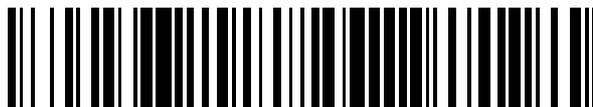


19



OFICINA ESPAÑOLA DE
PATENTES Y MARCAS

ESPAÑA



11 Número de publicación: **2 408 137**

21 Número de solicitud: 201131840

51 Int. Cl.:

G06T 9/00 (2006.01)

G06K 9/00 (2006.01)

12

SOLICITUD DE PATENTE

A1

22 Fecha de presentación:

15.11.2011

43 Fecha de publicación de la solicitud:

18.06.2013

56 Se remite a la solicitud internacional:

PCT/ES2012/070796

71 Solicitantes:

SERVICIO ANDALUZ DE SALUD (33.3%)

Avda. de la Constitución 18

41071 Sevilla ES;

UNIVERSIDAD DE SEVILLA (33.3%) y

**CONSEJO SUPERIOR DE INVESTIGACIONES
CIENTÍFICAS (CSIC) (33.3%)**

72 Inventor/es:

ESCUADERO CUADRADO, Luis;

MONTERO SÁNCHEZ, Adoración;

PARADAS LÓPEZ, Carmen;

RIVAS INFANTE, Eloy;

PASCUAL BRAVO, Alberto;

SÁEZ MANZANO, Aurora;

SERRANO GOTARREDONA, Carmen y

ACHA PIÑERO, Begoña

74 Agente/Representante:

ILLESCAS TABOADA, Manuel

54 Título: **MÉTODO PARA OBTENER INFORMACIÓN ÚTIL PARA EL DIAGNÓSTICO DE
ENFERMEDADES NEUROMUSCULARES**

57 Resumen:

Método para obtener información útil para el diagnóstico de enfermedades neuromusculares. Procedimiento para obtener, a partir de la biopsia de un paciente, nuevos parámetros que permiten diagnosticar de manera objetiva diferentes enfermedades neuromusculares y su grado de afectación al paciente, que comprende:

- realizar una tinción de la biopsia para resaltar las fibras musculares tipo I, las fibras musculares tipo II y el endomisio;

- obtener una imagen de la biopsia tras la tinción;

- segmentar la imagen para identificar los contornos de las fibras musculares;

- formar una red donde las fibras musculares constituyen nodos y los contactos entre fibras musculares constituyen las uniones entre los nodos;

- formar un vector característico de la biopsia cuyos elementos se eligen entre parámetros geométricos de las fibras y parámetros de la red construida; y

- comparar biopsias control y afectas por medio de ACP utilizando en cada caso el vector característico seleccionado.

ES 2 408 137 A1

DESCRIPCIÓN

MÉTODO PARA OBTENER INFORMACIÓN ÚTIL PARA EL DIAGNÓSTICO DE ENFERMEDADES NEUROMUSCULARES

OBJETO DE LA INVENCION

5

El objeto de la presente invención es un método para obtener, a partir de la biopsia de un paciente, un conjunto de nuevos parámetros que permiten, mediante un estudio histológico comparativo, diagnosticar de manera objetiva diferentes enfermedades neuromusculares y su grado de afectación al
10 paciente. Además, el método puede realizarse de manera automática por ordenador.

ANTECEDENTES DE LA INVENCION

15

El músculo esquelético constituye el músculo voluntario y está inervado por las neuronas motoras del sistema nervioso somático. El músculo esquelético está constituido por células tubulares muy largas, también denominadas fibras musculares, cuyos diámetros oscilan entre 10 y 100 micras y que contienen muchos núcleos ubicados en la periferia de la célula.

20

Las fibras musculares están separadas unas de otras por una red de tejido conectivo laxo compuesto de fibras de colágeno y reticulares denominado endomisio. A su vez, las fibras musculares se agrupan formando fascículos, que están rodeados por un tejido conectivo denominado perimisio.

25

Las fibras musculares pueden ser de dos tipos normalmente denominados tipo I y tipo II, estando dispuestos ambos tipos de fibras según un mosaico desordenado a lo largo de los fascículos (Helliwell, 1999; O'Ferrall and Sinnreich, 2009; Pette and Staron, 2000). El tipo de fibra muscular depende de la naturaleza de la neurona motora que la inerva:

30

Fibras tipo I: Contienen una isoforma de miosina que utiliza ATP a baja velocidad. Son fibras de contracción lenta.

Fibras tipo II: Contienen una isoforma de miosina que utiliza ATP a

alta velocidad. Son fibras de contracción rápida.

El diagnóstico de las enfermedades neuromusculares está principalmente basado en la caracterización histológica y la evaluación morfológica de secciones de muestras musculares, normalmente biopsias del
5 músculo esquelético (Dubowitz and Sewry, 2006). Para este diagnóstico, es de vital importancia la determinación del tamaño y de las proporciones entre los dos tipos de fibras, así como el tamaño de las fibras de colágeno, ya que el tipo de problema en los componentes de la conexión muscular (neurona
10 motora-axón-músculo) se refleja en un patrón característico de la sección muscular.

Principalmente se pueden distinguir tres patrones característicos correspondientes a dos grupos de enfermedades:

15

1) Miopatía con origen en el propio músculo

a. Patrón distrófico: Se caracteriza por un aumento de endomisio debido a la aparición de fibrosis. Las fibras adquieren una morfología más
20 redondeada. La afectación suele ser homogénea dentro del músculo, y afecta a todos los músculos. No es frecuente la selectividad de afectación entre fibras tipo I y tipo II.

b. Patrón no distrófico: Las fibras adquieren también una morfología más redondeada, aunque sin aumento de endomisio. Se observa una mayor
25 disparidad entre los tamaños de las fibras

2) Patología neuromuscular con origen en el sistema nervioso periférico

30 c. Patrón de atrofia neurógena: Gran cantidad de fibras normales a simple vista, aunque aparecen pequeños grupos sin patrón específico de células pequeñas. Puede afectar más a unos músculos que a otros.

Puede presentar selectividad en la afectación de fibras tipo I y tipo II, aunque no ocurre siempre. Pueden aparecer reinervaciones, lo cual elimina el mosaico. En casos muy avanzados, pueden aparecer principios de fibrosis.

5

Actualmente, la evaluación morfológica de las biopsias o secciones musculares para realizar el diagnóstico es realizada visualmente por médicos especialistas denominados patólogos. Es fácil apreciar que existe un elevado grado de subjetividad en estos diagnósticos basados en la interpretación visual de los patólogos, pudiendo aparecer diferencias en los diagnósticos en función del grado de formación, de la experiencia o de la pericia de cada patólogo. Además, actualmente los patólogos son capaces de determinar la presencia o ausencia de una determinada enfermedad y de estimar el grado de afectación o de evolución en el paciente, pero no pueden cuantificarlo.

15

Recientemente se ha descubierto la utilidad de aplicar la teoría de redes a la caracterización de la organización de los tejidos. La teoría de redes se ha utilizado ampliamente para analizar diversos tipos de procesos o sistemas biológicos complejos a diferentes escalas, desde interacciones entre moléculas hasta interacciones entre especies. Sin embargo, su aplicación a nivel de individuo o de grupos de células ha sido limitada hasta la publicación del artículo "Epithelial organisation revealed by a network of cellular contacts", de Luis M. Escudero et al. (Escudero et al., 2011). El método descrito en este artículo está basado en el análisis de las imágenes de tejidos la mosca *Drosophila* y de pollo, que están básicamente constituidas por simples células poligonales de diferentes tamaños según el tipo de epitelio. De este análisis se obtienen una serie de parámetros fundamentalmente basados en el tamaño, forma y conectividad de dichas células, construyéndose un vector característico de cada muestra. Se descubre entonces que el vector característico de cada muestra permite identificar cambios en el epitelio como consecuencia de la mutación de un gen, diferenciar entre tejidos de uno u otro organismo, e incluso identificar diferentes estados de crecimiento de un mismo

20

25

30

organismo, todo ello de forma automática y objetiva.

DESCRIPCIÓN DE LA INVENCION

5 La presente invención describe un método que aplica los recientes descubrimientos relacionados con la teoría de redes para obtener nuevos parámetros específicos capaces de caracterizar una biopsia de tejido músculo esquelético de un paciente. La comparación del vector característico correspondiente a la biopsia del paciente con el vector característico correspondiente a una biopsia control permitirá determinar de un modo objetivo
10 la existencia de posibles enfermedades musculares. Es más, en función de la diferencia entre unos parámetros y otros, será posible incluso determinar el grado de afectación del paciente.

15 El método está desarrollado específicamente para el tejido músculo esquelético que, como se ha mencionado anteriormente, está formado por fibras musculares alargadas agrupadas en fascículos. Cada fibra se interpreta como un nodo de la red, mientras que los contactos entre fibras constituyen las uniones entre los nodos de la red. El método de la invención reconoce dos
20 tipos de nodos según si la fibra muscular es de tipo I o de tipo II, y además tiene en cuenta el colágeno almacenado en forma de endomisio en las fronteras entre fibras.

 Según un primer aspecto de la invención, el método para obtener
25 información útil para el diagnóstico de enfermedades neuromusculares a partir de una biopsia de tejido músculo esquelético comprende los siguientes pasos:

1) Realizar una tinción de la biopsia para resaltar las fibras musculares
30 tipo I, las fibras musculares tipo II y el endomisio.

 El objeto de la tinción es poder identificar visualmente en la

muestra los dos tipos de fibras musculares (tipo I y tipo II), así como el endomisio. En principio, se podría aplicar cualquier tipo de tinción capaz de conseguir este propósito, aunque preferentemente se aplican preparaciones de dos anticuerpos que tiñen de colores diferentes dos elementos de entre los tres mencionados. Es decir, se tiñen dos de ellos de colores diferentes, quedando el color del tercero sin modificar.

Más concretamente, en una realización preferida de la invención se aplica un primer anticuerpo que actúa contra la proteína colágeno VI para teñir el endomisio de un primer color (verde) y un segundo anticuerpo que actúa contra la cadena pesada de la isoforma lenta de la miosina (concretamente sMyHC) para teñir las fibras musculares tipo I de un segundo color (rojo). Las fibras musculares tipo II, que no han sido teñidas, se mantienen de un color oscuro cercano al negro.

2) Obtener una imagen de la biopsia tras la tinción.

Para obtener la imagen se utiliza preferentemente un microscopio de fluorescencia, normalmente conectado a un ordenador. La imagen se obtiene de una zona de la biopsia carente de artefactos causados durante la preparación de la misma. El resultado es una imagen que contiene fundamentalmente un mosaico de fibras musculares de colores rojo (tipo I) y negro (tipo II) separadas por bandas de color verde (endomiso).

3) Segmentar la imagen para identificar los contornos de las fibras musculares.

Se lleva a cabo a continuación un paso de segmentación para separar de un modo claro las diferentes fibras musculares del

endomio. En principio, se podrían utilizar diferentes técnicas de segmentación conocidas en la técnica, aunque en una realización preferida de la invención se aplica la transformada de Watershed.

5 Esta técnica requiere del diseño de marcadores que identifiquen las fibras que deseamos segmentar mediante la aplicación de distintos operadores de morfología matemática. El objetivo es encontrar los mínimos locales de la imagen que indiquen la presencia de fibras musculares, para después aplicar la Transformada Watershed que ya sí identificará de una manera exacta el contorno de cada fibra. Para evitar que algunos capilares se confundan con dichas fibras, se aplican condiciones de color, basadas en los planos R (rojo), G (verde) y en el plano B cuando se realiza una ecualización del histograma

15

4) Formar una red donde las fibras musculares constituyen nodos y los contactos entre fibras musculares constituyen las uniones entre los nodos.

20 Una vez realizada la segmentación, se identifican las fibras y se representa la imagen como un grafo formado por nodos (las fibras musculares) y uniones entre esos nodos (cada fibra/nodo está unida a las fibras/nodos vecinos, es decir, aquellos que están en contacto con ella).

25

Además, puesto que existen fibras de tipo I y fibras de tipo II, también existirán nodos de tipo I y nodos de tipo II. La información acerca del tipo de nodo se utilizará para determinar diferentes parámetros de red, según se describirá más adelante en este documento. Por ejemplo, permitirá calcular cuántos vecinos de tipo I tiene una fibra de tipo II, el tamaño medio de las fibras de tipo I, y otros parámetros similares.

30

Según una realización preferida de la invención, este paso comprende además representar gráficamente la biopsia como un grafo formado por los nodos y las uniones entre nodos, estando los nodos ubicados en el centro de masa de cada fibra.

5

- 5) Formar un vector característico de la biopsia cuyos elementos se eligen entre parámetros geométricos de las fibras y parámetros de red.

10

Por último, se construye un vector característico que comprende al menos un parámetro de red o parámetro geométrico de las fibras. Preferentemente, los parámetros del vector característico se eligen entre los siguientes:

1	Área media de las fibras
2	Desviación típica del área de las fibras
3	Número medio de vecinos de cada fibra
4	Desviación típica del número de vecinos de cada fibra
5	Área media de las fibras tipo I
6	Desviación típica del área de las fibras tipo I
7	Área media de las fibras tipo II
8	Desviación típica del área de las fibras tipo II
9	Desviación típica del número de vecinos de las fibras tipo I
10	Desviación típica del número de vecinos de las fibras tipo II
11	Número medio de vecinos tipo I de las fibras tipo I
12	Número medio de vecinos tipo II de las fibras tipo I
13	Número medio de vecinos tipo I de las fibras tipo II
14	Número medio de vecinos tipo II de las fibras tipo II
15	Media del cociente A1/A2
16	Desviación típica del cociente A1/A2
17	Dimensión media del eje mayor de las fibras
18	Dimensión media del eje menor de las fibras

19	Media de la relación de ejes
20	Desviación típica de la relación de ejes
21	Media de la envoltura convexa
22	Desviación típica de la envoltura convexa
23	Ángulos medios
24	Desviación típica de los ángulos
25	Media cociente área fibra/ área media fibras vecinas
26	Desviación típica cociente área fibra/ área media fibras vecinas

donde:

5 - Cociente $A1/A2$: área de cada fibra tras la segmentación partida por el área de la fibra tras la expansión proporcional

10 - Relación de ejes: es la relación entre el eje mayor y eje menor de una fibra, entendiendo como tales los ejes mayor y menor de la elipse que tiene el mismo segundo momento central normalizado que la fibra.

15 - Envoltura convexa: Proporción de píxeles de la envoltura convexa que también pertenecen a la fibra, entendiendo por envoltura convexa el polígono convexo más pequeño posible que contiene a la fibra.

- Ángulos: El ángulo que forma el eje mayor con el eje x.

20 De este modo, es posible elegir un subgrupo de estos parámetros que tenga capacidad discriminadora con relación a enfermedades musculares concretas, como miopatías o patologías neuromusculares, construyéndose así un vector característico que permite determinar, a través de la comparación con un vector característico control correspondiente o equivalente a la biopsia de un individuo sano, no sólo la presencia de dichas enfermedades musculares, sino incluso su grado de afectación al paciente.

Por ejemplo, la selección del subgrupo de parámetros se puede realizar utilizando los métodos SFS (Sequential Forward Selection) y SBS (Sequential Backward Selection) mediante una red neuronal Fuzzy-ARTMAP.

5

En el presente documento, el término “vector característico control” pretende hacer referencia no sólo a un vector característico correspondiente a una biopsia real de un individuo sano, sino también a un vector característico formado por elementos considerados umbral entre valores normales y valores alterados. Por ejemplo, sería posible determinar, a través de estudios de individuos sanos y enfermos, un conjunto de valores umbral de los parámetros descritos anteriormente correspondientes a la frontera entre valores normales y valores potencialmente correspondientes a la presencia de enfermedades musculares.

15

Una vez seleccionado un subgrupo de los parámetros anteriores para formar un vector característico, es necesario realizar la comparación entre dicho vector característico correspondiente a un paciente y el vector característico control. Esto se puede realizar empleando diversos métodos matemáticos y estadísticos conocidos en la técnica, aunque en una realización preferida de la invención se utiliza el Análisis de la Componente Principal (ACP, o Principal Component Analysis por sus siglas en inglés) o Redes Neuronales Artificiales (RNA).

25

Es evidente que el método descrito puede llevarse a cabo por medio de un programa de ordenador, y por tanto la invención también se extiende igualmente a los programas de ordenador, particularmente a programas de ordenador situados en una portadora, que están adaptados para que un ordenador lleve a la práctica la invención. El programa puede tener la forma de código fuente, código objeto, una fuente intermedia de código y código objeto, por ejemplo, como en forma parcialmente compilada, o en cualquier otra forma adecuada para uso en la puesta en práctica de los procesos

30

según la invención. La portadora puede ser cualquier entidad o dispositivo capaz de soportar el programa.

Por ejemplo, la portadora podría incluir un medio de almacenamiento, como una memoria ROM, una memoria CD ROM, una memoria ROM de semiconductor, o un disco duro. La portadora puede ser también una portadora transmisible, por ejemplo, una señal eléctrica u óptica que podría transportarse a través de cable eléctrico u óptico, por radio o por cualesquiera otros medios. Cuando el programa va incorporado en una señal que puede ser transportada directamente por un cable u otro dispositivo o medio, la portadora puede estar constituida por dicho cable u otro dispositivo o medio.

Como variante, la portadora podría ser un circuito integrado en el que está incluido el programa, estando el circuito integrado adaptado para ejecutar, o para ser utilizado en la ejecución de, los procesos correspondientes.

BREVE DESCRIPCIÓN DE LAS FIGURAS

20

La Fig. 1 muestra un ejemplo de biopsia muscular de un paciente antes de realizar la tinción.

La Fig. 2 muestra una biopsia similar a la de la Fig. 1 una vez teñida con anticuerpos contra la proteína colágeno VI y con anticuerpos contra la cadena pesada de la isoforma lenta de la miosina.

30

La Fig. 3 muestra la biopsia de la Fig. 2 una vez terminada la segmentación.

La Fig. 4 muestra un detalle de la biopsia de la Fig. 3 una vez formada la red.

REALIZACIÓN PREFERIDA DE LA INVENCION

Se describe a continuación con mayor detalle un ejemplo de aplicación del método de la invención haciendo referencia a las figuras adjuntas. El método se realiza en su mayor parte de forma automática por ordenador, de modo que se consigue una mayor velocidad y repetitividad de los resultados en comparación con el método habitual en que el patólogo determina visualmente la presencia o ausencia de enfermedades musculares.

10

El primer paso consiste en la adquisición de biopsias de tejido muscular de un paciente, que posteriormente son procesadas mediante los métodos estándar de congelación y corte con criostato. La Fig. 1 muestra el aspecto que presenta un ejemplo de biopsia antes de proceder a su tinción.

15

A continuación, la biopsias reciben una tinción inmunohistoquímica con un protocolo de tinción de fluorescencia estándar. Como se ha descrito anteriormente, se realizan tinciones dobles, añadiendo un anticuerpo secundario diferente para cada anticuerpo primario. El resultado son preparaciones teñidas a la vez con dos anticuerpos, uno que detecta el endomisio y el otro que detecta las fibras de tipo I. Concretamente, en este ejemplo las biopsias se tiñen con un primer anticuerpo contra la proteína colágeno VI para identificar el endomisio, que queda teñido de color verde, y con un segundo anticuerpo específico contra la cadena pesada de la isoforma lenta de la miosina, en concreto el sMyHC, para identificar las fibras tipo I, que quedan teñidas de color rojo.

20

25

Una vez terminada la tinción, se adquiere una imagen de la biopsia utilizando un microscopio de fluorescencia. La imagen se obtiene de una parte de la biopsia que no tenga ningún artefacto debido a la preparación. Además, normalmente las imágenes se adquieren siempre con la misma resolución y tamaño.

30

Puesto que actualmente la Ley de Patentes 11/1986 no permite el uso de colores en las figuras, la imagen adquirida por el microscopio de fluorescencia ha debido representarse en blanco y negro. En la Fig. 2, el gris corresponde a las fibras tipo I, el negro corresponde a las fibras tipo II, y las bandas casi blancas que separan unas fibras de otras corresponden al endomisio. Sin embargo se debe entender que, en este ejemplo concreto, la tinción aplicada provoca que las fibras tipo I aparezcan realmente de color rojo, las fibras tipo II de color negro y el endomisio de color verde.

Una vez adquirida la imagen, comienza el proceso de segmentación que permitirá identificar de un modo preciso los contornos de las diferentes fibras, tanto del tipo I como del tipo II. Una vez identificados los contornos de las fibras, se considerará endomisio todo lo que no sea fibra

La segmentación se realiza empleando la técnica Watershed, utilizando marcadores para conseguir una correcta segmentación de las fibras musculares con esta técnica. El objetivo de los marcadores es identificar la presencia de todas las fibras existentes en la imagen. Se lleva a cabo mediante el empleo de operadores morfológicos, que se detallan a continuación.

En primer lugar, se binariza el plano verde, poniendo a un valor de 1 aquellos píxeles que formen regiones conexas con un valor de intensidad constante menor que un umbral y cuyos bordes estén formados por píxeles con mayor valor de intensidad. El resto de los píxeles de la imagen adquieren un valor de 0.

A continuación se eliminan aquellas regiones con un área menor que un umbral. Se realiza una reconstrucción morfológica que permite rellenar huecos, entendiendo por huecos aquellas regiones de píxeles con valor 0 rodeados de regiones con valor 1. Se continúa con una apertura. Por último

se realiza una erosión, para evitar que regiones con valor 1 que identifiquen a distintas fibras estén en contacto.

5 Con el fin de no segmentar capilares como fibras se aplican varias condiciones de color a las regiones con valor 1. Estas regiones tienen que cumplir que su valor medio de intensidad en el plano G (plano Verde) sea menor que un umbral, y por otra parte que su valor de intensidad en el plano R (plano Rojo) sea menor que un umbral y su valor medio del plano G cuando se ecualiza su histograma sea mayor que un umbral.

10

Después de aplicar estos operadores y condiciones, se obtienen los marcadores, que son aquellas regiones con valor 1 resultantes en la imagen binaria, y que identifican la presencia de fibras. La transformada Watershed se aplica a estos marcadores junto al gradiente del plano verde obteniendo la segmentación precisa de los contornos de las fibras musculares. El resultado se muestra en la Fig. 3, donde los contornos de las fibras musculares aparecen en color blanco, mientras que las propias fibras y el endomisio siguen teniendo los mismos tonos descritos anteriormente con relación a la Fig. 2.

20

A continuación, se determina cuáles son las fibras vecinas de cada fibra de la imagen. Para ello, se procesa la imagen segmentada de la Fig. 2 expandiendo por igual la superficie detectada de cada fibra hasta contactar con las expansiones de las fibras vecinas. Se realiza mediante la aplicación directa de la Transformada Watershed a la imagen binaria obtenida a partir de los marcadores encontrados.

25

El paso siguiente consiste en la creación de una red o grafo representativo de la biopsia, donde los nodos corresponden a las diferentes fibras y las uniones conectan cada fibra con sus fibras vecinas.

30

Esta red se representa según se muestra en la Fig. 4, donde las líneas grises de un color más claro representan los contornos de las diferentes fibras/nodos de la red, mientras que las líneas más oscuras (casi negras) representan las uniones entre unos nodos/fibras y otros. Los nodos propiamente dichos están representados por las intersecciones entre varias líneas oscuras, y están ubicados en el centro de masa de las fibras/nodos correspondientes. Aunque no se ha representado gráficamente en la Fig. 4, se entiende que la red creada comprende nodos de dos tipos, que corresponden a los dos tipos de fibras (tipo I y tipo II).

10

Una vez formada la red, resulta sencillo calcular diferentes parámetros, bien de tipo geométrico o bien parámetros de red, con el objeto de caracterizar la biopsia y permitir su comparación con determinados umbrales obtenidos empíricamente o con los parámetros correspondientes a biopsias control. Por ejemplo, se puede determinar el área de las diferentes fibras, la longitud de sus ejes, el número de vecinos que tiene cada fibra, etc. Para hacer esto, previamente se selecciona una región de interés (ROI) que cumpla las siguientes condiciones:

- Tiene siempre el mismo tamaño y forma
- Excluye posibles artefactos de la preparación
- Las fibras de los límites exteriores de la ROI deben estar rodeadas al menos por dos hileras adicionales de células.

A continuación, es posible seleccionar un subconjunto de parámetros elegidos de entre los 26 parámetros mencionados anteriormente para construir el vector característico de la muestra. Este subconjunto se selecciona empleando, por ejemplo, los métodos SFS (Sequential Forward Selection) y SBS (Sequential Backward Selection) mediante una red neuronal Fuzzy-ARTMAP, con el propósito de conseguir un vector característico capaz de discriminar entre biopsias sanas y biopsias afectadas por alguna miopatía primaria (distrófica o no distrófica) o atrofia neurógena.

La Fig. 5 muestra un ejemplo donde el vector característico seleccionado está formado por las características 19 (media de la relación de ejes), 23 (ángulos medios) y 25 (media cociente área fibra/ área media fibras vecinas) de la tabla anterior. A continuación, se ha aplicado Análisis de

5 Componente Principal (ACP) para representar un primer grupo de 16 biopsias correspondientes a individuos sanos (representados por cuadrados negros) y un segundo grupo de 20 biopsias correspondientes a pacientes con distrofias musculares (representados por círculos negros). Todas las biopsias pertenecen a cuádriceps de personas de entre 2 y 15 años de edad.

10

El análisis ACP es un método objetivo que utiliza los valores de las características seleccionadas para realizar la comparación entre dos grupos o más de imágenes. Como resultado, se obtiene una proyección en dos o tres dimensiones que maximiza la dispersión cada una de las imágenes.

15 Esta visualización permite la cuantificación de las diferencias entre grupos formados por cada tipo de datos. Cada imagen o punto de la Fig. 5 corresponde, por tanto, al vector característico de un paciente con distrofia o de un individuo sano. Se aprecia cómo ambos grupos aparecen separados en la Fig. 5, quedando los cuadrados correspondientes a individuos sanos

20 principalmente a la izquierda de la gráfica y los círculos correspondientes a individuos con distrofias principalmente a la derecha de la gráfica.

Además, se descubre que la distancia entre los vectores correspondientes a pacientes afectados de distrofia (círculos) y el centro de masas de los vectores correspondiente a individuos sanos (cuadrados) se

25 correlaciona con el grado de afectación al paciente. Para comprobarlo, un neuropatólogo experto realizó, sin conocer el resultado del análisis anterior, evaluaciones del grado de afectación de cada biopsia de los pacientes con distrofia. Se asignó a cada biopsia una gradación de entre 1-4,

30 correspondiendo el grado 1 a una biopsia poco afectada por la distrofia y el grado 4 a una biopsia muy afectada por la distrofia.

En la Fig. 5 se puede ver que en la mayoría de los casos la evaluación del grado de afectación realizada por el patólogo, que se muestra como un número junto a cada círculo correspondiente a pacientes con distrofias musculares, se correlaciona directamente con la distancia entre dicho punto y el centro de masas del grupo de cuadrados correspondientes a pacientes control. Es decir, básicamente cuanto más a la derecha se encuentra el círculo correspondiente al vector característico, mayor es el grado de afectación de la distrofia correspondiente a esa biopsia. Se demuestra así que el método de análisis de imagen aporta datos útiles para el diagnóstico de enfermedades musculares de una forma rápida, automática y objetiva.

Para una entrada (una biopsia) nueva a este sistema, también es posible estimar la clase a la que ésta pertenece empleando el método KNN (K vecinos más cercanos, o nearest neighbours según sus siglas en inglés). En ese caso, se calcula la distancia entre los vectores característicos ya almacenados y el nuevo vector característico de la nueva biopsia, y se seleccionan los k ejemplos más cercanos. La nueva biopsia es clasificada con la clase que más se repite en los k vectores seleccionados.

REFERENCIAS

- Dubowitz, V., and Sewry, C.A. (2006). Muscle Biopsy: A Practical Approach (Eselvier).
- 5 Escudero, L.M., da F. Costa, L., Kicheva, A., Briscoe, J., Freeman, M., and Babu, M.M. (2011). Epithelial organisation revealed by a network of cellular contacts. Nature Communications. *In press*.
- Helliwell, T.R. (1999). Muscle: Part 1 - Normal structure and function. Current Orthopaedics 13, 33 41.
- 10 Mitiche, A., and Ben Ayed, I. (2010). Variational and Level Set Methods in Image Segmentation. (Springer).
- O'Ferrall, E.K., and Sinnreich, M. (2009). The role of muscle biopsy in the age of genetic testing. Curr Opin Neurol 22, 543-553.
- Pette, D., and Staron, R.S. (2000). Myosin isoforms, muscle fiber types, and transitions. Microsc Res Tech 50, 500-509.
- 15

REIVINDICACIONES

1. Método para obtener información útil para el diagnóstico de enfermedades neuromusculares a partir de una biopsia de tejido músculo esquelético, caracterizado porque comprende los siguientes pasos:
- 5
- realizar una tinción de la biopsia para resaltar las fibras musculares tipo I, las fibras musculares tipo II y el endomisio;
- 10
- obtener una imagen de la biopsia tras la tinción;
 - segmentar la imagen para identificar los contornos de las fibras musculares;
- 15
- formar una red donde las fibras musculares constituyen nodos y los contactos entre fibras musculares constituyen las uniones entre los nodos; y
 - formar un vector característico de la biopsia cuyos elementos se
- 20
- eligen entre parámetros geométricos de las fibras y parámetros de red.
2. Método de acuerdo con la reivindicación 1, donde el paso de tinción de la muestra comprende aplicar preparaciones de dos anticuerpos que
- 25
- tiñen de colores diferentes dos elementos de entre: las fibras musculares tipo I, las fibras musculares tipo II y el endomisio.
3. Método de acuerdo con la reivindicación 2, donde un primer anticuerpo actúa contra la proteína colágeno VI para teñir el endomisio de un
- 30
- primer color y un segundo anticuerpo actúa contra la cadena pesada de la isoforma lenta de la miosina para teñir las fibras musculares tipo I de un segundo color.

4. Método de acuerdo con la reivindicación 3, donde el anticuerpo contra la cadena pesada de la isoforma lenta de la miosina es sMyHC.
5. Método de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores, donde el paso de obtención de una imagen de la biopsia teñida se lleva a cabo utilizando un microscopio de fluorescencia en una zona de la biopsia carente de artefactos causados durante la preparación de la misma.
6. Método de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores, donde el paso de segmentación comprende el cálculo de marcadores morfológicos para fibras musculares y la aplicación de la Transformada Watershed.
7. Método de acuerdo con la reivindicación 6, donde el paso de formación de la red comprende identificar los vecinos de las fibras musculares mediante la expansión del contorno de cada fibra aplicando directamente la Transformada Watershed a los marcadores morfológicos para fibras musculares.
8. Método de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores, donde el paso de formación de la red comprende además representar gráficamente la biopsia como un grafo formado por nodos y uniones entre nodos, estando los nodos ubicados en el centro de masa de cada fibra.
9. Método de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores, donde los parámetros del vector característico se eligen entre los siguientes:

1	Área media de las fibras
2	Desviación típica del área de las fibras
3	Número medio de vecinos de cada fibra
4	Desviación típica del número de vecinos de cada fibra
5	Área media de las fibras tipo I

6	Desviación típica del área de las fibras tipo I
7	Área media de las fibras tipo II
8	Desviación típica del área de las fibras tipo II
9	Desviación típica del número de vecinos de las fibras tipo I
10	Desviación típica del número de vecinos de las fibras tipo II
11	Número medio de vecinos tipo I de las fibras tipo I
12	Número medio de vecinos tipo II de las fibras tipo I
13	Número medio de vecinos tipo I de las fibras tipo II
14	Número medio de vecinos tipo II de las fibras tipo II
15	Media del cociente A1/A2
16	Desviación típica del cociente A1/A2
17	Dimensión media del eje mayor de las fibras
18	Dimensión media del eje menor de las fibras
19	Media de la relación de ejes
20	Desviación típica de la relación de ejes
21	Media de la envoltura convexa
22	Desviación típica de la envoltura convexa
23	Ángulos medios
24	Desviación típica de los ángulos
25	Media cociente área fibra/ área media fibras vecinas
26	Desviación típica cociente área fibra/ área media fibras vecinas

10. Método de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores, donde los parámetros del vector característico se eligen utilizando los métodos SFS y SBS mediante una red neuronal Fuzzy-ARTMAP

5

11. Método de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores, que además comprende comparar el vector característico con un vector característico control correspondiente o equivalente a una biopsia de tejido sano.

10

12. Método de acuerdo con la reivindicación 11, donde la comparación del

vector característico con el vector característico control se realiza utilizando la técnica de Análisis de la Componente Principal (ACP).

13. Método de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones 9-12,
5 donde un vector característico formado por los parámetros 19 (media de la relación de ejes), 23 (ángulos medios) y 25 (media cociente área fibra/área media fibras vecinas) permite determinar la presencia y grado de afectación de distrofia muscular.
- 10 14. Programa de ordenador que comprende instrucciones de programa para hacer que un ordenador lleve a la práctica el método según cualquiera de las reivindicaciones 1 a 13.
- 15 15. Programa de ordenador según la reivindicación 14, incorporado en medios de almacenamiento.
16. Programa de ordenador según la reivindicación 14, soportado en una señal portadora.

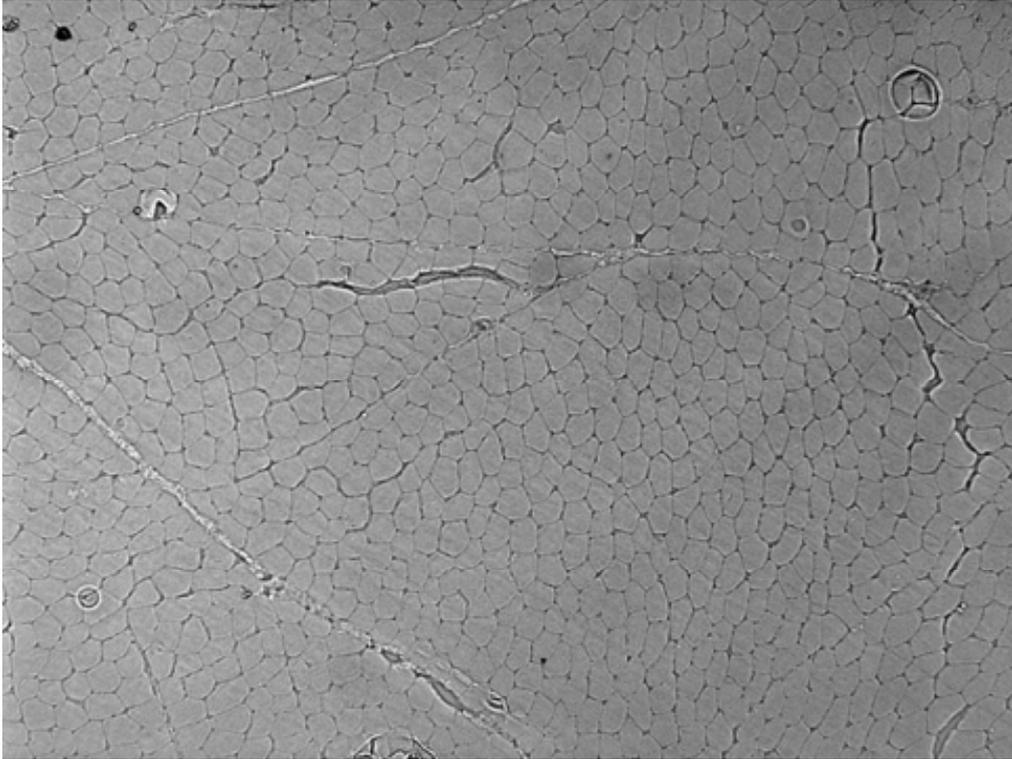


FIG. 1

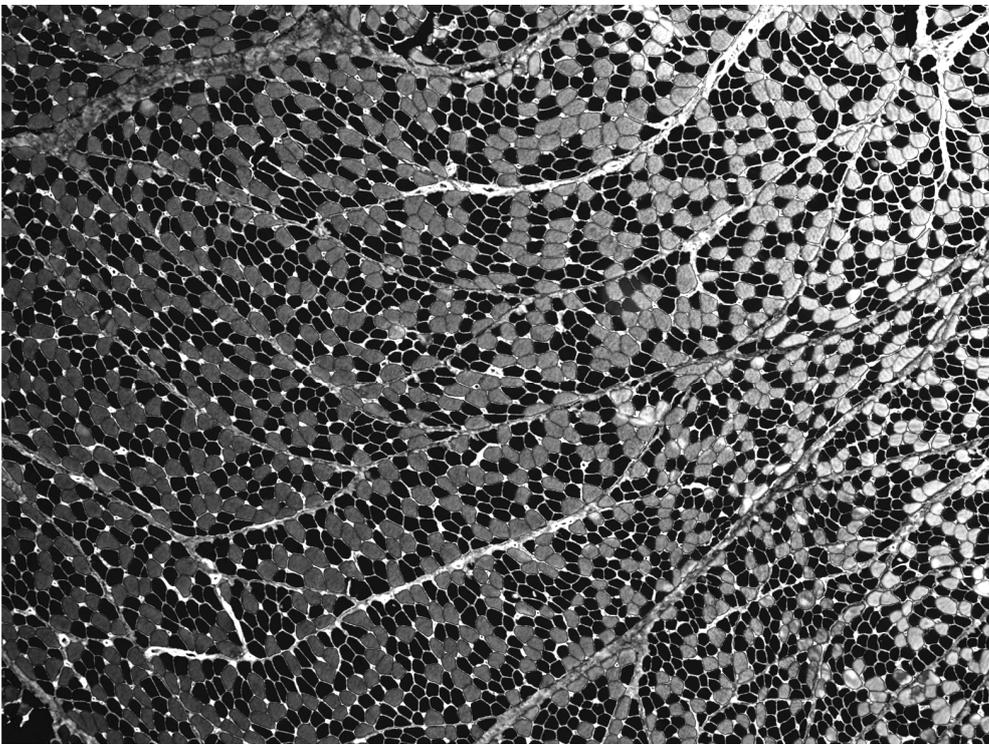


FIG. 2

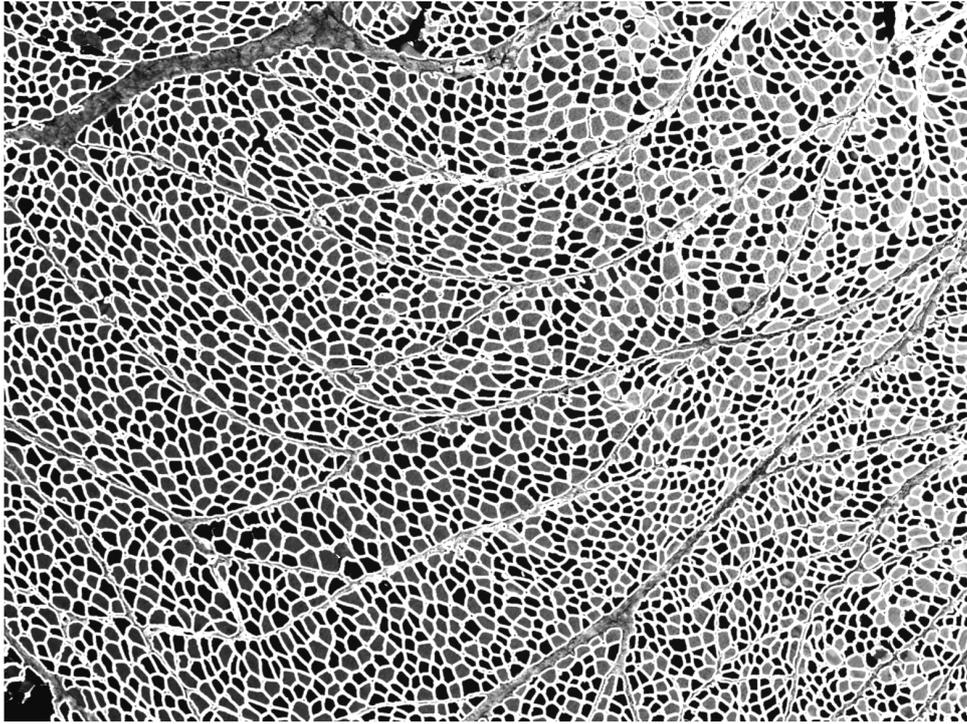


FIG. 3

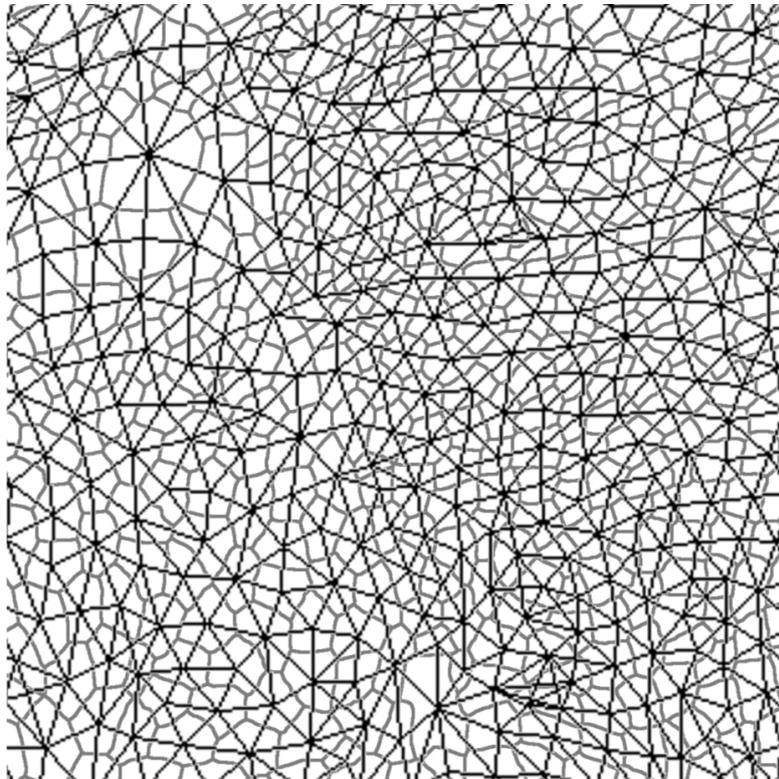


FIG. 4

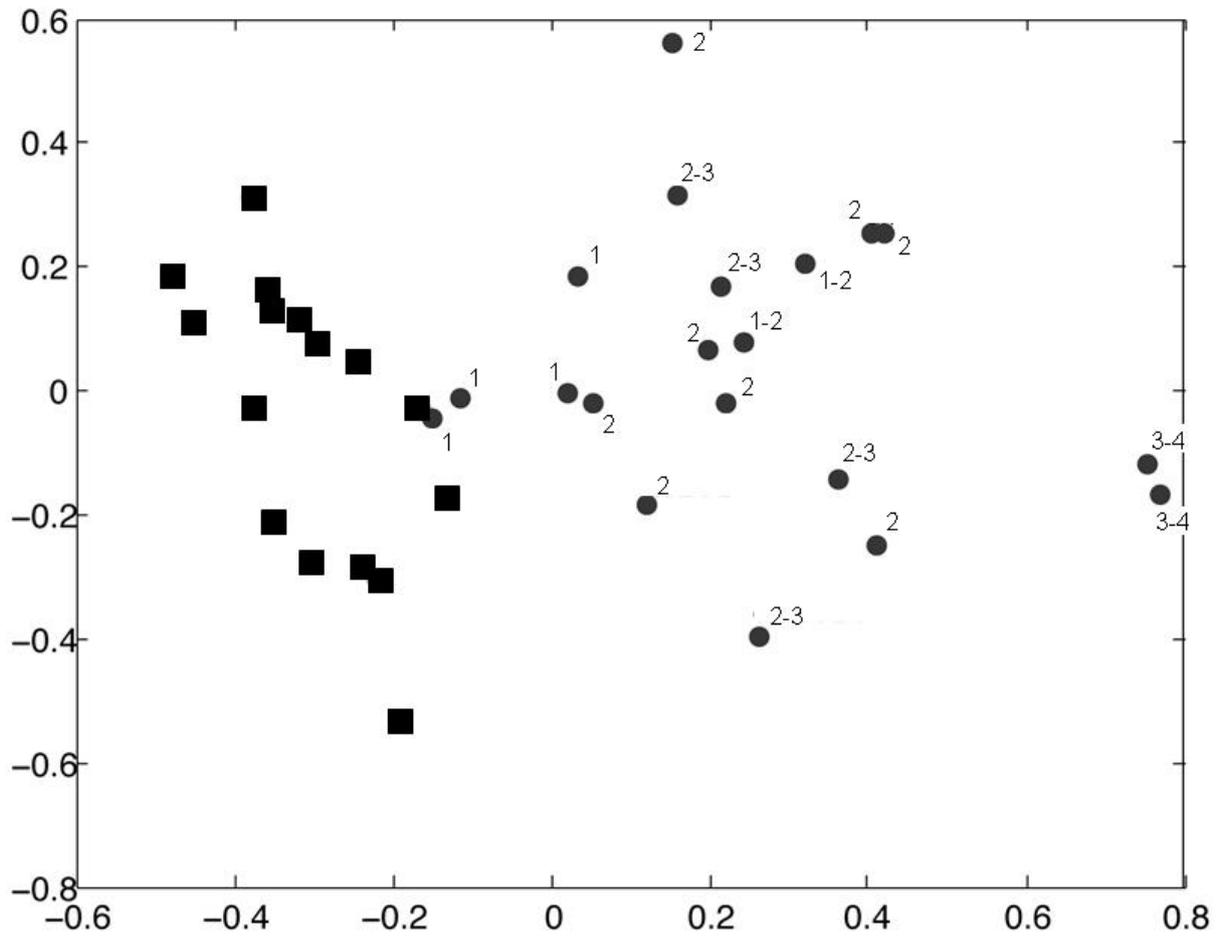


FIG. 5