleen in malaria. TRENDS in Parasitology. 2005. gina 77, columnas 1 y 2.	1-11				
X: d Y: d n	Categoría de los documentos citados X: de particular relevancia Y: de particular relevancia combinado con otro/s de la misma categoría A: refleja el estado de la técnica C: referido a divulgación no escrita P: publicado entre la fecha de prioridad y la de pre de la solicitud E: documento anterior, pero publicado después de de presentación de la solicitud						
	El presente informe ha sido realizado Impara todas las reivindicaciones Impara las reivindicaciones nº:						
Fecha	de realización del informe 22.03.2011	Examinador M. García Grávalos	Página 1/5				

INFORME DEL ESTADO DE LA TÉCNICA Nº de solicitud: 200931275 CLASIFICACIÓN OBJETO DE LA SOLICITUD G01N33/569 (2006.01) **A61K39/015** (2006.01) **A61P31/00** (2006.01) Documentación mínima buscada (sistema de clasificación seguido de los símbolos de clasificación) G01N, A61K, A61P Bases de datos electrónicas consultadas durante la búsqueda (nombre de la base de datos y, si es posible, términos de búsqueda utilizados) INVENES, EPODOC, WPI, MEDLINE, BIOSIS, NPL, EMBASE, XPESP, GOOGLE SCHOLAR, GOOGLE PATENTES, USPTO PATENT DATABASE

OPINIÓN ESCRITA

Nº de solicitud: 200931275

Fecha de Realización de la Opinión Escrita: 22.03.2011

Declaración

Novedad (Art. 6.1 LP 11/1986)

Reivindicaciones 1-11

Reivindicaciones NO

Actividad inventiva (Art. 8.1 LP11/1986)

Reivindicaciones 1-11

Reivindicaciones NO

Se considera que la solicitud cumple con el requisito de aplicación industrial. Este requisito fue evaluado durante la fase de examen formal y técnico de la solicitud (Artículo 31.2 Ley 11/1986).

Base de la Opinión.-

La presente opinión se ha realizado sobre la base de la solicitud de patente tal y como se publica.

Nº de solicitud: 200931275

1. Documentos considerados.-

A continuación se relacionan los documentos pertenecientes al estado de la técnica tomados en consideración para la realización de esta opinión.

Documento	Número Publicación o Identificación	Fecha Publicación		
D01	BEAUVILLAIN C. et al. Vaccine. Enero 2009. Volumen 27, páginas 1750-1757.	Enero-2009		
D02	SCHOREY JS. & BHATNAGAR S. Traffic. 2008. Volumen 9, páginas 871-881.	2008		
D03	VIAUD S. et al. Horm Metab Res. 2008. Volumen 40, páginas 82-88	2008		
D04	WO 2008092153 A2	31.07.2008		
D05	ENGWERDA ChR. et al. TRENDS in Parasitology. 2005. Volumen 21 (2), páginas 75-80.	2005		

2. Declaración motivada según los artículos 29.6 y 29.7 del Reglamento de ejecución de la Ley 11/1986, de 20 de marzo, de Patentes sobre la novedad y la actividad inventiva; citas y explicaciones en apoyo de esta declaración

La presente invención divulga un exosoma, aislado de reticulocitos de mono, ratón y/o humanos, que contiene al menos un antígeno de *Plasmodium* sp. (reivindicaciones 1-4), al método para su obtención y a su uso para elaborar un medicamento, composición farmacéutica y/o vacuna para prevención y profilaxis de la malaria (reivindicaciones 5-11).

El documento D01 divulga el uso de exosomas en una vacuna frente a toxoplasmosis congénita en ratones, así como su posible uso en humanos como un nuevo tipo de vacuna que no contiene células sino exosomas que presentan antígenos y que transfieren material biológico entre células, constituyendo una diana inmunológica capaz de inducir una respuesta inmune efectiva (ver todo el documento).

El documento D02 se refiere a un estudio sobre los exosomas y sus funciones biológicas, entre ellas la de candidatos a posibles vacunas frente a enfermedades infecciosas, debido a que los exosomas aislados de células infectadas con patógenos intracelulares como *Mycobacterium* tuberculosis o *Toxoplasma gondii* contienen componentes microbianos y pueden promover la presentación de antígenos y la activación de macrófagos (ver página 871, resumen; página 877, columna 2 - página 878, columna 1).

El documento D03 se refiere al uso de exosomas para tratamiento de enfermedades humanas, especialmente en su potencial como vacunas libre de células para combatir el cáncer. También se refiere a su capacidad de presentar antígenos específicos que producen una respuesta inmune efectiva frente a infecciones como las provocadas por *Toxoplasma gondii* lo que hace que se las considere como potenciales vacunas frente a este y otros microorganismos patógenos (ver página 82, resumen; página 86, columna 2 - página 87, columna 1).

El documento D04 divulga un exosoma aislado de una célula, que comprende uno o más antígenos, incluso antígenos exógenos, y que es deficiente en uno o más de los polipéptidos inmunosupresores que normalmente se encuentran en estas moléculas. También se refiere a métodos de obtención de dichos exosomas y a su uso para tratamiento de cancer (ver página 4, línea 25 - página 7, línea 11).

El documento D05 se refiere a la importante función del bazo en el desarrollo de la malaria. Este órgano, es un lugar clave para renovación de los glóbulos rojos parasitados durante la malaria, donde se genera inmunidad y producción de nuevos glóbulos rojos. Este estudio sugiere que cuando el antígeno es capturado por las células dendríticas, presentadoras de antígeno, para generar la respuesta inmune, la transferencia del antígeno puede realizarse por exosomas o por fagocitosis de macrófagos. (ver página 77, columnas 1 y 2).

1. NOVEDAD Y ACTIVIDAD INVENTIVA (Art. 6.1 y Art. 8.1 LP 11/1986)

El objeto técnico de la presente solicitud es un exosoma, que contiene al menos un antígeno de *Plasmodium* sp., un método para su obtención y su uso para elaborar un medicamento y/o vacuna para prevención y profilaxis de la malaria

1.1. REIVINDICACIONES 1-11

El documento D01 se considera el más cercano al estado de la técnica ya que anticipa el uso de exosomas en una vacuna frente a toxoplasmosis congénita en ratones y su posible uso en humanos.

OPINIÓN ESCRITA

Nº de solicitud: 200931275

Los documentos D02 y D03 también anticipan el uso de exosomas, aislados de células infectadas con patógenos intracelulares, como *Mycobacterium* tuberculosis o *Toxoplasma gondii*, contienen componentes microbianos y pueden promover la presentación de antígenos como posibles vacunas libres de células.

Aunque el uso de los exosomas para elaboración de vacunas y es conocido en el estado de la técnica, sin embargo, la presente invención difiere de los documentos anteriormente citados en que reivindica un exosoma que contiene al menos un antígeno de *Plasmodium* sp., que puede ser de diferentes especies de *Plasmodium*, que se obtiene de sangre infectada con este organismo y su uso para elaborar un medicamento para prevención y profilaxis de la malaria, enfermedad difícil de combatir y de encontrar una vacuna específica para ella. Por tanto, se considera que invención divulgada en la presente solicitud resulta inventiva ya que supone una mejora considerablemente respecto a lo divulgado en el estado de la técnica.

En consecuencia, según lo divulgado en los documentos D01-D03, las reivindicaciones 1-11 cumplen los requisitos de novedad y actividad inventiva (Art. 6.1 y Art. 8.1 LP 11/1986).

Los documentos D04 y D05 se refieren al estado de la técnica y no se consideran relevantes en relación con el objeto de la invención.