

19



OFICINA ESPAÑOLA DE
PATENTES Y MARCAS

ESPAÑA



11 Número de publicación: **2 569 421**

51 Int. Cl.:

C12N 5/073 (2010.01)

12

TRADUCCIÓN DE PATENTE EUROPEA

T3

96 Fecha de presentación y número de la solicitud europea: **26.05.2006 E 06252751 (0)**

97 Fecha y número de publicación de la concesión europea: **13.01.2016 EP 1780267**

54 Título: **Células derivadas del líquido amniótico**

30 Prioridad:

27.05.2005 US 685607 P
27.03.2006 US 743821 P

45 Fecha de publicación y mención en BOPI de la traducción de la patente:
10.05.2016

73 Titular/es:

LIFESCAN, INC. (100.0%)
1000 GIBRALTAR DRIVE
MILPITAS, CA 95035, US

72 Inventor/es:

REZANIA, ALIREZA y
XU, JEAN

74 Agente/Representante:

IZQUIERDO BLANCO, María Alicia

ES 2 569 421 T3

Aviso: En el plazo de nueve meses a contar desde la fecha de publicación en el Boletín europeo de patentes, de la mención de concesión de la patente europea, cualquier persona podrá oponerse ante la Oficina Europea de Patentes a la patente concedida. La oposición deberá formularse por escrito y estar motivada; sólo se considerará como formulada una vez que se haya realizado el pago de la tasa de oposición (art. 99.1 del Convenio sobre concesión de Patentes Europeas).

DESCRIPCIÓN**Células derivadas del líquido amniótico****CAMPO DE LA INVENCION**

5 Esta invención se refiere a una población de células derivadas del líquido expandible amniótico que pueden diferenciarse en un linaje de células β . También se describen métodos para el aislamiento y la expansión de tales células derivadas del líquido amniótico, así como métodos relacionados y composiciones para la utilización de tales células en el tratamiento terapéutico de la diabetes.

10 FONDO

La pérdida de la función del órgano puede ser el resultado de defectos congénitos, lesión o enfermedad. Un ejemplo de una enfermedad que causa la pérdida de la función del órgano es la diabetes mellitus o diabetes. La mayoría de los casos de diabetes se dividen en dos tipos clínicos: Tipo 1, también conocida como diabetes de comienzo juvenil o diabetes mellitus insulino dependiente (DMID) y tipo 2, también conocida como diabetes del adulto. Cada tipo tiene un diferente pronóstico, tratamiento y causa. Ambos tipos se caracterizan por la incapacidad del paciente para regular sus niveles de glucosa en sangre. Como consecuencia, los niveles de glucosa en sangre se elevan a valores altos porque la glucosa no puede entrar en las células para satisfacer las demandas metabólicas. Esta incapacidad de metabolizar correctamente azúcar en la sangre provoca una serie compleja de los primeros y la fase tardía de sintomatologías, comenzando con, por ejemplo, la hiperglucemia, el hambre anormal, sed, poliuria y glucosuria y, a continuación escalada a, por ejemplo, neuropatía, macro-vascular la enfermedad, y la enfermedad micro-vascular.

Un método común de tratamiento de la diabetes de tipo 1 implica la administración exógena de insulina, típicamente por inyección con una jeringa o una bomba. Este método no normaliza completamente los niveles de glucosa en sangre y a menudo se asocia con un mayor riesgo de hipoglucemia. Control de la glucemia más eficaz se puede lograr si la función del páncreas puede ser restaurado o rejuvenecido a través de un trasplante o terapias a base de células.

Hay muchas terapias de trasplante que se utilizan actualmente para tratar la diabetes: Uno de estos tratamientos implica el trasplante de islotes aislados de Langerhans en el paciente diabético. Uno de los principales obstáculos para el trasplante de islotes humanos ha sido la falta de un número suficiente de islotes para tratar el gran número de pacientes diabéticos. Una posible solución a la escasez de islotes es la generación de islotes a partir de fuentes celulares alternativas.

35 Se ha documentado que las células progenitoras derivadas de tejidos adultos son capaces de diferenciación en un fenotipo de células de páncreas β . Véase, por ejemplo, W02004/087885 A2, Hess et al. (Nature Biotechnology 21, 763 -770, 2003), y Janus et al. (J. Clin. Invest. 111: 843-850, 2003), que informa de la capacidad de las células derivadas de médula ósea de adulto (mesenquimales y células hematopoyéticas) para diferenciarse en células que tienen características de una célula pancreática β in vitro, o factores tróficos secretos que ayudan a la regeneración de un páncreas en el vivo dañado.

Entre otras fuentes de células progenitoras que pueden diferenciarse en células pancreáticas incluyen células de madre de hígado de roedores ovales (W003 / 033697) y la placenta después del parto (Solicitud Publicada de EE.UU. 2004/0161419 A1).

45 Las células endocrinas de los islotes de Langerhans, incluyendo células β , están constantemente revolviéndose por procesos de apoptosis y la proliferación de nuevas células de los islotes (neogénesis). Como tal, se cree que el páncreas pueda ser una fuente de células progenitoras que sean capaces de diferenciarse en células productoras de hormona pancreática. Hay tres tipos distintos de tejidos, aislados de un páncreas, que son una fuente potencial de células progenitoras pancreáticas: una fracción rica en islote, una fracción rica en células ductales y una fracción rica en células acinares.

El aislamiento de células progenitoras o células parcialmente diferenciadas a partir de extractos de tejido pancreático de crudo se puede conseguir usando anticuerpos dirigidos contra marcadores de superficie celular. Por ejemplo, la solicitud publicada EE.UU. 2004/0241761 da a conocer el aislamiento de células de múridos que expresan ErbB2, ErbB3, ErbB4, Msx-2, PDX-1 y la insulina.

60 Gershengorn et al. (Science 306: 2261-2264, 2004) enseña la producción de la proliferación de células que eran capaces de formar agregados de células de islotes similares. Las células se obtuvieron a partir de una población heterogénea de células adherentes que surgieron a partir del cultivo de islotes pancreáticos humanos aislados in vitro. Los islotes aislados de Langerhans se sembraron inicialmente en placas de cultivo tisular y se cultivaron en medio que contiene 10% de suero. Se observó como células similares a los fibroblastos se migraban fuera de los islotes cultivados y formaban una monocapa. Estas células expresan nestina, actina de músculo liso y vimentina.

65 Las células progenitoras pancreáticas también pueden surgir de la cultura de los islotes pancreáticos y el tejido ductal que se ha disociado en células individuales, como se describe por Seaberg et al. (Nature Biotechnology 22:

1115- 1124, 2004). Las células progenitoras murinas divulgadas por Seaberg et al. expresaron nestina durante la proliferación.

La Solicitud Publicada de EE.UU. 2003/0082155 describe métodos para aislar e identificar una población de células de los islotes de Langerhans del páncreas humano, que tienen las características funcionales y moleculares de las células madre. En particular, estas células se caracterizaron mediante tinción positiva de nestina, la expresión génica nestina, la tinción positiva de GLP-1R, la expresión del gen GLP-1R, la tinción positiva de ABCG2, la expresión génica ABCG2, la tinción positiva de Oct3/4, la expresión génica Oct3/4, la tinción positiva de latrophilina (tipo 2), la expresión génica de latrophilina (tipo 2), la tinción positiva de Hes-1, la expresión génica de Hes-1, las subunidades de integrina $\alpha 6$ y tinción positiva $\beta 1$, subunidades de integrina $\alpha 6$ y la expresión génica $\beta 1$, la tinción positiva de c-kit, la expresión génica de c-kit, la tinción positiva de MDR-1, la expresión génica de MDR1, la tinción positiva de SST-R, 2, 3, 4, la expresión génica de SST-R, 2, 3, 4, la tinción positiva de SUR1, la expresión génica de SUR-1, la tinción positiva de Kir 6.2, la expresión génica de Kir 6,2, la tinción negativa de CD34, la tinción negativa de CD45, la tinción negativa de CD133, la tinción negativa de MHC de clase I, la tinción negativa de MHC de clase II, la tinción negativa de citoqueratina-19, la proliferación a largo plazo en el cultivo, y la capacidad de diferenciarse en pseudoislotes en cultivo.

En otro enfoque, como se describe en la Patente de EE.UU. 5.834.308, la Patente de EE.UU 6.001.647 y la patente de EE.UU 6.703.017, preparaciones crudas de los cultivos de los islotes de ratones NOD se puede utilizar para establecer cultivos epiteliales-similares, que pueden mantenerse en cultivos en crecimiento durante más de 1 año y que parecen demostrar la capacidad de diferenciarse en grupos de islotes, capaces de secretar insulina.

Estructuras parecidas a islotes pueden generarse a partir de fracciones de páncreas humano digerido enriquecido por tejido ductal, como se describe en Bonner-Weir et al. (Proc Nat Acad Sci 97: 7999-8004, 2000) y la patente de EE.UU. 6.815.203 B1. Grupos parecidos a islotes divulgados en estas publicaciones se tiñeron positivamente para citoqueratina-19 y mostraron inmunoreactividad para la insulina.

W02004 / 011621 da a conocer la generación de células adherentes negativas de insulina a partir de fragmentos ductales pancreáticos humanos.

W003 / 102134 da a conocer la generación de una célula epitelial positivas para citoqueratina-19 a partir de una fracción acinar de un digerido pancreático humano. Las células generadas son capaces de expansión limitada y se diferencian en una célula productora de insulina en presencia de un medio de inducción.

La solicitud publicada de EE.UU. 2004/015805 A1 informa de que un subconjunto de células madre pancreáticas humanas puede aislarse utilizando ligandos para el marcador de superficie celular CD56 (también conocida como NCAM). Estas células pueden diferenciarse en células productoras de insulina y agregados productores de insulina.

Se ha documentado que las células progenitoras, derivadas de tejidos fetales o embrionarias, tienen el potencial de diferenciarse en una célula productora de hormonas de páncreas. Véase, por ejemplo, la patente de EE.UU. 6436704, WO03 / 062405, WO02 / 092756 y el documento EP 0 363 125 A2, que informan del potencial de células derivadas del feto humano y embrionarias para diferenciarse en un linaje de células β .

Las células madre embrionarias humanas (hES) se derivan de la masa celular interna del blastocisto, la fase más temprana del desarrollo embrionario del óvulo fecundado. El blastocisto es una etapa de pre-implantación del embrión, una etapa antes de que el embrión se implanta en la pared uterina. Cuando se cultivan en una capa de alimentación inactivada de células de acuerdo con las condiciones descritas por Thomson y colaboradores (Thomson, et al (Proc Natl Acad Sci U.S.A. 92: 7844-7848, 1995); Thomson, et al . Science 282: 1145-1147, 1998), Marshall, et al, (Métodos Mol. Biol 158: 11-18, 2001), las células de la capa interior del blastocisto pueden ser cultivadas in vitro indefinidamente en un estado indiferenciado. Células hES propagada correctamente tienen un potencial ilimitado para doblar y mantener su pluriipotencia; es decir, su capacidad de diferenciarse en las tres capas del embrión, ectodermo (Ec), mesodermo (Me) y endodermo (En). Cuando se cultiva como pluripotente hES, las células mantienen un cariotipo euploide y no son propensos a la senescencia.

Las células madre embrionarias muestran un grupo distinto de los antígenos de la superficie celular, SSEA-3, SSEA-4, TRA-2-54 (fosfatasa de alcalina), TRA-1-60 y TRA-1-81, además de expresar factores de transcripción específica OCT-4, NANOG, SOX-2, FGF-4 y REX-1 (Henderson, et al, (Stem Cells 20:329-337, 2002), Draper, et al, (J. Anat 200: 249-258, 2002), Mitsui et al, (Cell 113: 631-642, 2003), Chambers et al, (Cell 113: 643-655, 2003).

Es importante tener en cuenta a partir de estas publicaciones, sin embargo, que las células de embriones humanos a menudo requieren una capa de alimentación para la expansión y el mantenimiento de piuripotencia o combinación de una matriz extracelular compleja, tal como, por ejemplo, MATRIGEL™, además de medios acondicionados. Estas condiciones no permiten la ampliación fácil de células y un eventual terapia celular para el tratamiento de la diabetes.

Los investigadores han encontrado que los tipos no embrionarios de células madre ("células madre adultas") no son

tan capaces de diferenciarse en diversos tipos de tejidos, como son las células madre embrionarias, por lo que las células madre embrionarias todavía tienen muchas ventajas sobre el uso de las células madre adultas. Sin embargo, un obstáculo con el aislamiento de células madre embrionarias es que las células se derivan de embriones en la etapa de "blastocisto". La investigación con células madre de embriones humanos está gravado por un debate político y ético cargado de emociones y es probable que siga siéndolo en los próximos años.

Además, se han encontrado células madre embrionarias humanas (hES) para ser tumorigénicas cuando se inyectan en animales inmunológicamente discapacitados, es decir, en el contexto de los tejidos post-natales, mientras que las células madre adultas no lo son. Los atributos tumorigénicos de las células hES no se abordan con frecuencia, aunque este problema puede cargar a su uso en terapia de reemplazo celular en el futuro. Las cuestiones políticas, morales y éticas en torno a células hES y sus propiedades oncogénicas, así como las dificultades percibidas de la expansión de las células madre adultas no diferenciadas en cultivo, manteniendo al mismo tiempo un genoma genéticamente normal, son los principales obstáculos en el desarrollo de la terapia de reemplazo de células humanas.

Células madre pluripotentes o multipotentes se han aislado de las vellosidades coriónicas, y el líquido amniótico. Muchas células amnióticas y placentarias comparten un origen común, a saber, la masa celular interna de la mórula, que da lugar a que el embrión en sí, el saco vitelino, el núcleo mesenquimales de las vellosidades coriónicas, el corion y amnios (Crane y Cheung, Prenatal Diagnosis 8: 119-129, 1988). Las células embrionarias y fetales de las tres capas germinales durante mucho tiempo han sido identificados en el líquido amniótico (Milunsky, Genetic Disorder of the Fetus Nueva York: Plenum Press, 75-84, 1979; Hoehn y Salk, Methods in Cell Biology 26, 11- 34, 1982; Gosden, British Medical Bulletin 39, 348-354, 1983; Prusa et al, Human Reproduction 18, 1489-1493, 2003). De este modo, el líquido amniótico puede proporcionar el acceso menos invasivo de las células madre similares a las embrionarias y fetales.

Las células derivadas del líquido amniótico se han utilizado de forma rutinaria para detectar anomalías cromosómicas del feto. El líquido amniótico es normalmente muestreado durante el segundo trimestre (16 a 22 semanas de gestación). Técnica anterior demuestra claramente la presencia de tres subpoblaciones de células con morfologías diferentes: células "líquido amniótico" (AF), y "células epiteliales" (E), "fibroblasto" (F). Las células F y AF se expanden rápidamente mientras que las células E muestran una curva de crecimiento mucho más lenta y tienen una pobre eficiencia clonal.

Por ejemplo, la solicitud PCT WO 2003 / 042405 da a conocer el aislamiento de células madre positivas c-Kit de vellosidades coriónicas, líquido amniótico y placenta (Cell 1, Tabla I).

En otro ejemplo, la solicitud publicada de EE.UU. 2005/0054093 describe el aislamiento de células madre de líquido amniótico. Estas células expresan el antígeno embrionario de etapa específica de 3 (SSEA3), el antígeno embrionario de etapa específica 4 (SSEA4), Tral -60, Tral-81, Tra2-54, Oct-4, HLA de clase I, CD13, CD44 CD49b y CD 105 (Célula 2, Tabla I).

En otro ejemplo, las células fetales se han aislado de líquido amniótico (In't Anker et al, Blood 102, 1548-1549, 2003). Las células descritas fueron positivas para la expresión de los siguientes marcadores: CD44, CD73, CD90, CD105, CD106, HLA-A, B y C. Las células fueron negativas para la expresión de los siguientes marcadores: c-Kit (CD 117), CD11, CD31, CD34, CD45 y HLA-D (Célula 3, Tabla I).

De una población de células madre mesenquimales aisladas de líquido amniótico también se ha informado en una publicación de Tsai et al (Tsai et al, Human Reproduction 19, 1450-1456, 2004). Las células descritas fueron positivas para la expresión de los siguientes marcadores: CD29, CD44, CD73, CD90, HLA-A, B, y C. Las células fueron también positivas para el factor de transcripción embrionaria Oct-4. Las células fueron negativas para la expresión de los siguientes marcadores: c-Kit (CD117), CD34 y HLA-D (Célula 4, Tabla I).

Aunque publicaciones y patentes recientes han sugerido que dentro de la fibroblástica, líquido amniótico, o subpoblaciones epiteliales existe una población de células que muestran algunas características de las células embrionarias humanas, tales como la expresión de marcadores de superficie SSEA3 y -4, la expresión del factor de transcripción Oct-4, fuerte potencial de expansión, y la diferenciación en múltiples tipos de células; Ninguna de las técnicas previamente publicadas han demostrado la existencia de una subpoblación de las células que muestran expresión de marcadores endodermales tempranos claves, como HNF-1 beta, HNF-3 beta, SOX-17, y GATA-6, mientras que el mantenimiento de la expresión de marcadores ES SSEA-4.

La expresión conjunta de HNF-1 beta, HNF-3 beta (también conocido como FOXa2), SOX-17, y GATA-6 es considerada como el paso clave para definir la formación de endodermo definitivo durante la gastrulación. Por lo tanto, la expresión de estos marcadores pueden ser claves en la generación de una población de células de páncreas β o una población de células productoras de hormonas pancreáticas o una hormona de producción de células de una célula intestinal derivada de fluido amniótico.

Por lo tanto, todavía existe una necesidad significativa para desarrollar condiciones de cultivo para el

establecimiento de líneas de células derivadas de líquido amniótico que se puede ampliar para hacer frente a las necesidades clínicas actuales, mientras que conserva el potencial de diferenciarse en endodermo definitivo o una población de células productoras de hormonas pancreáticas o una célula productora de hormonas intestinales o de un linaje de células β .

5 Wei Jun Ping et al. (Cell Transplantation, 2003, vol. 12 (5), p545-552) describen células humanas de aislamiento de amnios que pueden normalizar la glucosa en sangre en ratones diabéticos inducidos con estreptozotocina. Chen Li-Bo et al. (World J. Gastroenterology, 2004, vol. 10 (20), p3016-3020) describen la diferenciación de médula ósea de las células madre mensequimales de rata en las células beta de los islotes pancreáticos. Held KR et al. (Prenatal
10 Diagnosis, 1984, vol. 4 (3), p171-180) describen el efecto de la tensión de oxígeno en la formación de colonias y la proliferación celular de células de líquido amniótico in vitro. Fauza D (Bailliere's Best Practice and Research: Clinical Obstetrics and Gynaecology, 2004, vol. 18(6), p877-891) revisa el líquido amniótico y la placenta como fuentes únicas de diferentes poblaciones de células madre mesenquimales, - hematopoyética, trofoblástica y, posiblemente, de células madre más primitivas.

15 WO 2005/017117 da a conocer una fuente de células madre de líquido amniótico / fetal multipotentes (MAFSCs). MAFSC son de origen fetal y se caracterizan por los siguientes marcadores de superficie celular: SSEA3, SSEA4, Tra-1-60, Tra-1-81, Tra-2-54, HLA de clase 1, CD13, CD44, CD49b, CD105 y se distinguen por la ausencia de los marcadores de antígeno CD34, CD45, y HLA de clase II.

20 EP 1391505A1 se refiere a un método para la separación de células madre de páncreas de un mamífero y un método de identificación de los mismos.

25 RESUMEN DE LA INVENCION

La invención proporciona una población sustancialmente pura de células derivadas del líquido amniótico, en las que dichas células son: capaces de diferenciarse en células que presentan las características del linaje de las células beta, sustancialmente negativas para la expresión de marcadores de proteína CD 117 y Oct-4, en los que los
30 marcadores no están presentes o se expresan en al menos 70% de la población total de células, sustancialmente positiva para la expresión de GATA-6 y SSEA-4, en la que GATA-6 y SSEA-4 están presentes o se expresan en al menos aproximadamente 50 % de la población total de células y sustancialmente, ya sea: i) positivo para la expresión de SOX-17 y citoqueratina, en la que SOX-17 y citoqueratina están presentes o se expresa en al menos aproximadamente 50% de la población total de células; ii) negativo para la expresión de SOX-17, en la que SOX-17
35 no está presente o expresado en al menos 70% de la población total de células, y positivo en la expresión de citoqueratina, en la que la citoqueratina está presente o expresada en al menos aproximadamente 50% de la población total de células; o iii) negativo para la expresión de SOX-17 y citoqueratina, en la que SOX-17 y citoqueratina no está presente o expresada en al menos 70% de la población celular total.

40 La invención también proporciona una población de células derivadas del líquido amniótico de acuerdo con la presente invención para uso en un método de tratamiento de un paciente con diabetes mellitus o a riesgo de desarrollar diabetes.

45 La invención también proporciona el uso in vitro de la población de células de acuerdo con la presente invención, en un método en el que las células de dicha población se diferencian en células productoras de hormona pancreática.

SUMARIO DE LA DESCRIPCION

50 Se da a conocer en el presente documento un método para el aislamiento de células derivadas del líquido amniótico de mamíferos. Células derivadas de líquido amniótico se obtienen de muestras de líquido amniótico de aproximadamente 14 a aproximadamente 23 semanas de gestación. Alternativamente, las células derivadas del líquido amniótico se obtienen de muestras de líquido amniótico de aproximadamente 23 a aproximadamente 40
55 semanas de gestación.

En una realización, los cultivos se dejaron en reposo durante al menos 5 a 10 días bajo condiciones de hipoxia (3% O₂). Alternativamente, los cultivos se dejaron en reposo durante al menos 5 a 10 días en condiciones de normoxia (aproximadamente 20% O₂).

60 En una realización alternativa, las células derivadas del líquido amniótico se obtienen a partir de muestras de líquido amniótico del segundo trimestre de la gestación. Alternativamente, las células derivadas del fluido amniótico se obtienen de muestras de líquido amniótico del tercer trimestre de gestación.

65 En una realización, las células derivadas del líquido amniótico cultivadas se aíslan como células individuales y se expanden clonalmente.

5 El fluido amniótico derivado aislado de acuerdo con los métodos descritos en este documento puede contactarse, por ejemplo, con un agente (tal como un anticuerpo) que reconoce específicamente un marcador proteico expresado por células del líquido amniótico, para identificar y seleccionar células derivadas de fluido amniótico, obteniendo de ese modo una población sustancialmente pura de células derivadas del líquido amniótico, es decir, en la que un marcador de proteína reconocida se expresa en al menos 50% de la población celular.

10 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico resultante es sustancialmente positiva para al menos uno de los siguientes marcadores: HNF-1 beta, HNF-3 beta, SOX-17, o GATA-6. La población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente negativa para al menos uno de los siguientes marcadores: CD 117, Oct-4, o Tra2-54. La población de células derivadas de fluido amniótico se puede ampliar por más de 50 duplicaciones de población sin perder la capacidad de expresar HNF-1 beta, HNF-3 beta, SOX-17, o GATA-6.

15 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente positiva para los siguientes marcadores: CD44 y SSEA4. La población de células derivadas de fluido amniótico se puede ampliar por más de 50 duplicaciones de población sin perder la capacidad de expresar HNF-1 beta, HNF-3 beta, SOX-17, o GATA-6.

20 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico aislado de acuerdo con los métodos descritos en el presente documento es sustancialmente negativo para al menos uno de los siguientes marcadores: SOX-17, CD117, Oct-4, o Tra2-54. La población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente positiva para los siguientes marcadores: CD44 y SSEA4. La población de células de derivadas fluido amniótico se puede ampliar por más de 50 duplicaciones de población.

25 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico aislada de acuerdo con los métodos descritos en el presente documento es sustancialmente negativo para citoqueratina y al menos uno de los siguientes marcadores: SOX-17, CD 117, Oct-4, o Tra2-54. La población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente positiva para los siguientes marcadores: CD44 y SSEA4. La población de células derivadas de fluido amniótico se puede ampliar por más de 50 duplicaciones de población.

30 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico aislada de acuerdo con los métodos descritos en el presente documento es sustancialmente negativo para SOX-17. La población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente positiva para los siguientes marcadores: CD44 y SSEA4. La población de células derivadas de fluido amniótico se puede ampliar por más de 50 duplicaciones de población.

35 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico aislada de acuerdo con los métodos descritos en esta memoria es sustancialmente negativa para los siguientes marcadores: citoqueratina y SOX-17. La población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente positiva para los siguientes marcadores: CD44 y SSEA4. La población de células derivadas de fluido amniótico puede ampliarse para más de 50 duplicaciones de población.

40 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico aislada de acuerdo con los métodos descritos en el presente documento es sustancialmente negativa para SOX-17. La población de células derivadas de fluido amniótico es más negativa para al menos uno de los siguientes marcadores: CD 117, Oct-4, o Tra2-54. La población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente positiva para los siguientes marcadores: CD44 y SSEA4. La población de células derivadas de fluido amniótico se puede ampliar por más de 50 duplicaciones de población.

45 En una realización, la población de células derivadas de fluido amniótico aislada de acuerdo con los métodos descritos en el presente documento es sustancialmente negativa para los siguientes marcadores: citoqueratina y SOX-17. La población de células derivadas de fluido amniótico es más negativa para al menos uno de los siguientes marcadores: CD 117, Oct-4, o Tra2-54. La población de células derivadas de fluido amniótico es sustancialmente positiva para los siguientes marcadores: CD44 y SSEA4. La población de células derivadas de fluido amniótico se puede ampliar por más de 50 duplicaciones de población.

50 En otra realización, la presente descripción proporciona una población de células derivadas de fluido amniótico de aislamiento puro que son sustancialmente negativas para al menos uno de los siguientes marcadores: CD117, Oct-4, o Tra2-54.

55 En otra realización, la presente descripción proporciona una población de células derivadas de fluido amniótico de aislamiento puro que son sustancialmente negativas para al menos uno de los siguientes marcadores: SOX-17, CD117, Oct-4, o Tra2-54.

60 En otra realización, la presente descripción proporciona una población de células derivadas de fluido amniótico de aislamiento puro que son sustancialmente negativas para SOX-L7.

65 En otra realización, la presente descripción proporciona una población de células derivadas de fluido amniótico de

aislamiento puro que son sustancialmente negativas para SOX-17 y sustancialmente negativas para al menos uno de los siguientes marcadores: CD 117, Oct-4, o Tra2-54.

5 En una realización, las células derivadas de líquido amniótico, aisladas de acuerdo con los métodos descrita en este documento también pueden expresar al menos uno de las siguientes: Musashi-1 y Hes1.

10 Las población de células derivadas de fluido amniótico aisladas y expandidas como se describe en el presente documento pueden ser inducidas a diferenciarse en células del linaje celular β en condiciones apropiadas in vitro o in vivo. En consecuencia, las células derivadas de fluido amniótico seleccionadas y expandidas de acuerdo con la presente descripción, así como las células diferenciadas derivadas de las células derivadas del líquido amniótico, son útiles para tratar la diabetes de tipo 1 y 2.

15 Las células derivadas del líquido amniótico aisladas y expandidas como se describe aquí pueden ser inducidas a células productoras de hormonas intestinales bajo condiciones apropiadas in vitro o in vivo. En una realización, las células derivadas del líquido amniótico aisladas y expandidas como se describe aquí pueden ser inducidas a células productoras de hormonas intestinales bajo condiciones apropiadas in vitro o in vivo y pueden expresar insulina de una manera sensible a la glucosa.

20 BREVE DESCRIPCIÓN DE LOS DIBUJOS

La Figura 1 muestra las etapas de aislamiento y el cultivo usados para aislar las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención.

25 La Figura 2 muestra tres morfologías distintas de células aisladas a partir de una muestra de fluido amniótico en el paso 0. a) morfología AF, b) morfología epitelial y c) morfología de fibroblasto.

La Figura 3 representa la expresión de marcadores de superficie celulares en las células AF-I derivadas de líquido amniótico. Los marcadores se indican en los paneles a-n.

30 La Figura 4 representa la expresión de marcadores de superficie celulares en las células F derivadas de fluido amniótico. Los marcadores se indican en los paneles a-1.

35 La Figura 5 representa la expresión de marcadores de superficie celulares en las células E derivadas de fluido amniótico. Los marcadores se indican en los paneles a-m.

La Figura 6 representa las imágenes de inmunofluorescencia de las células F derivadas de muestras de líquido amniótico. Las células F tiñeron positivo para a) vimentina, b) SSEA-4, y c) tubulina de beta III.

40 La Figura 7 representa las imágenes de inmunofluorescencia de las células E derivadas de muestras de líquido amniótico. Las células E teñidas positivo para a) vimentina y nestina, b) SSEA-4, c) la tubulina de beta III, d) la pan-citoqueratina, e) la actina de músculo liso y f) citoqueratina 19.

45 La Figura 8 representa imágenes de inmunofluorescencia de las células AF-I derivadas de muestras de líquido amniótico. Las células AF-I tiñeron positivo para a) vimentina y nestina, b) la tubulina de beta III, c) la citoqueratina 19 y HES-I, d) la pan-citoqueratina, e) el SSEA-4, f) SOX-17 y ZO-1, g) GATA-6, h) HNF-1 beta, i) actina de músculo liso y HES-2.

La Figura 9 muestra el perfil de expresión de células AF-I, AF-II, y AF-111 de la presente revelación.

50 La Figura 10 representa la curva de duplicación de la población de células AM de principios de paso.

55 La Figura 11 representa el potencial de expansión de células AF, F, o E derivado de diferentes donantes. • Muestra el número de células de las células del líquido amniótico derivadas con morfología AF-1 obtenida de líquido amniótico de un donante en 14-23 semanas de gestación. Las células fueron cultivadas en medios de comunicación número 5 (Tabla II). * muestra el número de células de las células derivadas de fluido amniótico con morfología AF-I obtenida de líquido amniótico de un segundo donante en 14-23 semanas de gestación. Las células fueron cultivadas en medios de comunicación número 5 (Tabla II). • muestra el número de células derivadas de líquido amniótico con morfología F obtenida de líquido amniótico de un tercio de donantes en 14-23 semanas de gestación. Las células fueron cultivadas en medios de comunicación número 15 (Tabla II). * Muestra el número de células derivadas de líquido amniótico con morfología F obtenida de líquido amniótico de un cuarto donante en 14-23 semanas de gestación. Las células fueron cultivadas en medios de comunicación número 16 (Tabla II). • Muestra el número de células derivadas de fluido amniótico con morfología E obtenida de líquido amniótico de un donante en 14-23 semanas de gestación. Las células se cultivaron en medios de comunicación número 5. + muestra el número de células de las células derivadas del líquido amniótico con morfología AF-II obtenida de líquido amniótico de un segundo donante en 14-23 semanas de gestación. Las células se cultivaron en medios de comunicación número 5 (Tabla II). * Muestra el número de células de células

derivadas de líquido amniótico con morfología AF-III obtenida a partir de líquido amniótico de un segundo donante en 14-23 semanas de gestación. Las células se cultivaron en número de medio 5 (Tabla II)

La Figura 12 representa la longitud de los telómeros de una línea celular de AF-1 cultivada ya sea en AMNIOMAX o DM-LG + 10% FBS a un nivel de conducto intermedio (aproximadamente 40 duplicaciones de población). El carril 1 es la escala de peso molecular, el carril 2 es el control de la longitud máxima de los telómeros, el carril 3 es el control de la longitud de telómeros bajos, el carril 4 es células derivadas de líquido amniótico de un donante en el paso 12, cultivadas en DMEM-LG + 10% de FBS, el carril 5 es células derivadas de fluido amniótico del mismo donante en el paso 12, cultivadas en medios # 5 y el carril 6 es una línea celular de carcinoma embrionaria (células NTERA) que sirve como un control positivo.

La Figura 13 muestra el cariotipo de células a) AF-I, b) AF-II y c) AF-III cultivadas al paso 7-9 (aproximadamente 30-35 duplicaciones de la población).

La Figura 14 representa el potencial de expansión de una sola célula AF derivada de un donante en plazo (aproximadamente 38 semanas). Las células fueron cultivadas en medios de comunicación número 5 (Tabla II).

La Figura 15 representa los perfiles de expresión génica gráfica de dispersión entre los diferentes tipos de células de fluido amniótico. También se indica el coeficiente de correlación de Pearson para cada parcela.

La Figura 16 muestra los efectos de los factores de crecimiento sobre la expresión génica en las células derivadas de fluido amniótico. Se obtuvieron células derivadas de líquido amniótico de un único donante y se cultivaron durante 12 días en medio acondicionado que se obtienen a partir de cultivos de células PANC-I. El medio se suplementó con los factores de crecimiento indicados. Los niveles de expresión de HNF-3 beta y la somatostatina se determinaron mediante PCR en tiempo real. Los páncreas humanos RNA total se incluyó como un calibrador. El panel A muestra los cambios en la expresión de HNF-3 beta. El panel B muestra los cambios en la expresión de somatostatina.

La Figura 17 muestra los efectos de L685,458 en células derivadas de líquido amniótico cultivadas que tienen la morfología AF. El panel A muestra las diferencias relativas en la expresión de ARN de Hes-1 humano en células AF cultivadas tratadas con las concentraciones de L685,458 indicadas. El panel B muestra los efectos de L685,458 sobre la viabilidad de las células cultivadas siguiendo un tratamiento con L685,458. Las células se trataron durante tres días, a las concentraciones indicadas. Los cambios en la viabilidad, que corresponden a la citotoxicidad se detectaron usando un ensayo de MTS, en donde una disminución en la viabilidad celular corresponde a una disminución de la A490nm.

DESCRIPCIÓN DETALLADA

Para claridad de la descripción, y no a modo de limitación, la descripción detallada de la invención se divide en las siguientes subsecciones que describen o ilustran ciertas características, realizaciones o aplicaciones de, o relacionadas con, la presente invención.

Se describen en este documento métodos para el aislamiento de una población de células derivadas de fluido amniótico que es altamente proliferativa y muestra características similares a las embrionarias. Células similares también pueden estar presentes en la vellosidad coriónica. Algunas realizaciones descritas en este documento se describen tres poblaciones morfológicamente distintas de células derivadas del líquido amniótico: células de "fibroblasto" (F), epiteliales (E) y células de "líquido amniótico" (AF).

Definiciones

"Linaje de células β " se refieren a las células con expresión génica positiva para el factor de transcripción PDX-1 y al menos uno de los siguientes factores de transcripción: NGN-3, Nkx2,2, Nkx6,1, NeuroD, Is1-1, HNF-3 beta, MAFA, Pax4 y Pax6. Características de las células del linaje de las células beta son bien conocidas para los expertos en la técnica y las características adicionales del linaje de células beta continúan identificándose. Estos factores de transcripción están bien establecidos en la técnica para la identificación de las células endocrinas (Nature Reviews Genetics, Vo13, 524-632, 2002).

"La estructura pancreática de islote" se refiere a una de grupos de células de tres dimensiones derivados de la práctica de los métodos de la descripción, que tienen la apariencia de un islote pancreático. Las células en una estructura pancreática de islote expresan al menos el gen PDX-1 y una hormona seleccionada de la lista de glucagón, somatostatina, o insulina.

El término "hipoxico" se refiere a los niveles de oxígeno de menos de 20%, preferiblemente menos de 10% y más preferiblemente menos de 5% pero más del 1%.

El término "normoxia" se refiere a niveles de oxígeno atmosférico de aproximadamente 20%.

- 5 El término "sustancialmente positivo", cuando se utiliza en relación con una población de células con respecto a la expresión de ciertos marcadores (tal como un receptor de membrana, la proteína citoplasmática o nuclear, o un factor de transcripción), significa que el marcador está presente o expresado en al menos aproximadamente de 50%, alternativamente al menos aproximadamente de 60%, y alternativamente al menos aproximadamente de 70%, de la población celular total.
- 10 El término "sustancialmente negativo", cuando se utiliza en relación con una población de células con respecto a la expresión de ciertos marcadores (tal como un receptor de membrana, la proteína citoplasmática o nuclear, o un factor de transcripción), significa que el marcador no está presente o se expresa en al menos aproximadamente de 70%, alternativamente de 80%, alternativamente aproximadamente de 90%, de la población celular total.
- 15 Una "célula madre" tal como se utiliza aquí se refiere a una célula indiferenciada que es capaz de extensa propagación in vivo o ex vivo y capaces de diferenciación de otros tipos celulares.
- Una "célula progenitora" se refiere a una célula que se deriva de una célula madre por diferenciación y es capaz de diferenciación adicional a tipos de células más maduras. Las células progenitoras típicamente tienen capacidad de proliferación más restringida en comparación con las células madre.
- 20 La "Población expandible" se refiere a la capacidad de una población de células aisladas para ser propagada a través de al menos 50 o más divisiones de la célula en un sistema de cultivo celular.
- 25 Por "células indiferenciadas," cuando se usa en relación con las células aisladas de un fluido amniótico, se quiere decir una población de células derivadas del líquido amniótico que son sustancialmente negativas para la expresión de PDX- 1, o insulina.
- 30 Por "células diferenciadas," cuando se usa en relación con las células aisladas de líquido amniótico, se entiende una población de células derivadas del líquido amniótico que son sustancialmente positivas para la expresión de PDX- 1, o insulina.
- 35 "Marcadores", como se usa en este documento, son ácidos nucleicos o moléculas polipéptidas que se expresan diferencialmente en una célula de interés. En este contexto, la expresión diferencial significa un aumento del nivel del marcador para un marcador positivo y una disminución del nivel de un marcador negativo. El nivel detectable del ácido marcador nucleico o polipéptido es suficientemente más alto o más bajo en las células de interés, en comparación con otras células, de tal manera que la célula de interés puede identificarse y distinguirse de otras células, usando cualquiera de una variedad de métodos conocidos en el arte.
- 40 "c-Kit" y "CD 117" ambos se refieren a un receptor de quinasa de tirosina de la superficie celular que tiene una secuencia descrita en N^o de Acceso Genbank X06182, o una secuencia de variante de origen natural de los mismos (por ejemplo, variante alélica).
- "CD9" también se refiere como "proteína-1 relacionada con la motilidad (MRP-1)" y es una glicoproteína de transmembrana que se ha implicado en la adhesión celular, la motilidad, proliferación y diferenciación.
- 45 "CD 10" también se conoce como " antígeno de leucemia aguda linfocítica común (CALLA)". CD10 es una enzima de la superficie celular con la actividad metaloendopeptidasa neutra y se expresa en linfoblástica, Burkitt y linfomas foliculares de centro germinal y en pacientes con leucemia de mielocítica crónica. También se expresa en la superficie de las primeras células normales linfoides progenitoras, las células B inmaduras en la médula ósea de adultos y de células B de centro germinal dentro del tejido linfoide. CD10 también está presente en células de mama mioepiteliales, canalículos biliares, fibroblastos, borde en cepillo de riñón y las células epiteliales intestinales.
- 50 "CD44" también se refiere como "antígeno Hermes" y es el principal receptor de la superficie celular para hialuronano. Este CD se expresa principalmente en la mayoría de tipos de células, con excepción de los tejidos / células tales como hepatocitos, algunas células epiteliales y en el músculo cardíaco.
- 55 "CD49P" también se conoce como "integrina α6" y "VLA-6" y se asocia con beta 1 de subunidad de integrina para unir laminina. CD49f se expresa principalmente en las células epiteliales, trofoblastos, plaquetas y monocitos.
- 60 "CD73" también se refiere como " nucleotidasa ecto-5" y se expresa principalmente en un subconjunto de células B y T, las células estromales de médula ósea, varias células epiteliales, fibroblastos y células endoteliales.
- "CD90" también se conoce como "Thy-1" y se expresa principalmente en células madre hematopoyéticas, células del tejido conectivo y varias células de fibroblasto y del estroma.
- 65 "SSEA-1" (Antígeno-1 Específico de Etapa Embrionaria) es un antígeno de superficie actual glicolípida en la superficie de las células murinas de madre teratocarcinoma (EC), murino y de células germinales de embriones

humanos (EG) y células madre embrionarias murinas (ES).

"SSEA-3" (Antígeno-3 Específico de Etapa Embrionaria) es un antígeno de superficie actual glicolípida en la superficie de las células madre humanas de teratocarcinoma (EC), las células embrionarias germinales humanas (EG) y las células madre embrionarias humanas (ES).

"SSEA-4" (Antígeno-4 Específico de Etapa Embrionaria) es un antígeno de superficie actual glicolípida en la superficie de las células madre humanas de teratocarcinoma (EC), las células germinales embrionarias humanas (EG) y las células madre embrionarias humanas (ES).

"TRA1-60" es un antígeno relacionado con sulfato de queratina que se expresa en la superficie de células madre humanas de teratocarcinoma (EC), células germinales embrionarias (EG) y células madre humanas embrionarias (ES).

"TRA1-81" es un antígeno relacionado con sulfato de queratina que se expresa en la superficie de células madre humana de teratocarcinoma (EC), células germinales embrionarias (EG) y células madre humanas embrionarias (ES).

"TRA2-49" es una isoenzima de la fosfatasa alcalina que se expresa en la superficie de células madre humanas de teratocarcinoma (EC) y las células madre humanas embrionarias (ES).

"Oct-4" es un miembro del factor de transcripción de dominio de POU y es ampliamente considerado como una característica de las células madre pluripotentes. La relación de Oct-4 a las células madre pluripotentes se indica por su expresión fuertemente restringido a células madre pluripotentes no diferenciadas. La diferenciación de los linajes somáticos, la expresión de Oct-4 desaparece rápidamente.

"EPCAM" "también se conoce como "la molécula de adhesión de célula epitelial" es ampliamente expresada en células de origen epitelial y células derivadas tumorales epiteliales.

"Rex-1" es un gen dedo de zinc ácido regulado por el desarrollo (Zfp-42). El nivel de mensaje Rex-1 es alto en las células madre embrionarias y la reducción de la inducción de la diferenciación. Como era de esperar para un mensaje específico de células madre, mRNA de Rex-1 está presente en la masa celular interna (ICM) de blastocisto, trofoblasto polar del blastocisto y más tarde en el cono ectoplacental y ectodermo extraembrionario del cilindro de huevo (tejidos derivados de trofoblasto), pero su abundancia es muy reducida en el ectodermo embrionario, que desciende directamente desde el ICM.

"Alfa de HNF-1", "Beta HNF-1" y "Beta HNF-3 " pertenecen a la familia de factor nuclear hepático de factores de transcripción, que se caracteriza por un dominio vinculado de ADN altamente conservado y dos dominios cortos de carboxi-terminal.

"GATA-4" y "GATA-6" son miembros de la familia de factores de transcripción GATA. Esta familia de factores de transcripción se induce por TGF β de señalización y de contribuir al mantenimiento de los marcadores de endodermo tempranos, Sox 17a y beta HNF-1 y el posterior marcador de beta HNF-3.

"SOX-17" es un factor de transcripción, que está implicado en la formación de endodermo durante la embriogénesis.

Por "medio de cultivo celular definido básico" se entiende un suero libre o que contiene suero, medio de crecimiento celular químicamente definido. Tal medio incluye, pero no se limita a, Dulbecco's Modified Eagle's Medium (DMEM), Minimum Essential Medium modificado alfa (MMEM alfa), Basal Medium Esencial (BME), CMRL-1066, RPMI 1640, medio M199, medio de nutrientes F10 de Ham, KNOCKOUT™ DMEM, DMEM avanzada, los medios de comunicación basados en MCDB como MCDB -151, -153, -201, -302 (Sigma, MO) y DMEM/F12. Estos y otros medios útiles están disponibles de GIBCO, Grand Island, Nueva York, EE.UU., por ejemplo. Varios de estos medios son revisados en *Methods in Enzymology*, volumen LVIII, "Cell Culture", pp. 62-72, editado por William B. Jakoby y Ira H. Pastan, publicado por Academic Press Inc.

"Hes-1", también conocido como "peludos / potenciador de la división 1" es un factor de transcripción que pueden influir en la determinación del destino celular.

"Musashi-1" es un miembro de una subfamilia de proteínas de ARN que es altamente conservado entre las especies. La expresión de Musashi-1 es altamente enriquecido en las células proliferativas dentro del sistema nervioso central en desarrollo y puede ser un marcador de células madre en células intestinales.

"Vehículo farmacéutico" se refiere a una matriz porosa o no porosa biodegradable o no degradable que puede actuar como un portador para el trasplante de células de mamífero.

El "Trasplante" como se usa en este documento, puede incluir las etapas de introducir una célula o una población de

células o tejidos en un mamífero tal como un paciente humano. El "trasplante" también puede incluir la incorporación de células o tejido en un vehículo farmacéutico y la implantación de la portadora en un mamífero tal como un paciente humano.

5 El aislamiento de las células derivadas del líquido amniótico

Las células derivadas de líquido amniótico se pueden aislar por un método de múltiples etapas, que esencialmente consiste en:

- 10 - Aislamiento de líquido amniótico,
- La centrifugación del fluido amniótico, seguido de la eliminación del sobrenadante,
- La resuspensión de sedimento de células en medio de crecimiento,
- Cultivo de las células y tejidos en un ambiente bajo en oxígeno,
- Dejar el cultivo en reposo durante aproximadamente 5 a 10 días sin ningún tipo de cambios en los medios,
- 15 - Aislamiento de distintas colonias utilizando anillos de clonación,
- El cultivo de las colonias aisladas en medio de crecimiento.
- Clonación por dilución en serie y la identificación de células individuales que dan lugar a la proliferación de colonias, y
- El cultivo de los clones en medio de crecimiento.

20 En una realización alternativa, las células derivadas del líquido amniótico están aisladas por una de varias etapas de método, que esencialmente consiste en:

- Aislamiento de líquido amniótico,
- 25 - La centrifugación del líquido amniótico, seguido de la eliminación del sobrenadante,
- La resuspensión de sedimento de células en medio de crecimiento,
- Cultivo del cultivo y tejidos en un entorno de normoxia,
- Dejar el cultivo en reposo durante aproximadamente 5 a 10 días sin ningún tipo de cambios en los medios,
- Aislamiento de distintas colonias utilizando anillos de clonación,
- 30 - Cultivo de las colonias aisladas en medio de crecimiento,
- Serial clonación por dilución y la identificación de células individuales que dan lugar a la proliferación de colonias, y
- El cultivo de los clones en medio de crecimiento.

35 Las placas de cultivo pueden ser pre-recubiertas con agentes tales como, por ejemplo, fibronectina, vitronectina, laminina, colágeno, gelatina, trombospondina, extractos de placenta, MATRIGEL™, tenascina, suero humano, o combinaciones de los mismos.

Si se desea, el líquido amniótico puede ser expuesto, por ejemplo, a un agente (tal como un anticuerpo) que reconoce específicamente un marcador proteico expresado por células del líquido amniótico, para identificar y seleccionar células derivadas de líquido amniótico, obteniendo de este modo una población sustancialmente pura de células derivadas de líquido amniótico.

Las células derivadas de líquido amniótico pueden ser cultivadas en medio completo AMNIOMAX™ (Invitrogen). Alternativamente, las células pueden cultivarse en medio Chang B / C (Irvine Scientific). Alternativamente, las células pueden ser cultivadas en DMEM bajo de glucosa, suplementado con insulina-transferrina-selenio-X (ITS-X, Invitrogen, CA), suero bovino fetal al 2% (FBS), 1% de penicilina / estreptomycin (P / S) + 25 ng / ml bFGF. Alternativamente, las células pueden cultivarse en medios de DMK.1KNOCKOUT™ (Invitrogen, CA), suplementados con 20% de suero de reemplazo KNOCKOUT™ (Invitrogen, CA), 10 ng / ml bFGF. Alternativamente, las células pueden cultivarse en el medio E de Williams suplementado con 2% definido FBS, 2 mM de L-glutamina, ITS, 2-mercaptoetanol 55 µM, EGF 10 ng/ml, 4 ng / ml bFGF y 4 ng / ml de dexametasona. Alternativamente, las células pueden cultivarse en 1:1 de DMEM-LG/MCDB 201, 2% de SFB, ITS-X, βme 55 µm, 100 µm ácido ascórbico-2 fosfato, bFGF 4 ng / ml, EGF 10ng / ml y 4 ng / ml de dexametasona . Alternativamente, las células pueden ser cultivadas en DMEM bajo de glucosa, suplementado con 20% FBS. Alternativamente, la célula puede ser cultivada en DMEM bajo de glucosa, suplementado con 5% de FBS. Las células también pueden ser cultivadas en DMEM medio 201 bajo de glucosa / MCDB (1: 1), complementado con un FBS definido a 2 %, ITS-X, dexametasona 1nM, ácido ascórbico 2-fosfato 100 mM, EGF 10ng / ml, PDGF-BB 10ng / ml y 100 mM 2-mercaptoetanol. Los medios pueden complementarse con bFGF, en concentraciones de aproximadamente 5 ng / ml a aproximadamente 100 ng / ml. Alternativamente, las células pueden ser cultivadas en 20% suero de reemplazo KNOCKOUT™ + 80% KNOCKOUT™ DMEM, suplementado con L-glutamina de 1 mM, aminoácidos no esenciales 1% y 2-mercaptoetanol 0,1 mM. El medio puede condicionarse tal vez durante la noche, en los fibroblastos humanos o murinos embrionarios, células estromales derivadas de médula ósea humana, o células de la placenta humana derivada y suplementada con 4 ng / ml de bFGF. Alternativamente, las células pueden ser cultivadas en DMEM de alta glucosa, suplementada con FBS definido a 20% con 2-mercaptoetanol 0,1 mM. La Tabla II se enumera las diversas formulaciones de medios de comunicación empleados para el cultivo de las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención.

Durante el cultivo en medio de crecimiento, las células pueden ser cultivadas bajo condiciones hipóxicas o normóxicas. Bajo condiciones de hipoxia, los niveles de oxígeno son menores que 20%, alternativamente menor que 10%, alternativamente inferior a 5%, pero más de 1%.

5 Preferiblemente, el cultivo debe mantenerse en el medio de crecimiento en reposo durante aproximadamente 5 a 14 días sin ningún cambio de medios, momento en el que las células se han convertido típicamente en adherentes al sustrato de cultivo utilizado. Momento en el cual, las células pueden ser subcultivadas.

10 El subcultivo se puede lograr con cualquiera de las soluciones enzimáticas bien conocidas por los expertos en la técnica. Un ejemplo de una solución enzimática adecuada para uso en la presente invención es TrypLE Express™ (Invitrogen, Ca).

15 Además, las células derivadas del líquido amniótico pueden expandirse mediante el cultivo en un agente que contiene medios de crecimiento definidos que estimulan la proliferación de las células de la presente invención. Estos factores pueden incluir, por ejemplo, nicotinamida, miembros de la familia TGF-β, incluyendo TGF-β1, 2, y 3, proteínas morfogenéticas óseas (BMP-2, -4, 6, -7, -11, -12, y -13), albúmina de suero, familia de factor de crecimiento de fibroblastos, factor de crecimiento derivado de plaquetas-AA y -BB, plasma rico en plaquetas, factor de crecimiento de insulina (IGF-I, II) factor de diferenciación de crecimiento (GDF-5, -6, -8, -10, 11), péptido similar a glucagón-I y II (GLP-I y II), GLP-1 y GLP-2 mimetobody, la exendina-4, ácido retinoico, hormona de paratiroidea, insulina, progesterona, testosterona, estrógeno, aprotinina, hidrocortisona, etanolamina, beta mercaptoetanol, factor de crecimiento epidérmico (EGF), gastrina I y II, los quelantes de cobre tales como trietileno de pentamina, forscolina de TGF-α, Na-butilato, activina, betacelulina, noggin, factor de crecimiento neuronal, nodal, la insulina / transferencia / selenio (ITS), factor de crecimiento de hepatocitos (HGF), factor de crecimiento de queratinocitos (KGF), extracto de pituitaria bovina, la proteína de los islotes asociados a neogénesis (INGAP), inhibidores del proteasoma, inhibidores de la vía de grado, inhibidores de sonic hedgehog, inhibidores beta de GSK-3 o combinaciones de los mismos. Alternativamente, las células derivadas del líquido amniótico pueden expandirse en cultivo en medios acondicionados. Por "medios acondicionados" se entiende que una población de células se cultiva en un medio básico de cultivo celular definido y contribuye factores solubles al medio. En un uso de este tipo, las células se retiran del medio, mientras que los factores solubles que las células producen permanecen. Este medio se utiliza para alimentar una población diferente de células.

25 En ciertas realizaciones, las células derivadas del líquido amniótico se cultivan en placas de cultivo de tejidos estándar. Alternativamente, las placas de cultivo pueden recubrirse con proteínas de la matriz extracelular, tales como, por ejemplo, MATRIGEL®, factor de crecimiento reducido MATRIGEL®, laminina, colágeno, gelatina, tenascina, fibronectina, vitronectina, trombospondina, extractos de placenta, de suero humano, o combinaciones de los anteriores.

Caracterización de las células derivadas del líquido amniótico aisladas

40 Los métodos para evaluar la expresión de la proteína y de los marcadores de ácido nucleico en cultivo o células aisladas son estándar en la técnica. Estos incluyen la cadena de reacción de polimerasa transcriptasa inversa cuantitativa (RT-PCR), transferencias Northern, hibridación in situ (véase, por ejemplo, Current Protocols in Molecular Biology (Ausubel et al., Eds. Suplemento de 2001)), y los inmunoensayos, tales como el análisis inmunohistoquímico de material seccionado, transferencia Western y para los marcadores que son accesibles en células intactas, citometría de flujo análisis (FACS) (véase, por ejemplo, Harlow y Lane, Using Antibodies: A Laboratory Manual, Nueva York: Cold Spring Harbor Laboratory Press (1998)).

50 Los ejemplos de anticuerpos útiles para la detección de ciertos marcadores de proteínas se enumeran en la Tabla III. Debe tenerse en cuenta que otros anticuerpos dirigidos a los mismos marcadores que se reconocen por los anticuerpos listados en la Tabla III están disponibles, o se pueden desarrollar fácilmente. Dichos otros anticuerpos también se pueden emplear para la evaluación de la expresión de marcadores en las células aisladas de acuerdo con la presente invención.

55 Las características de las células del linaje de células β son bien conocidas para expertos en la técnica y características adicionales del linaje de células β continúan identificándose. Estas características se pueden usar para confirmar que las células del líquido amniótico derivadas de aislados de acuerdo con la presente invención se han diferenciado para adquirir las propiedades características del linaje de células β. Características específicas de linaje de células β incluyen la expresión de uno o más factores de transcripción tales como, por ejemplo, PDX-1 (gen 1 de homeobox pancreático y duodenal), NGN-3 (neurogenina-3), Hlx9, Nkx6, Isl1, Pax6, NeuroD, Hnf1a, Hnf6, Hnf3 Beta, y Mafa, entre otros. Estos factores de transcripción están bien establecidos en la técnica para la identificación de células endocrinas. Véase, por ejemplo, Edlund (Nature Reviews Genetics 3: 524-632 (2002)).

65 Características de las células del linaje de células intestinales son bien conocidas por los expertos en la técnica, y características adicionales de este linaje continúan identificándose. Estas características se pueden usar para confirmar que las células derivadas del líquido amniótico diferenciadas o no diferenciadas aisladas de acuerdo con la presente invención tienen algunas de las propiedades características del linaje celular intestinal. características del

linaje de células intestinales incluyen la expresión de uno o más factores de transcripción tales como, por ejemplo, HES-1 (hairy / potenciador de split-I), NGN-3, Pax6, NeuroD), Math-1, y Musashi-1, entre otros. Además, las células intestinales expresan hormonas como secretina, colecistoquinina, GLP-1, neurotensina, péptido inhibidor gástrico (GIP), serotonina, somatostatina y gastrina, entre otros. Estos factores de transcripción y las hormonas intestinales son bien establecidos en la técnica para la identificación de las células intestinales. Véase, por ejemplo, Schonhoff (Endocrinología 145: 2639-2644 (2004)).

Los presentes inventores han identificado y aislado una población de células derivadas de líquido amniótico que es altamente proliferativa y muestra características similares a las células embrionarias, y pueden expresar al menos uno de los siguientes marcadores: HNF-I beta, HNF-3 beta, SOX -17, o GATA 6. En particular, las células derivadas del líquido amniótico aisladas como se describe en la presente memoria se caracterizan como, inter alia, careciendo sustancialmente al menos uno de los siguientes marcadores de proteínas: CD117, Oct-4 o Tra2-54 . Las poblaciones de células derivadas del líquido amniótico con estas características se denominan aquí AF-I (número de acceso ATCC PTA-6975).

Bajo las condiciones de crecimiento superiores para la expansión, las células del líquido amniótico aisladas como se describe aquí se pueden expandir por más de 50 duplicaciones de la población, mientras se mantiene el potencial de expresar al menos uno de los siguientes marcadores: HNF-1 beta, HNF-3 beta, SOX-17, o GATA-6.

Los presentes inventores también han identificado y aislado poblaciones de células derivadas de fluido amniótico que son altamente proliferativas, muestra características similares a las células embrionarias, y no expresan al menos uno de los siguientes marcadores: HNF-3 beta, SOX-17, GATA-4, CD 117, Oct-4 o Tra2-54. En particular, las células derivadas del líquido amniótico aisladas de acuerdo con la presente descripción se caracterizan como, inter alia, careciendo sustancialmente de al menos uno de los siguientes marcadores de proteínas: CD117, Oct-4 o Tra2-54. Las poblaciones de células derivadas del líquido amniótico con estas características se hace referencia a la presente memoria como AF-II.

Los presentes inventores también han identificado y aislado poblaciones de células derivadas de fluido amniótico que son altamente proliferativas, muestra características similares a las células embrionarias, y no expresan cualquiera de los siguientes marcadores: HNF-3beta, SOX-17, GATA-4, CD117, Oct-4 o Tra2-54. En particular, las células derivadas del líquido amniótico aisladas de acuerdo con la presente descripción se caracterizan como, inter alia inter, careciendo sustancialmente de al menos uno de los siguientes marcadores de proteínas: CD117, Oct-4 o Tra2-54. Las poblaciones de células derivadas de fluido amniótico con estas características se denominan aquí como AF-II.

Los presentes inventores también han identificado y aislado poblaciones de células derivadas de fluido amniótico que son altamente proliferativas, muestran características similares a las células embrionarias, y no expresan citoqueratina y al menos uno de los siguientes marcadores: HNF-3 beta, SOX-17, GATA-4 , CD117, Oct-4 o Tra2-54. En particular, las células derivadas del líquido amniótico aisladas de acuerdo con la presente descripción se caracterizan como, inter alia, careciendo sustancialmente al menos uno de los siguientes marcadores de proteínas: CD117, Oct-4 o Tra2-54. A las poblaciones de células derivadas del líquido amniótico de estas características se refiere en el presente documento AF-III.

Los presentes inventores también han identificado y aislado poblaciones de células derivadas de fluido amniótico que son altamente proliferativas, muestran características similares a las células embrionarias, y no expresan cualquiera de los siguientes marcadores: citoqueratina, HNF-3beta, SOX-17, GATA4, CD117, Oct-4 o Tra2-54. En particular, las células derivadas del líquido amniótico aisladas de acuerdo con la presente descripción se caracterizan como, inter alia, careciendo sustancialmente de al menos uno de los siguientes marcadores de proteínas: CD117, Oct-4 o Tra2-54. A las poblaciones de células derivadas de líquido amniótico de estas características se refiere en el presente documento AF-III.

Un resumen del perfil de expresión de células AF-I, AF-II y AF-III se muestra en la Figura 9.

Las células derivadas de líquido amniótico de la presente invención se pueden ampliar por más de 50 duplicaciones de la población, mientras se mantiene el potencial de diferenciarse en endodermo definitivo, o de las células con características de un linaje de células β pancreático o la capacidad de diferenciarse en una célula que produce hormona intestinal.

La diferenciación de las células derivadas del líquido amniótico

En un aspecto, la presente descripción proporciona composiciones capaces de diferenciar las células derivadas del líquido amniótico expandidas de esta invención en las células que llevan marcadores característicos de las células de linaje β .

En otro aspecto, la presente descripción proporciona composiciones capaces de diferenciar las células derivadas del líquido amniótico expandidas de esta invención en las células que llevan marcadores característicos de endodermo

definitivo.

En otro aspecto, la presente descripción proporciona composiciones capaces de diferenciar las células derivadas del líquido amniótico expandidas de esta invención en las células que llevan marcadores característicos de una célula productora de hormonas intestinales.

Un medio de cultivo definido de base, cuando se suministran con uno o más componentes, que apoyan el crecimiento de células derivadas del líquido amniótico, suplementadas con cantidades de inducción de diferenciación de uno o más factores de crecimiento, se conoce como un "medio de inducción." De acuerdo con la presente invención, el medio de inducción contiene menos o igual a 20% de suero. En una realización, suero de ternera fetal puede utilizarse. Alternativamente, el suero fetal bovino puede sustituirse por el suero de cualquier mamífero, o por la albúmina, albúmina bovina u otros compuestos que permiten o mejoran la diferenciación de las células derivadas del líquido amniótico al linaje celular β . Alternativamente, el medio de inducción puede ser un medio condicionado.

Factores apropiados para uso en el medio de inducción puede incluir, por ejemplo, nicotinamida, miembros de la familia TGF- β , inclusive TGF- β 1, 2 y 3, proteínas morfogénicas óseas (BMP-2, -4, 6, -7, -11, -12, y -13), albúmina de suero, factor de crecimiento de fibroblastos de la familia, el factor de crecimiento derivado de plaquetas -AA y -BB, plasma rico en plaquetas, factor de crecimiento de insulina (IGF-I, II) factor de diferenciación de crecimiento (GDF- 5, -6, -8, -10, 11), péptido similar a glucagón-I y II (GLP-I y II), GLP-I y GLP-2 mimetobody, la exendina-4, ácido retinoico, hormona paratiroidea, insulina, progesterona, aprotinina, hidrocortisona, etanolamina, beta mercaptoetanol, factor de crecimiento epidérmico (FUE), gastrina I y II, quelantes del cobre, tales como pentamina de trietileno, TGF-a, forskolina, Na-butirato, activina, betacelulina, ITS, noggin, el crecimiento factores, de neurito, nodal, ácido de valpróico, tricostatina A, butirato de sodio, factor de crecimiento de hepatocitos (HGF), esfingosina-1, proteínas Wnt tales como Wnt-1, -3, -3a, 07a, y -8, factor de crecimiento de queratinocitos (KGF), familia de proteínas Dickkopf, extracto de pituitaria bovina, islote de proteína asociada a neogenesis (INGAP), Indian hedgehog, sonic hedgehog, inhibidores del proteasoma, inhibidores de la vía de grado, inhibidores de sonic hedgehog, o combinaciones de los mismos.

En un aspecto de la presente descripción, una combinación de factores de crecimiento y agentes químicos, incluyendo bFGF, Activina-A, FGF5, N2 y suplementos B27 (Gibco, CA), alcaloide esteroide como, por ejemplo, ciclopamina (EMD, CA) que inhibe la señalización de sonic hedgehog, y un inhibidor del proteasoma tal como, por ejemplo MG132 (EMD, CA), se suministra a un medio básico definido para apoyar la diferenciación de células derivadas del líquido amniótico en un linaje de células β . En un aspecto, las células se cultivan en un medio de inducción compuesto por DMEM (baja glucosa, 5,5 mM) que contiene 10 micromolar MG-132 durante 1-2 días, seguido de incubación adicional durante 3-7 días en un medio de inducción suplementado con IX B27 (Gibco, CA) y IX N2 (Gibco, CA) y se complementan además con ciclopamina (10 μ M; EMD, CA), bFGF (20 ng / ml; R&D Systems, MN), Activina A (20 nM; R&D Systems, MN) o FGF5 (20 ng / ml; Systems I + D, MN) para cinco días adicionales.

En otro aspecto de la descripción, las células de la presente invención pueden ser tratadas con medio acondicionado a partir de cultivos aislados de rudimentos intestinales o pancreáticos fetales primarios para inducir una mayor diferenciación en los linajes intestinales o pancreáticos, respectivamente. Las células también se pueden inducir para diferenciar con medio condicionado de las líneas de células pancreáticas, tales como PANC-1, CAPAN-1, BxPC-3, HPAF-II, las líneas celulares hepáticas tales como HepG2, y líneas de células intestinales, tales como, por ejemplo, FHs 74 y HS738. Alternativamente, las células de la presente invención pueden ser tratadas con medios acondicionados aislados a partir de células madre embrionarias humanas o de ratón para diferenciarse en un linaje endodérmico. Estas líneas celulares se pueden adquirir de la ATCC (VA).

La combinación y las concentraciones de factores de crecimiento, la longitud de la cultura, y otras condiciones de cultivo pueden ser optimizadas por los expertos en la técnica para conseguir la diferenciación efectiva de, por ejemplo, el seguimiento del porcentaje de células que se han diferenciado en células característicos del linaje de célula β . El uno o más factores de crecimiento se pueden añadir en una cantidad suficiente para inducir la diferenciación de las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención en las células que llevan los marcadores de un linaje de células β en un período de tiempo de aproximadamente una a cuatro semanas.

Uso terapéutico de las células de la presente invención.

En un aspecto, la presente descripción incluye un método para tratar un paciente que sufre de, o está en riesgo de desarrollar diabetes de tipo 1. Este método consiste en aislar y cultivar células derivadas de líquido amniótico, la expansión de la población aislada de células, la diferenciación de las células cultivadas in vitro en un linaje de células β , y la implantación de las células diferenciadas ya sea directamente o en un vehículo farmacéutico en el paciente. Si es apropiado, el paciente puede ser tratado adicionalmente con agentes farmacéuticos o bioactivos que facilitan la supervivencia y la función de las células trasplantadas. Estos agentes pueden incluir, por ejemplo, la insulina, los miembros de la familia TGF- β , incluyendo proteínas morfogénicas óseas TGF- β 1, 2, y 3, (BMP-2, -3, -4, -5, -6, -7, -11, -12, y -13), factores de crecimiento de fibroblastos -1 y -2, factor de crecimiento derivado de plaquetas AA y -BB, plasma rico en plaquetas, factor de crecimiento de insulina (IGF-I, II) factor de diferenciación de

crecimiento (GDF-5, -6, -8, -10, -15), factor de crecimiento vascular endotelial derivado de células (VEGF), pleiotrofina, endotelina, entre otros. Otros compuestos farmacéuticos pueden incluir, por ejemplo, nicotinamida, glucagón como péptido-I (GLP-1) y II, el GLP-1 y 2 mimctibody, Exendina-4, ácido retinéico, hormona paratiroidea, inhibidores de MAPK, tales como, por ejemplo, compuestos descritos en los documentos US 2004/0209901 y la solicitud publicada solicitud EE.UU 2004/0132729.

En aún otro aspecto, la presente descripción incluye un método para tratar un paciente que sufre de, o está a riesgo de desarrollar diabetes de tipo 2. El método implica aislar y cultivar células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con la presente invención, la expansión de la población aislada de células, la diferenciación de las células cultivadas in vitro en un linaje de células β y la implantación de las células diferenciadas ya sea directamente o en un vehículo farmacéutico en dicho paciente.

Las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención pueden ser criopreservadas utilizando medios comercialmente disponibles que contiene DMSO (Dimetilsulfóxido) o glicerol. Las células en bancos y congeladas pueden almacenarse en la fase de vapor de un tanque de almacenamiento de nitrógeno líquido hasta que se necesite.

Las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención puede ser trasplantadas con islotes maduros de la misma o diferentes especies de animales para mejorar la supervivencia de las células derivadas del líquido amniótico o para inducir una mayor diferenciación de las células derivadas del líquido amniótico en un linaje de células β de páncreas. La fuente de líquido amniótico de la cual se aíslan las células pueden ser autólogas en relación con el paciente que se somete el tratamiento terapéutico. Alternativamente, la fuente puede ser alogénica o xenogénica. Las células que se administran a un paciente también se pueden modificar genéticamente para aumentar la proliferación y / o diferenciación o prevenir o disminuir el riesgo de rechazo inmunológico. Alternativamente, las células derivadas del líquido amniótico obtenidas de acuerdo con la presente invención se pueden utilizar para modular la respuesta inmune del receptor, antes del trasplante de células diferenciadas preparadas de acuerdo con la presente invención. Véase, por ejemplo, la Patente de EE.UU. 6.328.960, la patente de EE.UU. 6.281.012. Las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención se pueden diferenciar en una célula productora de insulina de antes del trasplante en un receptor. Las células derivadas de líquido amniótico de la presente invención puede ser completamente diferenciadas en células β , antes del trasplante en un receptor. Alternativamente, las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención se pueden trasplantar a un receptor en un estado no diferenciado o parcialmente diferenciado. La diferenciación adicional puede tener lugar en el receptor. Las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención pueden ser modificadas genéticamente. Por ejemplo, las células pueden modificarse por ingeniería genética a más marcadores expresos característicos de una célula de un linaje de células β , tales como, por ejemplo, PDX-1 o insulina. Las células pueden modificarse por ingeniería genética para expresar exageradamente con cualquier gen adecuado de interés. Además, las células pueden modificarse por ingeniería genética a más marcadores expresas características de una célula intestinal, tales como MATH-1. Alternativamente, las células de la presente invención se pueden diferenciar en una población celular que expresa GIP y modificada adicionalmente con un gen de insulina bajo control del promotor de GIP para convertirse en la población de células de respuesta a glucosa y productoras de insulina.

Las técnicas útiles para modificar genéticamente las células derivadas del líquido amniótico de la presente invención se pueden encontrar, por ejemplo, en libros de texto y comentarios en biología celular estándar. Métodos de genética molecular e ingeniería genética se describen, por ejemplo, en *Molecular Cloning: A Laboratory Manual*, segunda Ed. (Sambrook et al, 1989); *Síntesis de oligonucleótidos* (M. J. Gait, ed., 1984); *Animal Cell Culture* (R. I. Freshney, ed., 1987); las series de *Methods in Enzymology* (Academic Press, Inc.); *Los vectores de transferencia génica para células de mamíferos* (I. M. Miller & M. P. Calos, eds., 1987.); *Current Protocols in Molecular Biology and Short Protocols in Molecular Biology*, 3ª Edición (F. M. Ausubel et al., eds., 1987 y 1995); y *Recombinant DNA Methodology II* (R. Wu, ed., Academic Press 1995).

La molécula de ácido nucleico, que codifica el gen de interés puede ser integrado de forma estable en el genoma de la célula derivada de fluido amniótico de huésped, o de la molécula de ácido nucleico puede estar presente como una molécula extracromosómica, tal como un vector o plásmido. Dicha molécula extracromosómica puede ser auto-replicante. El término "transfección", como se usa aquí, se refiere a un proceso para introducir ácido nucleico heterólogo en la célula derivada de fluido amniótico de huésped.

Las células no diferenciadas, o de lo contrario, se pueden utilizar como células dispersas o formadas en grupos que se pueden infundir en la vena porta hepática. Alternativamente, las células pueden proporcionarse en soportes poliméricos degradables biocompatibles, dispositivos no degradables porosas o encapsulados para proteger frente a la respuesta inmune del huésped. Las células pueden ser implantadas en un sitio apropiado en un recipiente. Los sitios de implantación incluyen, por ejemplo, el hígado, el páncreas natural, espacio subcapsular renal, omento, peritoneo, espacio subserosos, intestino, estómago, o en un bolsillo subcutáneo.

Para mejorar aún más la diferenciación, la supervivencia o la actividad de las células implantadas, los factores adicionales, tales como factores de crecimiento, antioxidantes o agentes anti-inflamatorios, se pueden administrar antes de, simultáneamente con, o después de la administración de las células. En ciertas realizaciones, los factores

de crecimiento se utilizan para diferenciar las células administradas in vivo. Estos factores pueden ser secretadas por células endógenas y se expusieron a las células derivadas del líquido amniótico administrado in situ. Células derivadas de líquido amniótico pueden ser implantadas e inducidas a diferenciarse mediante una combinación de factores de crecimiento endógenos y administrados exógenamente conocidos en la técnica.

5 La cantidad de células usadas en la implantación depende de una serie de factores que incluyen la condición del paciente y la respuesta a la terapia, y puede ser determinada por un experto en la técnica.

10 En un aspecto, la presente descripción incluye un método para tratar un paciente que sufre de, o está a riesgo de desarrollar diabetes. El método incluye el aislamiento y el cultivo de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con la presente invención, la expansión de la población aislada de células, la diferenciación in vitro de las células del líquido derivado amniótico cultivado en un linaje de células β y la incorporación de las células en un soporte de tres dimensiones. Las células se pueden mantener in vitro sobre este soporte antes de la implantación en el paciente. Alternativamente, el soporte que contiene las células puede ser implantado directamente en el paciente sin cultivo adicional in vitro. El soporte opcionalmente se puede incorporar con al menos un agente farmacéutico que facilita la supervivencia y la función de las células trasplantadas.

20 Materiales de soporte adecuados incluyen tejidos, plantillas, conductos, barreras y los depósitos útiles para la reparación de tejidos. En materiales particulares, sintéticos y naturales en forma de espumas, esponjas, geles, hidrogeles, tejidos y estructuras no tejidas, que se han usado in vitro e in vivo para reconstruir o regenerar tejido biológico, así como para suministrar agentes quimotácticos para inducir el crecimiento del tejido, son adecuados para uso en la práctica de los métodos de la presente invención. Véanse, por ejemplo, los materiales descritos en la patente de EE.UU. 5.770.417, Patente de Estados Unidos 6.022.743, Patente de Estados Unidos 5.567.612, Patente de Estados Unidos 5.759.830, Patente de Estados Unidos 6.626.950, Patente de Estados Unidos 6.534.084, Patente de Estados Unidos 6.306.424, Patente de Estados Unidos 6.365.149, Patente de Estados Unidos 6.599.323, Patente de Estados Unidos 6.656.488, y Patente de Estados Unidos 6.333.029. Ejemplos de polímeros adecuados para uso en la presente invención se describen en la solicitud publicada EE.UU. 2004/0062753 A1 y la patente de EE.UU. 4.557.264. Para formar un soporte incorporado con un agente farmacéutico, el agente farmacéutico puede ser mezclado con la solución de polímero antes de formar el soporte. Alternativamente, un agente farmacéutico puede ser revestido sobre un soporte fabricado, preferiblemente en la presencia de un vehículo farmacéutico. El agente farmacéutico puede estar presente como un líquido, un sólido finamente dividido, o cualquier otra forma física apropiada. Alternativamente, los excipientes se pueden añadir al soporte para alterar la velocidad de liberación del agente farmacéutico. En una realización alternativa, el soporte se incorpora con al menos un compuesto farmacéutico que es un compuesto anti-inflamatorio, tal como, por ejemplo, los compuestos descritos en la patente EE.UU. 6.509.369.

30 El soporte puede ser incorporado con al menos un compuesto farmacéutico que es un compuesto anti-apoptótico, tales como, por ejemplo, los compuestos descritos en la patente EE.UU. 6.793.945.

40 El apoyo puede incorporados con al menos un compuesto farmacéutico que es un inhibidor de la fibrosis, tal como, por ejemplo, compuestos descritos en la Patente de EE.UU. 6.331.298.

45 En una realización adicional, el soporte se incorpora con al menos un compuesto farmacéutico que es capaz de mejorar el angiogenesis, tal como, por ejemplo, compuestos descritos en la solicitud publicada de EE.UU. 2004/0220393 y la Solicitud Publicada de EE.UU. 2004/0209901.

El apoyo puede incorporarse con al menos un compuesto farmacéutico que es un compuesto inmunosupresor, tal como, por ejemplo, compuestos descritos en la solicitud publicada de EE.UU. 2004/0171623.

50 El apoyo puede incorporarse con al menos un compuesto farmacéutico que es un factor de crecimiento, tal como, por ejemplo, miembros de la familia TGF- β , incluyendo TGF- β 1, 2, y 3, las proteínas morfogénicas óseas (BMP-2, -3, -4, -5, -6, -7, -11, -12 y -13), factores crecimiento de fibroblasto-1 y -2, derivado de plaquetas de factor de crecimiento AA y BB, plasma rico en plaquetas, factor de crecimiento de insulina (IGF-I, II) de diferenciación de factor de crecimiento (GDF-5, -6, -8, -10, -15), factor de crecimiento vascular endotelial derivado de células (VEGF), pleiotrofina, endotelina, entre otros. Otros compuestos farmacéuticos pueden incluir, por ejemplo, nicotinamida, factor inducible por hipoxia 1-alfa, péptido similar a glucagón-I (GLP-1), GLP-1 y GLP-2 mimctibody, y II, Exendina-4, nodal, noggin, NGF, ácido retinóico, hormona paratiroidea, tenascina-C, tropoelastina, los péptidos derivados de trombina, catelicidinas, defensinas, laminina, péptidos biológicos que contienen dominios por células y de unión a heparina de proteínas adhesivas de la matriz extracelular tales como fibronectina y vitroneetina, inhibidores de MAPK, tales como, por ejemplo, los compuestos descritos en US 2004/0209901 y la solicitud publicada de EE.UU. 2004/0132729.

65 La incorporación de las células de la presente invención en un andamio se puede lograr mediante el simple depósito de células sobre el andamio. Las células pueden entrar en el andamio por simple difusión (J. Pediatr. Surg 23 (1 Pt 2): 3-9 (1988)). Varios otros métodos han sido desarrollados para mejorar la eficiencia de la siembra de células. Por ejemplo, matraces de agitación se han utilizado en la siembra de condrocitos en los andamios de ácido poliglicólico

(Biotechnol Prog 14 (2): 193-202 (1998)). Otro enfoque para la siembra de las células es el uso de centrifugación, que produce la tensión mínima para las células sembradas y mejora la eficiencia de la siembra. Por ejemplo, Yang et al desarrolló un método de siembra celular (J. Biomed. Mater. Res. 55(3): 379-86 (2001)), conocido como Inmovilización Centrifugada de Células (CCI).

La presente invención se ilustra adicionalmente mediante los siguientes ejemplos, sin encontrarse limitada por los mismos.

Ejemplo 1

El establecimiento de líneas celulares derivadas de fluido amniótico humano

Líquido amniótico utilizado para aislar las células de la presente invención fue tomado a partir de muestras tomadas de amniocentesis de rutina realizada en 16 a 22 semanas de gestación para la determinación del cariotipo fetal. El método de múltiples etapas usado para aislar las células derivadas del líquido amniótico se describe en la Figura 1. El líquido amniótico se centrifugó durante 7 minutos a 400 x g y el sobrenadante eliminado. El sedimento celular resultante se resuspendió en el medio de crecimiento indicado en la Tabla III para las muestras de líquido amniótico utilizadas en la presente invención. Las células se cultivaron bien en el colágeno de tipo IV (1mg / 100 mm placa), o en el colágeno de tipo I (1 microgramo / cm²), la vitronectina (10 microgramos / ml) o placas recubiertas de fibronectina (10 microgramos / ml). El rendimiento celular de muestras de líquido amniótico tenía una gran variación (8000300000 células / muestra) y algunas muestras también contenían un número significativo de contaminación de células sanguíneas. Los cultivos se dejaron en reposo durante al menos 5-10 días bajo condiciones hipóxicas (3% O₂). En paralelo, se establecieron cultivos en condiciones similares en condiciones de normoxia. A continuación, los cultivos se alimentaron con los mismos medios de cultivo y se cultivaron hasta que los cultivos alcanzaron el 70-80% de confluencia. Las células en esta etapa fueron referidas como "P0". En algunos cultivos, las colonias de células fueron aisladas por un anillo de clonación y subcultivadas en una placa de cultivo diferente. distintas colonias estaban presentes con morfologías características de fibroblastos (F), el líquido amniótico (AF), y las células epiteliales (E) (Figura 2). Las células se liberan de la cultura P0 mediante el uso de TrypLE Express™ (Invitrogen) y se sembraron en fibronectina, vitronectina, platos / placas recubiertos de colágeno de tipo IV a diferentes densidades (50-10.000 células / cm²). Algunas de las células P0 se utilizaron para la clonación de dilución en serie. El tiempo de duplicación de la población de las células de más rápido crecimiento fue de aproximadamente 24 horas a principios de los pasajes. Se analizaron las células expandidas cultivadas en diversas condiciones de medios (Tabla II) para los marcadores de superficie celular (Tabla III). Las células se dividieron típicamente a 70% de confluencia y se volvieron a sembrar en 100-10.000 células / cm². RNA se recogió en diversas etapas de crecimiento de las células y se analizó para los marcadores de capa embrionarios y germinales (Tabla V).

Las células del líquido amniótico de la presente invención estuvieron presentes en diferentes edades gestacionales. La Tabla VI muestra la presencia o ausencia de morfologías AF, E y F en muestras de líquido amniótico obtenidas a las 17 semanas a 41 semanas de gestación.

También se obtuvieron células de líquido amniótico de la presente invención a partir del líquido amniótico obtenido a término (aproximadamente 40 semanas de gestación). Muestras de líquido amniótico se obtuvieron de 38-40 entregas semanales y se cultivaron de acuerdo con los protocolos descritos anteriormente. Las poblaciones de células adherentes resultantes muestran características muy similares a las células aisladas a partir de 16-22 semanas de gestación.

Ejemplo 2

La expansión clonal de las células de la presente invención

Usando los métodos descritos en el Ejemplo 1, las células con morfologías AF se recogieron a partir de cultivos P0 utilizando anillos de clonación. Se identificaron tres poblaciones distintas de células que presentan diferente expresión de receptores de superficie, proteínas del citoesqueleto, y factores de transcripción. En aras de la claridad, estas poblaciones se conocen como células AF-I, AF-II y AF-III. Ejemplos posteriores ponen de relieve las diferencias entre poblaciones AF-I, II, y III.

Ejemplo 3

Clasificación de células activadas por fluorescencia de (FACS)

Células adheridas se eliminaron de las placas de cultivo mediante incubación de cinco minutos con la solución expresa TRYPLE™ (Gibco, CA). células liberadas se resuspendieron en DMEM suplementado con 10% FBS y se recuperó por centrifugación, seguido de lavado y resuspensión de las células en un tampón de tinción que consiste en 2% de BSA, 0,05% de azida de sodio (Sigma, MO) en PBS. Si es apropiado, las células se bloquearon con receptor Fc, utilizando una solución de 0,1% γ -globulina (Sigma) durante 15 mm. Las alícuotas (aproximadamente 10⁵ células) se incubaron con anticuerpos monoclonales conjugados de ficoeritirina (PE) o alofocianina (APC)

(anticuerpo 5 μ l por células 10^6), como se indica en la Tabla III-A, o con un anticuerpo primario sin conjugar. Los controles incluyeron anticuerpos de isotipo coincidentes apropiados, las células no teñidas, y sólo las células teñidas con anticuerpo secundario conjugado. Todas las incubaciones con anticuerpos se llevaron a cabo durante 30 minutos a 4 ° C, después de lo cual las células se lavaron con el tampón de tinción. Las muestras que se tiñeron con anticuerpos primarios no conjugados se incubaron durante 30 minutos adicionales a 4 ° C con PE conjugado secundario o anticuerpos -APC etiquetado. Véase la Tabla III-B para una lista de los anticuerpos secundarios utilizados. Las células lavadas se sedimentaron y se resuspendieron en el tampón de tinción y las moléculas de la superficie celular se identificaron mediante el uso de una matriz de FACS (BD Biosciences) mediante la recopilación de al menos 10.000 eventos.

Para la tinción intracelular, las células se fijaron primero durante 10 minutos con paraformaldehído 4%, seguido de dos enjuagues en el tampón de tinción, la centrifugación de las células y resuspensión de las células en un tampón de permeabilización que contienen 0,5% de Triton-X (Sigma) en PBS durante 5 minutos a temperatura ambiente (RT). Las células permeabilizadas se lavaron dos veces con un tampón de aclarado, se centrifugaron, y se resuspendieron en el tampón de tinción y se incubaron con un anticuerpo conjugado apropiado (anticuerpo 5 μ l por células 10^6), durante 30 minutos a 4 ° C. Las muestras que se tiñeron con anticuerpos primarios no conjugados se incubaron durante 30 minutos adicionales a 4°C con PE conjugado secundario o anticuerpos marcados -APC (Tabla III B). Las células lavadas se sedimentaron y se resuspendieron en el tampón de tinción y las proteínas internas se identificaron mediante el uso de un FACSArray (BD Biosciences) mediante la recopilación de al menos 10.000 eventos. El nivel de expresión de la superficie examinada y marcadores internos aparece en la Tabla IV A y B. El análisis FACS permitió la identificación de marcadores de compás para distinguir las células de líquido amniótico (AF-I, II, y III), fibroblastos (F), y células epiteliales (E) (figuras 3-5). La Tabla IV C muestra el perfil de expresión en la superficie celular de las células AF-I aisladas de duración (38-40 semanas) de líquido amniótico. El nivel de expresión de receptores de superficie celular es muy similar a las células AF-I aislados de líquido amniótico de 16-22 semanas.

Ejemplo 4

La inmunotinción de células indiferenciadas

10.000 células / cm^2 , células cultivadas de acuerdo con el Ejemplo 1, fueron sembradas en placas de fondo de cristal de micropocillos de 35 mm (Matek Corp, MA) en diferentes medios de cultivo. Después de tres días en cultivo, las células se fijaron durante 10 minutos con paraformaldehído de 4%, seguido de dos enjuagues en la PBS, y adición de un tampón de permeabilización que contiene 0.5% Triton X (Sigma) durante 5 minutos a temperatura ambiente (RT), seguido de tres lavados adicionales con PBS. Las células fijadas y permeabilizadas fueron bloqueadas con albúmina o bien 1% de suero bovino (BSA) o 4% suero de la especie en el que el anticuerpo secundario se crió (cabra, burro, o conejo). Las muestras de control incluyen reacciones con el anticuerpo primario omitido o en el que el anticuerpo primario fue sustituido por inmunoglobulinas correspondientes a la misma concentración como los anticuerpos primarios. Muestras teñidas se enjuagaron con un antidiscolorante reactivo PROLONG® (Invitrogen, CA) que contiene diamidino-2-fenilindol, dihidroclorida (DAPI) para contramanchar el núcleo. Las imágenes se adquirieron usando un microscopio Nikon Confocal Eclipse C-1 invertida (Nikon, Japón) y un objetivo 10-60X (figuras 6 - 8).

Ejemplo 5

Análisis de PCR de células indiferenciadas

Se extrajo ARN de las células cultivadas en el medio de crecimiento. El ARN total de páncreas humano, hígado, cerebro, intestino (Ambion, INC.), células NTERA (línea de células embrionarias de carcinoma humano, ATCC), células HEK293 (ATCC) y células epiteliales de la vía aérea humana (Cambrex) se utilizaron como controles positivos. Se utilizaron células mesenquimales derivadas de médula ósea (Cambrex, MD) como controles negativos para la expresión de genes claves implicados en el desarrollo de páncreas.

La extracción de RNA, la purificación, y la síntesis de ADNc. Las muestras de ARN se purificaron a través de su unión a una membrana de gel de sílice (Rneasy Mini Kit, Qiagen, CA) en presencia de un tampón de alta salinidad que contiene etanol; mientras que los contaminantes se eliminan por lavado. El ARN se purificó adicionalmente mientras está unido a la columna por tratamiento con DNasa I (Qiagen, CA) para 15 mm. El ARN de alta calidad se eluyó en agua. El rendimiento y la pureza se evaluó por las lecturas de A260 y A280 en el espectrofotómetro. Copias de ADNc fueron hechas de ARN purificado utilizando un ABI (ABI, CA) de alta capacidad de kit de archivo de ADNc.

En tiempo real la amplificación por PCR y el análisis cuantitativo. A menos que se indique lo contrario, todos los reactivos se compraron de Applied Biosystems. En tiempo real las reacciones de PCR se realizaron utilizando el ABI PRISM® 7000 Sequence Detection System. TAQMAN® UNIVERSAL PCR MASTER MIX® (ABI, CA) se utilizó con 20 ng de ARN transcrito inverso en un volumen total de reacción de 20 μ l. Cada muestra de ADNc se realizó por duplicado para corregir los errores de pipeteo. Los cebadores y sondas TAQMAN® marcadas con FAM se utilizaron a concentraciones de 200 nM. El nivel de expresión de un gen de objetivo se normalizó mediante el uso del ARN

ribosomal pre-desarrollado 18S del Applied Biosystems o kit de control endógeno de gliceraldehído-3-fosfato deshidrogenasa humana (GAPDH). Los cebadores y sondas fueron diseñados ya sea utilizando software ABI PRISM PRIMER EXPRESS™ o utilizarse kit de análisis de gen pre-desarrollado ABI. Para cada gen, ya sea uno de los cebadores o la sonda fueron diseñados para abarcar el límite exón. Esto eliminó la posibilidad de que los cebadores / sondas se uniesen a cualquier ADN genómico presente. Los conjuntos de cebadores y sondas se enumeran de la siguiente manera Nkx2,2 (Hs00159616), Pdx-1 (Hs00426216), Nkx6,1 (Hs00232355), Ngn3 (Hs00360700), Pax4 (Hs00173014), Pax6 (Hs00240871), insulina (Hs00355773), G1u2 (Hs00165775), glucagón (Hs00174967), Isl-1 (Hs00158126), somatostatina (Hs00174949), FoxA2 (HNF 3-beta) (Hs00232764), HLXB9 (Hs00232128), GATA-4 (Hs00171403), HNF1β (Hs00172123), Musashi Homolog 1 (Msi-1) (Hs00159291), Hes1 (Hs00172878), Neurotensina (NTS) (Hs00175048), colecistoquinina (Hs00174937), AFP (Hs00173490), secretina (Hs00360814), GIP (Hs00175030), GFAP (Hs00157674), MAP2 (Hs00159041), Olig2 (Hs0037782), Oct-4 (CGACCATCTGCCGCTTTGAG (SEQ ID NO: 1) y CCCCTGTCCCCA TTCCTA (SEQ ID NO: 2)); Rex-1 (CAGATCCTAAACAGCTCGCAGAAT (SEQ ID NO: 3), y GCGTACGCAAATTAACCTCCAGA (SEQ ID NO: 4); Sox17: TGCGCAGCAGATACCA (SEQ ID NO: 5), AGCGCTTCCACGACTTG (SEQ ID NO:6) y CCAGCATCTTGCTCAACTCGGCG (SEQ ID NO:7); ABCG-2: GTTTATCCGTGGTGTGTCTGG (SEQ ID NO:8) y CTGAGCTATAGAGGCTGGG SEQ ID NO:9); SOX2: ATGCACCGCTACGACGTGA (SEQ ID NO:10) y CTTTTGCACCCCTCCATTT (SEQ ID NO: 11) Los cebadores restantes fueron diseñados utilizando el programa de cebadores (ABI, CA) y se enumeran en la Tabla V. Después de un inicial 50 ° C durante 2 mm, y 95 ° C para 10 mm, las muestras se ciclaron 40 veces en dos etapas - una etapa de desnaturalización a 95 ° C durante 15 s, seguido de una etapa de recocido / extensión a 60 ° C durante 1 min. El análisis de datos se realizó utilizando el software de Sequence Detection System GENEAMP®7000. Para cada conjunto de cebador / sonda, se determinó un valor C tal como el número de ciclo en el que la intensidad de la fluorescencia alcanzó un valor específico en el medio de la región exponencial de amplificación. niveles de expresión génica relativa se calcularon utilizando el método C comparativo. En pocas palabras, para cada muestra de ADNc, el valor de control C endógena se restó del gen de interés C_t para dar el valor delta C_t (ΔC_t). La cantidad normalizada de destino se calculó como 2^{-ΔC_t}, suponiendo que la amplificación sea de eficiencia de 100%. Los datos finales se expresaron en relación a una muestra del calibrador. El método comparativo C_t sólo es válido si la eficiencia y el control endógeno de objetivo de amplificación son aproximadamente iguales. Por lo tanto, experimentos de validación preliminares se realizaron para cada cebador / sonda de conjunto mediante la amplificación de las muestras diluidas en serie ADNc y determinando los valores ΔC_t. Estos valores ΔC_t deben permanecer constante en todo el rango de diluciones si las eficiencias de amplificación son iguales (Tabla V).

Ejemplo 6

35 Población tiempo de duplicación

El paso 6 de células de líquido amniótico (tipo AF-1), aisladas y ampliadas según el ejemplo1 se sembraron a 10.000 células / pocillo de una placa de cultivo de tejidos de 24 pocillos (Corning, MA) en el crecimiento de los medios #11. En varios puntos de tiempo, las células se retiraron de tres pocillos de la placa usando TRYPLE™ Express (Invitrogen, CA) y se contaron usando un sistema de análisis celular Guava PCA-96 y el reactivo VIACOUNT® (Guava, CA). La Figura 10 representa la curva de crecimiento de 6 células de paso cultivadas en condiciones hipóxicas (3% O₂). La fase lineal de la gráfica log se utilizó para estimar el tiempo de duplicación de la población de las células. La población duplicada en un tiempo de 6 células de paso fue de 31 horas.

45 El potencial de crecimiento de las tres poblaciones de células (fibroblastos, AF y la morfología epitelial) se compararon por cultivos a largo plazo. La figura 11 representa el potencial de crecimiento de las células cultivadas en medios # 5 AF-I, AF-II, AF-III, F y E. Es claro que las células F ("fibroblásticas" derivados de líquido amniótico) y células AF pueden ampliar muy por encima de 50 duplicaciones de población y representan una fuente escalable para aplicaciones de terapia celular.

50 Ejemplo 7

Longitud de los telómeros de las células AF-1

55 La longitud de los telómeros de una línea de AF-1 aislado a partir de una sola célula por dilución en serie limitada se analizó en el paso 12 (aproximadamente 50 duplicaciones de población) utilizando la Ensayo de Longitud de Telómeros *Telo TAGGG* (Roche, IN) y siguiendo las instrucciones del fabricante. La longitud de los telómeros se analizó para las células cultivadas en DMEM-LG + 10% de FBS y las células cultivadas en Amniomax™ (Gibco), véase Figura 12. ADN de las células NTERA sirvió como control positivo.

60 Ejemplo 8

Análisis del cariotipo

65 El cariotipo de las células AF, aislado a partir de donantes múltiples en el paso 8 a 10 (aproximadamente 30 duplicaciones de población), se determinó mediante análisis G-banda. Cinco cariotipos se prepararon y análisis

citogenético mostraron que las células tenían unas autosomas normales y un número de cromosomas modales de 46. Todas las células analizadas contenían también cromosomas Y y X, lo cual confirma su origen fetal. La Figura 13 representa los cariotipos de las células derivadas del líquido amniótico (AF-I, AF-II y AF-III) aisladas de líquido amniótico obtenido a partir de 16-22 semanas de gestación.

5

Ejemplo 9

Potencial de expansión de las células AF derivadas de líquido amniótico de plazo

La figura 14 representa el potencial de expansión de una morfología celular AF-1 derivada de fluido amniótico de plazo (-38 semanas) y se cultivaron en los medios #5. El potencial de expansión es muy similar a las células AF-I aisladas de 16 a 22 semanas de líquido amniótico.

Ejemplo 10

15

El análisis de microconjuntos de fibroblastos, epiteliales y células de morfología de líquido amniótico

ARN total se aisló de células derivadas de fluido amniótico de fibroblastos de paso 9-11 (F), células epiteliales derivadas de fluido amniótico (E), células de líquido amniótico derivadas de líquido amniótico (líneas AF- I, -II, y III), y el líquido amniótico a plazo (término AF) utilizando un kit RNeasy mini (Qiagen). La preparación de la muestra, la hibridación y el análisis de imágenes se realizó de acuerdo con el CodeLink™ System (GE Healthcare, Amersham Biosciences, NJ). Se utilizaron las matrices de Codelink™ Human Whole Genome. Se compone de aproximadamente 55 000 sondas de 30-mer diseñadas para exones conservados a través de las transcripciones de genes específicos. El chip contiene -45000 identificadores únicos de Unigene. Tras la normalización y una transformación de registro, el análisis de datos se realizó utilizando el software OmniViz® (MA) y GENESIFTER (VizX Labs, WA). La transformación de estabilización de varianza, junto con la normalización de la muestra transversal se aplicó a la transformación logarítmica de matriz de conjunto de datos. La variabilidad dentro de cada línea celular y entre las diferentes líneas celulares se comparó utilizando el coeficiente de correlación de Pearson. Para todas las muestras analizadas, el coeficiente de correlación dentro de una línea celular fue mayor en comparación con aquellos entre las líneas. La variación en los perfiles de expresión génica entre los diferentes tipos de células, junto con el coeficiente de correlación entre las líneas se representan en la figura 15. Se evaluaron diferencias significativas en la expresión génica entre los tipos de células mediante análisis de varianza y un ensayo F con con valor ajustado P (corrección de Benjamini y Hochberg) de $< 0,05$. Las Tablas VII A-G enumeran los genes que son expresados diferencialmente al menos 5 veces entre los diversos tipos de células.

35

Ejemplo 11

La diferenciación de las células en las células similares a las intestinales

La línea AF-I, pasaje 14 de Clon A AFCA007, se cultivó a 10.000 células / cm² en AMNTOMAX™. En la confluencia, las células se trataron adicionalmente durante 2 semanas con una dosis diaria de 10 ácido micro molar retinoico (RA) en medios AMINIOMAX™. ARN se recogió en el día 14 y la expresión de las hormonas intestinales (secretina, neurotensina, péptido gástrico inhibitorio (GIP), colecistoquinina, somatostatina y gastrina) se evaluó mediante el uso de PCR en tiempo real como se describe en el Ejemplo 4. RNA intestinal (Ambion) se utilizó para evaluar los niveles relativos de expresión utilizando el método de $\Delta\Delta C_t$. La Tabla VIII muestra los valores C_t y el nivel relativo de expresión de las hormonas intestinales en las muestras tratadas y sin tratar. Como se muestra en la Tabla VIII, la adición de expresión mejorada RA de las hormonas intestinales.

45

Ejemplo 12

50

La diferenciación de las células en múltiples linajes endocrinos

Las células de la línea celular AFCA007 de Clon A (AF-I) en el paso 8 se incluyeron en el colágeno de tipo I (Becton Dickinson, CA) con 1% de matriz de factor de crecimiento reducido Matrigel (Becton Dickinson), y se sembraron en inserto transwell de 6 pocillos a 5x10⁵ células por pocillo. El fondo del pocillo se sembró con células endoteliales aórticas humanas de paso 6 (Cambrex, MD). Las células se cultivaron con medio DMEM suplementado con 5% de FBS y factores de crecimiento, que incluye ciclopamina, bFGF, EGF, BMP4-7, Activina A, Exendina 4, FGF4, ácido retinoico todo-trans y los inhibidores de y-secretasa durante 14 días. Los cultivos se alimentaron cada dos días. Las células tratadas por ácido retinoico todo-trans mostraron la regulación mayor de alfa fetoproteína (AFP). El tratamiento de las células con activina A, BMP4 o el inhibidor de y-secretasa L-685.458 aumentó la regulación la expresión de HNF-3 beta. El tratamiento de células con BMPs a alta concentración, 50 ng/ml, también aumentó la regulación de la expresión GATA4.

60

El tratamiento de las células con FGF4 a 50 ng / ml mostró una regulación mayor de la expresión PDX-1 (Tabla IX).

65

Las células de la línea celular AFCA004 (morfología E) en el paso 6 se sembraron a 5 x 10⁵ células por pocillo de

placas de cultivo de 6 pocillos y se trataron con medio condicionado de células confluentes PANC-1 (ATCC, VA) en combinación con diferentes factores de crecimiento. FGF básico, EGF y la combinación de EGF y bFGF mejoraron la expresión de HNF-3 beta - 100 veces sobre las células no tratadas. FGF básico, EGF y BMP también estimularon la expresión de somatostatina después de 14 días de tratamiento (Figura 16, paneles a&b).

Tomados en conjunto, estos resultados sugieren que las células AF podrían diferenciarse en pancreática, hepática o linaje intestinal mediante el tratamiento de las células con diferentes factores de crecimiento.

Ejemplo 13

La modulación de la expresión de los fabricantes de endodermo mediante la inhibición de la vía de Notch

Las células de la línea celular AFCA007 (AF-I) en el paso 8 se trataron con un intervalo de concentraciones de la muesca inhibidora de la vía L-685.458 (Sigma, MO) durante 3 a 5 días. La citotoxicidad de L-685.458 se determinó midiendo la viabilidad celular mediante un ensayo de MTS (Promega, WI). Se llevó a cabo análisis en tiempo real PCR para analizar la expresión Hes-1 después del tratamiento. Se encontró que el L-685.458 mostró un efecto inhibitor dependiente de la dosis en Hes-1 de expresión, Hes-1 es el objetivo directo de aguas abajo de la vía de Notch (Figura 17, panel a). Sin efecto sobre la viabilidad celular, como se determina por el ensayo de MTS, se observó después del tratamiento de L-685.458 de hasta 10µM durante 5 días (Figura 17, panel b).

Ejemplo 14

Análisis de matriz de anticuerpos de citoquinas para las células AF I y AF II

AFCA007 A (AF-I) y AFCA015 C (AF-II) en el paso 10 se hicieron crecer hasta aproximadamente 70% de confluencia y luego lystsas celulares se recolectaron utilizando kit de lisis celular mamífero (Sigma-Aldrich, MO). El análisis de conjunto de citoquinas se completó utilizando paneles de matriz de citoquinas proporcionadas por RayBiotech, GA (<http://www.raybiotech.com/>). La lista la tabla X de citoquinas, citoquinas y expresión del factor de crecimiento receptor, siguiendo normalización de los datos y la sustracción de fondo. Para cada panel, controles positivos y negativos también se incluyen. Los paneles se realizaron para dos muestras diferentes por tipo de célula.

TABLA I: COMPARACIÓN DE LA CÉLULA DE LA PRESENTE INVENCÓN CON CÉLULAS DERIVADAS DE LÍQUIDO AMNIÓTICO DE LA TÉCNICA.

5

Marcador	Célula 1	Célula 2	Célula 3	Célula 4
CD10				-
CD105	+	+	+	Débil
CD11			-	-
CD117	Débil	-	-	-
CD13		+		
CD29 (Beta 1 integrina)				+
CD31			-	
CD34	Débil	-	-	-
CD44		+	+	+
CD45		-	-	
CD49b (Alfa 2 integrina)		+		
CD49e (Alfa 5 integrina)			+	
CD73			+	+
CD166			+	
CD90	+		+	+
HLA ABC	+	+	+	+
HLA D		-	-	-
Oct-4	+	+		+
SSEA-1	-	-		
SSEA-3	+	+		
SSEA-4	+	+		
Stro-1		-		
Telomerasa	+			
TRA 1-60		+		
TRA 1-81		+		
TRA 1-85				
TRA 2-49				
TRA 2-54		+		

10

15

20

25

30

35

40

45

50

55

60

65

TABLA II. FORMULACIONES DE MEDIOS EMPLEADOS PARA EL CULTIVO DE CÉLULAS DERIVADAS DE LÍQUIDO AMNIÓTICO

Formulación de los medios	
1	DMEM-LG + ITS-X + 1% P / S + 2% de FBS + 25 ng / ml bFGF
2	DMEM avanzado + ITS-X + 1% P / S + 1% FBS + 25 ng / ml bFGF
3	Alfa MEM: MCDB 153 (1:1) + ITS-X + 1% P / S + 1% FBS + 25 ng / ml bFGF
4	Medios de crecimiento de queratinocitos definidos (Gibco, NY)
5	Medios completos AMNIOMAX™ (Gibco, NY)
6	Chang B / C (Irvine Scientific, CA)
7	Chang D (Irvine Scientific, CA)
8	Medios DM-KNOCKOUT™ (Invitrogen, CA), suplementado por 20% KNOCKOUT™ reemplazo de suero suero (Invitrogen, CA), 10 ng / ml bFGF
9	DMEM- glucosa baja, suplementado con 20% de SFB
10	DMEM- glucosa baja, suplementado con 5% de FBS
11	DMEM- glucosa baja / medio MCDB 201 (1:1), complementado con 2% de FBS definido, ITS-X, dexametasona 1nM, ácido ascórbico 2-fosfato 100 mM, EGF 10ng / ml, 10ng / ml de PDGF-bb y 100 mM 2-mercaptoetanol
12	20% de suero de reemplazo KNOCKOUT™ + DMEM 80% KNOCKOUT™, suplementado con 1 mM de L-glutamina, 1% aminoácidos no esenciales y 0,1 mM 2-mercaptoetanol
13	El medio puede ser acondicionado durante la noche, en fibroblastos de embriones humanos o murinos, células estromales derivadas de médula ósea humana o la placenta humana derivada de las células y se completará con 4 ng / ml bFGF
14	DMEM de glucosa alta, suplementado con 20% de SFB definido con 0,1 mM 2-mercaptoetanol
15	Medio E de Williams, 2% de FBS, IX ITS, 55uM βme, IX Glutamax (Gibco), 1% P / S, 10ng / ml EGF, 4 ng / ml bFGF, 4 ng / ml dexametasona
16	1:1 de DMEM-LG / MCDB 201, 2% de FBS, ITS-X, βme 55uM, 100uM ácido ascórbico -2-fosfato, 4 ng / ml bFGF, 10ng / ml EGF, 4ng / ml dexametasona

TABLA III A: LOS ANTICUERPOS A RECEPTORES DE SUPERFICIE.

Anticuerpo	Proveedor	Isotipo	Clon
CD117 (c-kit)	Santa Cruz Biotechnology (CA)	Goat IgG	M-14
CD117 (c-kit)	Santa Cruz Biotechnology (CA)	Mouse IgG1	104D2
CD117 (c-kit)	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1, kappa	YB5.B8
CD24	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1, Kappa	ML5
CD44	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1, Kappa	G44-26
CD45	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1, Kappa	Hi30
CD49f	BD Pharmingen (CA)	Rat IgG1, Kappa	G0H3
CD73	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1, Kappa	AD2
CD10	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1, Kappa	H110a
CD105	Santa Cruz (CA)	Mouse IgG1	P3D1
CD49b (integrina alfa 2)	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1 Kappa	121-H6
Integrina alfa 3	Santa Cruz (CA)	Mouse IgG1	P1B5
Integrina alfa 4 (CD49d)	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1 Kappa	9F10
Integrina alfa 5 (CD49e)	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1 Kappa	IIA1
CD49d (Integrina alfa 6)	BD Pharmingen (CA)	Rat IgG2a	GoH3
CD29 (Integrina beta 1)	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1 Kappa	MAR4
Integrina beta 3	Santa Cruz (CA)	Mouse IgG1	Y2/51
Integrina Alfa V Beta 3 (CD51/61)	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1 Kappa	23C6
SSEA-3	Chemicon (CA)	Mouse IgG1	MC-631
SSEA-4	Chemicon (CA)	Rat IgM	MC-813-70
TRA 1-60	Chemicon (CA)	Mouse IgM	TRA 1-60
TRA 1-81	Chemicon (CA)	Mouse IgM	TRA 1-81
TRA 1-85	Chemicon (CA)	Mouse IgG1	TRA 1-85
TRA 2-54	Chemicon (CA)	Mouse IgG1	TRA 2-54
EGF r	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG2b, Kappa	EGFR1
EpCAM	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1	EBA-1
HLA ABC	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1 Kappa	G46-2,6
HLA DR	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG2b, Kappa	TU36
CD90	BD Pharmingen (CA)	Mouse IgG1, Kappa	5E10

TABLA III B: LISTA DE ANTICUERPOS CONJUGADOS SECUNDARIOS USADOS PARA FACS Y ANALISIS INMUNOTINCIÓN.

	Anticuerpo secundario conjugado	Proveedor	Dilución
5	Anti-ratón (cabra) IgG APC conjugado	Jackson ImmunoResearch (PA)	1:200
	Anti-ratón (cabra) IgG PE conjugado	Jackson ImmunoResearch (PA)	1:200
10	Anti-conejo (burro) IgG PE o APC conjugado	Jackson ImmunoResearch (PA)	1:200
	Anti-cabra (burro) IgG PE o APC conjugado	Jackson ImmunoResearch (PA)	1:200
	Anti-ratón (cabra) IgM PE	SouthernBiotech (AL)	1:200
	Anti-rata (cabra) IgM PE	SouthernBiotech (AL)	1:200
15	Anti-ratón (cabra) IgG3 PE	SouthernBiotech (AL)	1:200

TABLA III C: LISTA DE ANTICUERPOS PRIMARIOS USADOS PARA ANALISIS INMUNOTINCIÓN.

	Anticuerpo	Proveedor	Dilución
20	Beta tubulina III	Sistemas I & D	1:100
	C-Kit	Santa Cruz Biotechnology (CA)	1:100
25	Citoqueratina 18	Sigma (MO)	1:100
	Citoqueratina 8	Sigma (MO)	1:100
	Citoqueratina-7	Santa Cruz Biotechnology (CA)	1:100
	Citoqueratina 19	Sigma (MO)	1:100
30	E-cadherina	BD Transduction Laboratories (CA)	1:100
	FOXA1	Chemicon International (CA)	1:100
	GATA-6	Sistemas I & D (MN)	1:100
	HES-1	Chemicon International (CA)	1:100
	HES-2	Chemicon International (CA)	1:100
35	Alfa HNF-1	BD Transduction Laboratories (CA)	1:100
	Beta HNF-1	BD Transduction Laboratories (CA)	1:100
40	Musashi-1	Chemicon International (CA)	1:100
	Nestina	Sistemas I & D	1:100
	Pan-citoqueratina (CK, 4, 5, 6, 10, 13 y 18)	Santa Cruz Biotechnology (CA)	1:100
	SOX-17	Sistemas I & D	1:100
45	SSEA-4	Santa Cruz Biotechnology (CA)	1:100
	TRA 1-81	Santa Cruz Biotechnology (CA)	1:100
	Vimentina	Santa Cruz Biotechnology (CA)	1:100
	ZO-1	BD Transduction Laboratories (CA)	1:100

50

55

60

65

TABLA IV A: LOS RECEPTORES CELULARES DE SUPERFICIE EN FIBROBLASTOS, FLUIDO AMNIÓTICO Y LAS CÉLULAS EPITELIALES DERIVADAS DE FLUIDO ANMNIÓTICO Y CULTIVADAS BAJO CONDICIONES DE HIPOXIA

	Células de fibroblastos (F)	Células de líquido amniótico (AF-I)	Células de líquido amniótico (AF-II)	Células de líquido amniótico (AF-III)	Células Epiteliales (E)
Integrina 3 alfa	+	+	+	+	+
Integrina 1 beta	+	+	+	+	+
Integrina 3 beta	-	+	Débil	Débil	+
Alfa V Beta 3 (CD51/61)	-	+	Débil	Débil	+
C-Met		+	+	+	
CD24	Débil	+	Débil	Débil	+
CD10	+	Débil	-	-	-
CD105	+	Débil	+	+	-
CD117	-	-	-	-	-
CD13	+	Débil	+	+	-
CD44	+	+	+	+	+
CD73	+	+	+	+	+
CD90	+	+	+	+	+
EpCAM	-	+	-	-	+
HLA ABC	+	+	+	+	+
HLA II-DR	-	-	-	-	-
TRA2-49	-	-	-	-	-
SSEA-4	+	+	+	+	+
SSEA-3	-	+	-	-	+
TRA1-60	-	+	-	-	+
TRA1-81	-	+	-	-	+

TABLA IV B: PROTEÍNAS INTRACELULARES DE VARIOS AMNIÓTICA

Marcador	Células de fibroblastos (F)	Células de líquido amniótico (AF-I)	Células de líquido amniótico (AF-II)	Células de líquido amniótico (AF-III)	Células Epiteliales (E)
CK-19	-	+	-	-	+
Vimentina	+	+	+	+	+
Actina de músculo liso	Débil	Débil	Débil	Débil	+
Tubulina beta III	+	+	+	+	+
Citoqueratina de bandeja	-	+	+	-	+
Citoqueratina 7	-	+			
Citoqueratina 8	-	+			
Citoqueratina 18	-	+			
Nestina	-	+	+	+	Débil

TABLA IV C: RECEPTORES CELULARES DE SUPERFICIE EN CÉLULAS DE LÍQUIDO AMNIÓTICO DERIVADAS DE LÍQUIDO AMNIÓTICO DE PLAZO Y CULTIVADAS BAJO CONDICIONES HIPÓXICAS

	Células del líquido amniótico (AF-I)
Integrina Alfa 3	+
Integrina Beta 1	+
Integrina Beta 3	+
Alfa V Beta 3 (CD51/61)	+
CD10	Débil
CD105	Débil
CD117	-
CD13	Débil
CD44	+
CD73	+
CD90	+
EpCAM	+
HLA ABC	+
HLA II-DR	-
SSEA-4	+
TRA 1-60	+
TRA 1-81	+

TABLA V: ANÁLISIS PCR DE LAS CÉLULAS DERIVADAS DEL LÍQUIDO AMNIÓTICO DE LA PRESENTE INVENCION

a. Marcadores de pluripotencia

Marcadores	Células de fibroblasto	Células epiteliales	Células AF-I	Células AF-II	Células AF-III	Ntera-1
Oct3/4	-	-	-	-	-	+
Sox-2	-	-	-	-	-	+
Rex-1	-	+	+/-			+
hTERT	-	+/-	-	-	-	+

b. Marcadores endocrinos

Marcadores celulares	Células de fibroblastos	Células epiteliales	Células AF-I	Células AF-II	Células AF-III
Sox 17	Débil	+	+	-	-
GATA-6	-	+	+	+	+
GATA-4	Débil		Débil	-	-
HNF 1 Beta	-	+	+	+	-
HNF3 beta	-	+	Débil	-	-
Pdx-1	-	-	-	-	-
NGN-3	-	-	-	-	-
Musashi-1	+	+	+		
HES-1	+	+	+	+	+
NeuroD1	-	-	-	-	-
Pax 4	-	-	-		
Pax6	+	+	+	-	-
Secretina	-	-	-	-	-
Péptido inhibitorio gástrico (GIP)	+	+	+	-	-
Glucagón	-	-	-	-	-
Somatostatina	+	+	+	-	-
Colecistoquinina	-	-	-	-	-
Gastrina	-	-	-	-	-
Insulina		-	Débil	-	-
Nestina	+	+	+	+	+

* Débil: Valores CT de 35-38 ciclos
 +: Valores CT <35 ciclos

TABLA VI: PRESENCIA DE TODAS LAS MORFOLOGÍAS AF, E Y F EN VARIAS EDADES GESTACIONALES DE MUESTRAS DE FLUIDO DE SEGUNDO TRIMESTRE AMNIÓTICO.

Designación AF	Edad de gestación	Presencia de morfología similar a AF	Presencia de morfología similar a E	Presencia de morfología similar a F
AFCA001	17 sem	+	+	+
AFCA002	18 sem	+	+	-
AFCA004	18 sem	+	+	-
AFCA008	18 sem	+	+	-
AFDX001	19 sem	+	+	-
AFDX021	20 sem	+	+	+
AFDX022	20 sem	+	+	+
AFCA007	19 sem	+	+	+
AFCA009	18 sem	+	+	-
AFCA010	18 sem	+	+	-
AFCA011	19 sem	+	+	-
AFCA017	16 sem	+	+	-
AFPN003	20 sem	+	+	-
AFPN004	20 sem	+	+	-
AFND001	41 sem	+	+	-

5

10

15

20

25

30

35

40

45

50

55

60

65

TABLA VII A: GENES QUE SE EXPRESABAN DIFERENCIALMENTE AL MENOS 5 VECES EN FIBROBLASTOS VERSUS CÉLULAS AF-I

5	Identificador de gen	Nombre de gen	Cambio de pliegue medio en células de fibroblasto versus AF	Dirección	P-valor adj.
10	NM_002421	Matriz metaloproteínasa 1 de Homo sapiens (intersticial colagenasa) (MMP 1), mRNA	434.28	UP	1.09E-03
	NM_144594	Hipotética proteína FLJ32942 (FLJ 32942) de Homo sapiens, mRNA	207.74	UP	2.52E-03
	NM_020927	Proteína KIAA1576 (KIAA1576) de Homo sapiens, mRNA	200.11	UP	5.06E-04
15	NM_001451	Caja forkhead F1 de Homo sapiens (FoxO1), ARNm	183.69	UP	1.52E-03
	AK021543	ADNc de Homo sapiens FLJ11481 fis, clon HEMBA1001803	131.1	UP	3.11E-03
20	NM_007036	Molécula específica de células endoteliales 1 de Homo sapiens (ESM1), mRNA	120.15	UP	2.07E-03
	NM_002448	Misma secuencia msh homólogo 1 de Homo sapiens (Drosophila) (MSX1), mRNA	112.45	UP	7.69E-04
	NM_152270	Hipotética proteína de Homo sapiens FLJ34922 (FLJ 34922), mRNA	109.54	UP	1.63E-03
25	NM_000474	Giro homólogo 1 de Homo sapiens (Acrocefalosindactilia 3; El síndrome Saethre-Chotzen) (Drosophila) (TWIST1), ARNm	102.84	UP	1.72E-03
	AK122739	Fis FLJ16260 ADNc de homo sapiens, clon IMR322006947, altamente similar a mRNA Rattus norvegicus para proteína dHand	98.04	UP	4.82E-03
30	AV702977	ADBCVD08 5 clon ADNc de homo sapiens AV702977, secuencia mRNA	93.67	UP	2.91 E-03
	AK026784	ADNc homo sapiens: fas FLJ23131, clon LNG08502	87.77	UP	1.52E-03
35	NM_000710	B1 Receptor bradiquinina de homo sapiens (BDKRB1), mRNA	86.86	UP	4.77E-03
	NM_000609	Quemoquina de homo sapiens (motivo C-X-C) ligando 12 (factor 1 estromal derivado de células)	77.16	UP	2.97E-03
40	NM_030781	Subfamilia de miembro 12 de colectina de homo sapiens (COLEC12), variante II de transcripción, mRNA	64.54	UP	8.99E-05
	NM_032638	Proteína vinculadora 2 de GATA de homo sapiens (GATA2), mRNA	63.54	UP	3.35E-03
	NM_000362	Inhibidor de tejidos de metaloproteínasa 3 de homo sapiens (distrofia Sorsby fundus, pseudoinflamatorio) (TIMP3), mRNA	61.32	UP	5.06E-03
45	NM_198148	Carboxipeptidasa X de homo sapiens (familia M14), miembro 2 (CPXM2), mRNA	57.01	UP	4.00E-03
	AL831863	mRNA de homo sapiens; ADNc DKFZp761J2017 (de DKFZp761J2017 clon)	55.07	UP	7.57E-03
50	NM_002091	Péptido de liberación de gastrina de homo sapiens	53.77	UP	9.01E-03
	NM_020404	CD164 similar a sialomucina 1 de homo sapiens (CD164L1), mRNA	51.44	UP	2.22E-04
	NM_014178	Proteína 6 de vinculación de syntaxina de homo sapiens	47.27	UP	7.17E-03
55	NM_205855	HWKM1940 (UNQ1940) de homo sapiens, mRNA	42.6	UP	2.31E-03
	BX089019	BX089019 Soares_testis_NHT ADNc de clon de homo sapiens IMAGp998K243513; IMAGE:1391375, secuencia mRNA	42.17	UP	8.50E-03
60	AI124557	Corteza frontal de Johnston am58g02.x1 de clon ADNc de homo sapiens IMAGE:1539794 3, secuencia mRNA	37.2	UP	8.24E-03
	NM_139211	Proteína de homodominio único de homo sapiens (HOP), variante de transcripción 2, mRNA	34.14	UP	1.45E-04
	NM_002593	Potenciador C-endopeptidasa de procolágeno de homo sapiens (PCOLCE), mRNA	30.85	UP	2.64E-03
65					

ES 2 569 421 T3

5	BQ020357	UI-H-ED0-axk-p-07-0-UI.s1 NCI_CGAP_ED0 de clon de ADNc de homo sapiens IMAGE:5830134 3, secuencia mRNA	30.74 UP	5.91E-03
	CA843592	ir49c12.x1 HR85 islote de clon ADNc de homo sapiens IMAGE:6548544 3, secuencia mRNA	29.57 UP	6.22E-05
	NM_002852	Gen relacionado con pentaxina de homo sapiens, inducido rápidamente por IL-1 beta (PTX3), mRNA	29.35 UP	3.55E-03
10	NM_000089	Colágeno de homo sapiens, tipo 1, alfa 2 (COL1A2), mRNA	28.94 UP	4.61E-04
	CD677332	ho15f06.y1 malla trabecular humana ADNc: hohphq clon ADNc de hoo sapiens ho15f06 5, secuencia mRNA	28.67 UP	1.15E-04
15	BC030692	ELAV de homo sapiens (visión embrionario, letal, abnormal, Drosophila)-2 (Hu antígeno B), mRNA (clon ADNc MGC:26319 IMAGE:4826082), cds completo	28.22 UP	7.64E-03
	AK021543	ADNc FLJ11481 fis de homo sapiens, clon HEMBA1001803	27.4 UP	1.70E-02
	AI962169	Clon ADNc de homo sapiens wq45c10.x1 NCI_CGAP_GC6 IMAGE:2474226 3, secuencia mRNA	27.1 UP	8.11E-03
20	NM_000685	Receptor de angiotensina II de homo sapiens, tipo 1 (AGTR1), variante 1 de transcripción, mRNA	26.59 UP	4.86E-03
	AI422199	Clon ADNc de homo sapiens tf58d04.x1 NCI_CGAP_Brn23 IMAGE:2103463 3, secuencia mRNA	26.11 UP	1.04E-02
25	NM_0010022 95	Proteína vinculadora 3 GATA de homo sapiens, variante de transcripción 1, mRNA	24.62 UP	3.24E-03
	NM_000396	Catepsina K de homo sapiens (picnodisostosis) (CTSK), mRNA	24.58 UP	4.37E-05
30	NM_001442	Proteína 4 vinculadora de ácido graso de homo sapiens, adipocito (FABP4), mRNA	24.37 UP	8.07E-03
	NM_004460	Proteína de activación de fibroblasto de homo sapiens, alfa (FAP), mRNA	24.15 UP	1.93E-04
	AB067499	mRNA de homo sapiens para proteína KIAA1912, cds parcial	23.83 UP	2.51E-03
35	NM_032777	Receptor 124 acoplado con proteína G de homo sapiens (GPR124), mRNA	22.29 UP	3.83E-03
	U83115	Proteína similar a cristalina beta gamma no lenticular humana (AIM1) mRNA, cds parcial	21.93 UP	5.28E-04
40	AY335938	Proteína de homodominio IRXA1 de homo sapiens (IRX1) mRNA, cds completo	21.54 UP	2.02E-02
	NM_006350	Follistatina de homo sapiens (FST), variante de transcripción FST317, mRNA	21.53 UP	2.20E-03
	W38393	Clon ADNc de homo sapiens soares_fetal_Lung_NbHL19W IMAGE:302124 5, secuencia mRNA	21.16 UP	21.16 UP
45	NM_021637	Proteína 35 de transmembrana de homo sapiens (TMEM35), mRNA	20.78 UP	3.74E-04
	AK091731	FLJ34412 fis ADNc de homo sapiens, clon HEART2002432	20.71 UP	1.19E-02
50	NM_032883	Marco de lectura 100 abierto de cromosoma 20 de homo sapiens (C20orf100), mRNA	20.29 UP	2.33E-04
	NM_005110	Transaminasa de glutamina-fructosa-6-fosfato 2 de homo sapiens (GFPT2), mRNA	19.69 UP	9.13E-05
	NM_024633	Marco de lectura 14 abierto de cromosoma de homo sapiens 139 (C14orf139), mRNA	19.44 UP	1,05E-02
55	NM_004811	Leupaxina de homo sapiens (LPXN), mRNA	18,74 UP	1,74E-05
	NM_153183	Nudix de homo sapiens (fracción vinculada a nucleosida difosfato X)-motivo tipo 10 (NUDT10), mRNA	18,51 UP	9,88E-03
60	NM_014459	Protocaderina de homo sapiens 17 (PCDH17), mRNA	18,39 UP	1,39E-03
	BX115659	BX115659 Soares_total_fetus_Nb2HF8_9w de clon ADNc de homo sapiens IMAGp998C204119: IMAGE:1623883, secuencia mRNA	18,15 UP	4,07E-04
65	NM_018013	Proteína FLJ10159 hipotética de homo sapiens (FLJ10159), mRNA	17,64 UP	1,54E-02

ES 2 569 421 T3

	BX112628	BX112628 Soares_fetal_lung_NbHL19W de clon ADNc de homo sapiens IMAGp998A09669; IMAGE:299024, secuencia mRNA	16,09 UP	2,35E-02
5	NM_016428	Familia de genes ABI de homo sapiens, miembro 3 (ABI3), mRNA	16,07 UP	1,15E-02
	NM_012449	Antígeno epitelial del próstata de seis transmembrana de homo sapiens (STEAP), mRNA	16,07 UP	1,49E-04
10	NM_006350	Follistatina (FST) de homo sapiens, variante de transcripción FST317, mRNA	15,98 UP	6,30E-05
	AF052115	Clon 23688 de homo sapiens, secuencia mRNA	15,92 UP	1,56E-02
	NM_004787	Homólogo de abertura 2 de homo sapiens (drosophila) (SLIT2), mRNA	15,9 UP	4,75E-04
15	AK091336	FLJ34017 fis ADNc de homo sapiens, clon FCBBF2002626	15,59 UP	2,68E-02
	NM_006329	Fibulina 5 de homo sapiens (FBLN5), mRNA	15,59 UP	7,87E-03
20	NM_000963	Sintasa 2 de prostaglandina-endoperoxida de homo sapiens (sintasa y ciclooxygenasa de prostaglandina G/H)(PTGS2), mRNA	15,57 UP	8,59E-04
	NM_001146	Angiopietina 1 de homo sapiens 1 (ANGPT1), variante de transcripción 1, mRNA	14,89 UP	9,40E-04
25	NM_018431	Proteína de acoplamiento 5 de homo sapiens (DOK5), variante de transcripción 1, mRNA	14,56 UP	8,69E-03
	NM_017577	Proteína hipotética de homo sapiens DKFZp434C0328 (DKFZp434C0328), mRNA	14,47 UP	4,20E-03
	H85497	yv88b07.r1 Soares melanocita 2NbHM clon ADNc de homo sapiens IMAGE:249781 5, secuencia mRNA	13,8 UP	1,13E-04
30	NM_001147	Angiopietina 2 de homo sapiens (ANGPT2), mRNA	13,76 UP	2,64E-02
	NM_000090	Colágeno de homo sapiens, tipo III, alfa 1 (síndrome tipo IV Ehlers-Danlos, dominante autosomal) (COL3A1), mRNA	13,63 UP	1,65E-02
35	NM_007289	Metalloendopeptidasa de membrana de homo sapiens (endopeptidasa neutra, encefalinasa, CALLA, CD10) (MME), variante de transcripción 2b, mRNA	13,35 UP	1,86E-02
	NM_016229	Citocroma b5 de reductasa b5R,2 de homo sapiens (CYB5R2), variante de transcripción 1, mRNA	13,35 UP	9,80E-03
40	NM_000810	A Receptor de ácido gamma-aminobutírico de homo sapiens (GABA), alfa 5 (GABRA5), mRNA	13,07 UP	2,71E-02
	NM_002518	Proteína de dominio PAS neuronal 2 de homo sapiens (NPAS2), mRNA	12,99 UP	1,04E-02
45	AK093256	ADNc FLJ35937 fis de homo sapiens, clon TESTI2011480	12,93 UP	2,09E-03
	NM_005127	Lectina de tipo C de homo sapiens (calcio dependiente, dominio de reconocimiento de carbohidrato), miembro de superfamilia 2 (inducido de activación)(CLECSF2), mRNA	12,82 UP	2,71E-02
50	NM_006209	Pirofosfatasa/fosfodiesteras de ectonucleotida 2 de homo sapiens (autotaxina)(ENPP2), mRNA	12,62 UP	2,60E-02
	W03013	za02c04.r1 Clon de ADNc Soares melanocito 2NbHM de homo sapiens IMAGE:291366 5 similar a contiene THR.t3 THR elemento repetitivo;, secuencia mRNA	12,43 UP	7,69E-04
55	AF131813	Clon de homo sapiens 24970 de secuencia de mRNA	12,17 UP	2,57E-02
	BQ025821	UI-1-BB1p-aye-f-10-0-UI.s1 NCI_CGAP_PI6 clon ADNc de homo sapiens UI-1-BB1p-aye-f-10-0-UI 3, secuencia mRNA	12,15 UP	1,30E-02
60	AW445209	UI-H-BI3-akc-g-11-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub5 clon ADNc de homo sapiens IMAGE:2733908 3, secuencia mRNA	12,09 UP	8,91E-04
	NM_033292	Caspasa 1 de homo sapiens, proteasa de cisteina relacionada de apoptosis (interleucina 1, beta, convertasa)(CASP1), variante de transcripción alfa, mRNA	11,63 UP	2,67E-02
65	NM_170744	Homólogo B unc-5 de homo sapiens B (C, elegans)(UNC5B), mRNA	11,62 UP	3,68E-02

ES 2 569 421 T3

	NM_012204	Factor general de transcripción IIC de homo sapiens, polipéptido 4, 90kDa (GTF3C4), mRNA	11,59 UP	3,11E-02
5	NM_002531	Receptor de neurotensina 1 de homo sapiens (afinidad alta)(NTSR1), mRNA	11,33 UP	2,65E-02
	BG118019	602351269F1 NIH_MGC_90 clon ADNc de homo sapiens IMAGE:4446065 5, Secuencia mRNA	11,16 UP	8,51E-05
	NM_014802	Producto de gen (KIAA0528) de homo sapiens KIAA0528, mRNA	11,05 UP	2,84E-02
10	BX647541	mRNA de homo sapiens; ADNc DKFZp686P0492 (de clon DKFZp686P0492)	10,9 UP	1,65E-03
	NM_020809	Proteína activante de Rho GTPasa 20 de homo sapiens (ARHGAP20), MRNA	10,85 UP	2,74E-02
15	NM_016307	Homeobox relacionado de pareja 2 de homo sapiens (PRRX2), mRNA	10,85 UP	7,71E-05
	NM_057179	Homólogo de giro 2 de homo sapiens (PRRX2), mRNA	10,83 UP	7,22E-05
	AK128325	ADNc FLJ46467 fis de homo sapiens, clon THYMU3022668	10,82 UP	1,20E-02
20	BE866150	601679068F1 NIH_MGC_53 clon ADNc de homo sapiens IMAGE:3961768 5, secuencia mRNA	10,74 UP	2,16E-02
	BX109483	BX109483 NCI_CGAP_Ov23 clon ADNc de homo sapiens IMAGp998C165481; IMAGE:E2216391, secuencia mRNA	10,72 UP	2,65E-02
25	C02345	HUMGS0007544 adulto humano (K.Okubo) ADNc de Homo sapiens, secuencia ARNm	10,64 UP	2,15E-03
	NM_002961	Proteína de unión de calcio de homo sapiens (proteína de calcio, calvasculin, metastasin, murino homólogo de la placenta) (S100A4), variante de transcripción 1, ARNm	10,61 UP	1,87E-04
30	NM_031908	Proteína relacionada con el factor de necrosis tumoral Clq de homo sapiens 2 (C1QTNF2), ARNm	10,13 UP	3,04E-02
	NM_013387	Complejo c reductasa ubiquinol citocromo-(7,2 kDa) (HSPCO51) de homo sapiens, transcripción variante 1, ARNm	9,95 UP	4,17E-04
35	BC039369	Homo sapiens, clon Image: 527i 073, ARNm, cds parcial	9,76 UP	4,82E-03
	BQ934941	AGENCOURT_881 0373 NIH_MGC 101 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN: 6429485 5, secuencia de mARN	9,53 UP	2,21 E-02
	NM_006670	Homo sapiens troptioblast glicoproteína (TPBG), ARNm	9,37 UP	2,37E-04
40	BC046364	Homo sapiens flavoproteínas MICAL3 oxidorreductasa, ARNm (ADNc hecho IMAGEN: 5737i21), con el intrón retenido aparente	9,09 UP	2,55E-02
	NM_024600	Homo sapiens cromosoma 16 9,09 abierta UP 4.32E-02 marco de lectura 30 (Cl6orf30), mRNA	9,09 UP	4,32E-02
45	AK023647	ADNc Homo sapiens FLJ1 3585 fis, 8,81 UP 2.25E-03 clon Place1 009150	8,81 UP	2,25E-03
50	NM-017805	Homo sapiens Ras interactuar 8,78 UP 2.38E-03 proteína 1 (RASIP1), mRNA	8,78 UP	2,38E-03
	NM_152399	Homo sapiens hipotética proteína 8,73 UP 2.18E-02 FLJ30834 (FLJ30834), mRNA	8,73 UP	2,18E-02
55	NM_002851	Homo sapiens proteína tirosina 8,61 UP 5.08E-02fosfatasa, de tipo receptor, Zpolipéptido 1 (PTPRZ1), mRNA	8,61 UP	5,08E-02
60	NM_020226	Homo sapiens PR dominio UP 8.48 1.49E-04 que contiene 8 (PRDM8), mRNA	8,51 UP	6,29E-03

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_012307	Homo sapiens eritrocitos 8,41 UP 7.37E-03 banda de proteína de membrana de 4,1-como 3 (EPB41L3), mRNA	8,48 UP	1,49E-04
10	NM_002203	Homo sapiens integrina alfa 2 8.3 UP 8.37E-05 (CD49B, alfa 2 de la subunidad de VLA-2 receptor) (ITGA2), mRNA	8,41 UP	7,37E-03
15	NM_203370	Homo sapiens similar a RIKEN 8,27 UP 8,21 E-05 cDNA 6530418L21 (LOC3891 19), ARNm	8,3 UP	8,37E-05
20	NM_015192	Homo sapiens fosfolipasa C, 8,26 UP 2.64E-03 beta 1 (-phosphoinositide específico) (Plcb1), variante de transcripción 1, ARNm	8,27 UP	8,21E-05
25	AK056725	ADNc Homo sapiens FLJ321 63 fis, 822 UP 1.68E-04 PLACE6000371 clon	8,26 UP	2,64E-03
30	NM_005328	Homo sapiens hialuronano sintasa 8.2 UP 4.39E-02 2 (HAS2), mRNA	8,22 UP	1,68E-04
35	NM_012294	Homo sapiens Rap guanina factor de intercambio de nucleótidos (GEF) 5 (RAPGEF5), mRNA	8,2 UP	4,39E-02
40	AA_187037	zp58e04.rl Stratagene endotelial ADNc de células sapiens Homo 937223 IMAGEN clon-0.624414 5, ARNm secuencia	8,08 UP	4.94E-02
45	NM_001463	Homo sapiens rizado relacionada proteína (FRZB), mRNA	7,95 UP	1.09E-02
50	BM468332	Agencourt 6432296 NIH_MGC71 ADNc Homo sapiens IMAGEN clon-.5535773 5, ARNm secuencia	7,94 UP	7.42E-05
55	AK096661	ADNc Homo sapiens FLJ39342 fis, clon 0CBBF2018873	7,82 UP	2.30E-03
60	NM_001849	Homo sapiens colágeno, tipo VI, alfa 2 (COL6A2), variante de transcripción 2C2, mRNA	7,67 UP	1.10E-04
65	BCO71787	Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 4610527, cds parcial	7,59 UP	1.14E-04
	NM-012105	Homo sapiens sitio beta APP enzima de escisión de 2 (BACE2), transcripción variante a, ARNm	7,58 UP	2.00E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_014217	Homo sapiens canal de potasio, subfamilia K, miembro 2 (KCNK2), ARNm	7,58 UP	4,61 E-02
10	N28431	yx35c03.rl Soares melanocito clon de ADNc Homo sapiens 2NbHM IMAGEN-0.263716 5 similar a SP: PIR: colágeno S32603 S32603 alfa 1(VI) cadena - ratón,; secuencia ARNm	7,47 UP	1.75E-02
15	NM_012445	Homo sapiens espondina 2, proteína de la matriz extracelular (SPON2), ARNm	7.22 UP	4.03E-02
20	NM_000304	Homo sapiens mielina periférica proteína 22 (PMP22), transcripción variante 1, ARNm	7.02 UP	4.58E-02
25	NM_004791	Homo sapiens integrina, como el beta-1 (Con repetir dominios similares a EGF) (ITGBL1), ARNm	7.02 UP	2.64E-02
30	NM_053044	Homo sapiens serina proteasa HTRA3 (HTRA3), ARNm	6,86 UP	1.13E-03
30	BC028245	Homo sapiens, similar a LOC1 hipotético gen 30797, IMAGEN clon: 5395354, ARNm	6,86 UP	1.28E-02
35	NM_023003	Homo sapiens transmembrana 6 miembro de la superfamilia 1 (TM6SF1), ARNm	6,86 UP	2.12E-03
40	AJ420536	Homo sapiens ARNm de longitud completa inserte cDNA clon Euroimage 994.183	6.79 UP	3.53E-04
45	NM_152996	Homo sapiens sialiltransferasa 7 ((Alfa-N-acetilneuraminil-2,3-beta-galactosil-1, 3) -N-acetil galactosaminida alfa-2,6-sialiltransferasa) C (SIAT7C), ARNm	6.79 UP	4.08E-02
50	NM_005583	Homo sapiens linfoblástica secuencia de la leucemia derivada 1 (LYL1), ARNm	6,77 UP	1.92E-02
55	NM_016270	Homo sapiens Kruppel como factor de 2 6,55 UP 5.02E-02 (Pulmón) (KLF2), ARNm		
60	NM_005397	Homo sapiens Podocalyxin-como 6,53 UP 3.68E-03 (Podxl), ARNm		
60	NM_006182	Homo sapiens dominio discoidina 6,52 UP 8.46E-05 familia de receptores, miembro 2 (DDR2), ARNm		

65

ES 2 569 421 T3

	U79271	Clones humanos 23920 y 23921 6,31 UP 8.59E-05 secuencia de ARNm		
5	BC036034	Homo sapiens endotelial 6.3 UP 3.07E-04 diferenciación, ácido lisofosfatídico receptor, 2 G acoplados a proteínas, transcripción variante 2, ARNm (ADNc clon MGC: 33157 IMAGEN: 5272431), cds completos		
10				
15	NM_152314	Homo sapiens hipotética proteína UP 6.29 2.93E-04 MGC34830 (MGC34830), ARNm		
20	AK095791	ADNc Homo sapiens FLJ38472 fis, 6,27 UP 1.74E-03 clon FEBRA2022148		
25	NM_004840	Homo sapiens RacICdc42 guanina 6,2 UP 1.32E-03 factor de intercambio de nucleótidos (GEE) 6 (ARHGEF6), ARNm		
30	AL833655	Homo sapiens ARNm; ADNc 6.18 UP 3,01 E-02 DKFZp6670032O (a partir del clon DKFZp66700320)		
35	NM_032270	Factor de homo sapiens para el adipocito 6.1 UP 6.22E-05 diferenciación 158 (FADI58), ARNm		
40	NM_021643	Homo sapiens tribbles homólogo 2 (Drosophila) (Trib2), ARNm	5.97 UP	8.59E-05
	AW044647	wy78e09.x1 Soares_NSF_F8_9W_OT_PA P_S1 ADNc de homo sapiens clon IMAGEN: 2554696 3, secuencia de ARNm	5,94 UP	4.09E-02
45	AK125284	ADNc Homo sapiens FLJ43294 fis, 5,85 UP 3.94E-03 clon MESTC1000042		
50	NM_005069	Homo sapiens homólogo 2 de una sola mente (Drosophila) (SIM2), transcripción variante SIM2, ARNm	5,84 UP	8.35E-05
	NM_018836	Homo sapiens transmembrana proteína SCHREW1 (SHREW1), ARNm	5,83 UP	2.71 E-02
	NM_014932	Homo sapiens neuroligina 1 (NLGN1), ARNm	5.83 UP	2.45E-03
55	NM_006307	Homo sapiens proteínas que contiene sushi repetido, vinculada al cromosoma X (SRPX), ARNm	5.77 UP	4.30E-04
60	NM_000210	Homo sapiens integrina alfa 6 (ITGA6), ARNm	5.77 UP	7.49E-05
	BG208475	RST27977 Athersys RAGE BibliotecaADNc Homo sapiens, secuenciaARNm	5.72 UP	1.46E-03
65				

ES 2 569 421 T3

5	N36786	yy34e08.si Soares melanocito 5,67 UP 9.13E-05 clon de ADNc Homo sapiens 2NbHM IMAGEN: 3 a 273i58 similar contenga elemento MSRI elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	5,67 UP	9.13E-05
10	NM_005308	Homo sapiens acoplado a proteína G quinasa del receptor 5 (GRK5), ARNm	5.58 UP	1.35E-02
	AB037722	Homo sapiens mRNA para KIAA1 301 proteínas, cds parcial	5.58 UP	9.18E-04
15	NM_012242	Homo sapiens Dickkopf homofog 1 (Xenopus laevis) (DKK1), ARNm	5,57 UP	1.68E-04
	NM_003068	Homo sapiens caracol homólogo 2 (Drosophila) (SNAI2), ARNm	5.53 UP	7.42E-05
20	NM_080806	Homo sapiens colágeno, tipo XIII, 1 alfa (COL13A1), transcripción variante 10, ARNm	5,52 UP	8.65E-05
	NM_173553	Homo sapiens hipotética proteína FLJ25801 (FLJ25801), mRNA	5.48 UP	1.77E-02
25	A1085016	ow88e06.si Soares_fetal_liver_spleen_1 NFLS Si clon de ADNc Homo sapiens IMAGEN: 1653922 3, secuencia de ARNm	5.45 UP	4.77E-03
30	NM_182728	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 7 (Catiónico transportador de aminoácidos, y + sistema), miembro 8 (SLC7A8), variante 2 transcripción, ARNm	5.34 UP	2.70E-02
35				
	BC035066	Homo sapiens, clon IMAGEN: 5259543, ARNm	5.29 UP	2.24E-02
40	NM_016247	Homo sapiens interfotorreceptora matriz de proteoglicano 2 (IMPG2), ARNm	5.22 UP	2.97E-03
45	NM_001704	Homo sapiens específica del cerebro inhibidor de la angiogénesis 3 (BAI3), ARNm	5.19 UP	1.08E-02
50	NM_005226	Homo sapiens endotelial diferenciación, G esfingolípidos - receptor acoplado a proteína, 3 (EDG3), ARNm	5.18 UP	1.53E-04
	NM_017413	Homo sapiens apelina, AGTRL1 ligando (RSAP), ARNm	5.14 UP	2.48E-02
55	NM_000576	Homo sapiens interleucina 1, beta (IL1B), ARNm	5.1 UP	3.32E-03
	NM_012307	Homo sapiens eritrocitos banda de proteína de membrana de 4,1-como 3 (EPB41L3), ARNm	5,09 UP	4.93E-04
60				
	AL831835	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp547AO515 (a partir del clon DKFZp547AO515)	5,04 UP	4.14E-02
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_000955	Homo sapiens prostaglandina receptor 1 (subtipo [P1], de 42 kDa(PTGER1), ARNm	5,02 UP	E 3.12E-03
5	NM_018658	Homo sapiens potasio la canal de rectificación hacia el interior, subfamilia J, miembro 16 (KCNJ16), transcripción variante 1, el ARNm	334,17 Abajo	8.59E-05
10				
15	NM_007038	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 con motivos, 5 (Agrecanasa-2) (ADAMTS5), ARNm	250.9 de Abajo	3.32E-05
20	BG219729	RST39494 Athersys RAGE Biblioteca ADNc Homo sapiens, secuencia ARNm	182.25 Abajo	6.10E-05
	AB032980	Proteínas ARNm de Homo sapiens para KIAA1 154 , cds parcial	159,9 Abajo	7.49E-05
25	NM_022454	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) -BOX 17 (SOX17), ARNm	151,72 Abajo	3.05E-05
30	AK130281	ADNc Homo sapiens FLJ26771 fis, PRS03189 clon	148.34 Abajo	6.1 OE-05
	NM_003238	Homo sapiens factor de crecimiento transformante, beta 2 (TGFB2), ARNm	139.18 Abajo	7.00E-05
	BU734212	IU-E-CQ1-AGD-e-21-0-UI-E- ULS1 CQ1 AGD-IUE-CQ1-e-21-0-UI clon de ADNc Homo sapiens 3, secuencia de ARNm	135.35 Abajo	7.49E-05
35				
	BM993116	UI-H-DTO-ATY-f-1 7-0-UI.si NCI_CGAP_DTO ADNc Homo sapiens clon IMAGE.-5866000 3, secuencia de ARNm	134,03 Abajo	8.59E-05
40				
	BX648964	Homo sapiens mRNA; 1.19E-04 DKFZp686JO1 56 (a partir del clon DKFZp686JO1 56)	133,35 Abajo	1.19E-04
45	A1765021	wh56c02.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN: 2384738 3, secuencia de ARNm	131.86 Abajo	6.22E-05
50	D29453	HUMNK566 epidérmico humano 128,83 abajo de queratinocitos ADNc Homo sapiens clon 566, secuencia de ARNm	128,83 Abajo	6.30E-05
	NM_002521	Homo sapiens péptido natriurético precursor B (NPPB), ARNm	128,09 Abajo	1.42E-04
55	BX102632	BX102632 NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens cDNA clon IMAGp998J052307; IMAGEN-0.928228, secuencia de ARNm	123.34 Abajo	1.15E-04
60	NM_024508	Homo sapiens dedo de zinc, BED dominio que contiene 2 (ZBED2), m ARN	118,4 Abajo	5.18E-05
	NM_153026	Homo sapiens cosquilleo similar 1 (Drosophila) (PRICKLE1), ARNm	106.78 Abajo	6.10E-05
	NM_006228	Homo sapiens prepronociceptin (PNOC), ARNm	102,73 Abajo	2.87E-04
65	NM_005560	Homo sapiens en laminina alfa 5 (LAMA5), ARNm	99.24 Abajo	7.49E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_023942	Homo sapiens hipotética proteína MGC3036 (MGC3036), mRNA	91,38 Abajo	6.30E-05
	AK096481	ADNc Homo sapiens FLJ39162 fis, clon 0CBBF2002376	85.12 Abajo	7.45E-05
	AI335277	tb29h06.xl NCICGAPKid12 Homo sapiens clon de ADNcIMAGEN: 2055803 3, secuencia de ARNm	84,58 Abajo	6.22E-05
10				
	BF798098	RC1-C10045-021 000-021-f02 CI0045 ADNc Homo sapiens, secuencia ARNm	81,7 Abajo	8.59E-05
15				
	AK023631	ADNc Homo sapiens FLJ1 3569 fis, clon PLACE 1008369	77.57 Abajo	7.00E-05
20	NM_000927	Homo sapiens de unión a ATP casete, subfamilia B (MDR/TAP), 1 miembro (ABCB1), ARNm	77,16 Abajo	2,21 E-04
	BG197054	RST16291 Athersys RAGE Biblioteca ADNc Homo sapiens, secuencia ARNm	76.09 Abajo	1.03E-04
25				
	AK058012	ADNc Homo sapiens FLJ25283 fis, clon STM06716	75,4 Abajo	6.22E-05
30	NM_000104	Homo sapiens P450 citocromo, 1 familia, subfamilia B, polipéptido 1 (CYP1B1), ARNm	70,8 Abajo	6.24E-05
	NM_004617	Homo sapiens transmembrana 4 miembro de la superfamilia 4 (TM4SF4), ARNm	63,32 Abajo	1.39E-04
35				
	NM_000990	Homo sapiens proteína ribosomal L27a (RPL27A), ARNm	62,1 Abajo	5.32E-05
40	NM_002899	Homo sapiens retinol proteína de unión a 1, celular (RBP1), ARNm	62.01 Abajo	2.87E-04
	NM_000582	Homo sapiens secretada fosfoproteína 1 (osteopontina, hueso sialoproteína I, a principios de los linfocitos T activación 1) (SPP1), ARNm	60.53 Abajo	1.18E-04
45				
	NM_002423	Homo sapiens matriz de metaloproteinasas 7 (matrilisina, uterino) (MMP7), ARNm	60.01 Abajo	1.56E-04
50				
	H89053	yw24c06.rl Morton fetal cóclea Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 253162 5, secuencia de ARNm	59,02 Abajo	7.45E-05
55				
	AK090808	ADNc Homo sapiens FLJ33489 fis, BRAMY2003585 clon	58.15 Abajo	7.49E-05
60	NM_001200	Homo sapiens ósea morfogenética proteína 2 (BMP2), RNAm	57.05 Abajo	6.24E-05
	NM_001453	Caja de cabeza de horquilla sapiens Homo Cl (FOXC1), RNAm	56.24 Abajo	6.10E-05

65

ES 2 569 421 T3

5	AK092245	ADNc de homo sapiens FLJ34926 fis, clon NT2RP7003319, muy similares a Mus musculus de neuralin ARNm	56.11 Abajo	2.55E-04
	NM_005329	Homo sapiens hialuronano sintasa 3 (HAS3), variante de transcripción 1, ARNm	55,44 Abajo	7.22E-05
10	A1244954	qj93h05.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo clon de ADNc sapiensIMAGEN: 1867065 3, secuencia de ARNm	54.38 Abajo	6.22E-05
15	NM_003287	Pproteína tumoral de homo sapiens D52- tipo 1 (TPD52L1), variante de transcripción 1, ARNm	53.91 Abajo	7.45E-05
20	BF696790	602125323F1 NIH_MGC 56 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 4282540 5, secuencia de ARNm	49.46 Abajo	1.09E-04
25	NM_001202	Proteína 4 ósea morfogenética de Homo sapiens (BMP4), variante de transcripción 1, el ARNm	47.81 Abajo	8,21 E-05
30	BC042028	Homo sapiens, clon IMAGEN: 4794726, ARNm	47.5 Abajo	7.49E-05
35	AL833276	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp451D088 (a partir del clon DKFZp451D088)	43.28 Abajo	7.28E-05
40	NM_184087	Homo sapiens tripartita motif- que contiene 55 (TRIM55), transcripción variante 4, RNAm	42,9 Abajo	7.42E-05
45	NM_003494	Homo sapiens diserlina, la integridad física cintura hacia muscular, distrofia 2B (autosómico recesivo) (DYSF), RNAm	42,2 Abajo	7,31 E-05
50	NM_024422	Homo sapiens desmocolina 2 (DSC2), transcripción variante Dsc2a, ARNm	41.3 Abajo	1.96E-04
55	AI249696	qj64a03.xl NCI_CGAP_Kid3 clon de ADNc de Homo sapiens IMAGEN-.1864204 3, secuencia de ARNm	41,1 Abajo	1.50E-04
60	AL833166	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp68612118 (a partir del clon DKFZp68612118)	39.95 Abajo	1.89E-04
65	NM_173505	Anquirina de homo sapiens de repetición de dominio 29 (ANKRD29), ARNm	39.16 Abajo	9.13E-05
	NM_130435	Homo sapiens de proteína tirosina fosfatasa, de tipo receptor, E (PTPRE), variante de transcripción 2, ARNm	39.16 Abajo	2.54E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_016356	Homo sapiens dominio doble cortina que contiene 2 (DCDC2), ARNm	38.33 Abajo	2.10E-04
	AF318382	ARNm Homo sapiens pp9974, cds completos	38.03 Abajo	8.59E-05
10	NM_018265	Homo sapiens hipotética proteína FLJ10901 (FLJ1090I), ARNm	37.23 Abajo	1.50E-04
	NM-152487	Proteína hipotética de homo sapiens FLJ31 842 (FLJ31842), ARNm	37 Abajo	1.56E-04
15	AK000075	ADNc Homo sapiens FLJ20068 fis, clonar COL01755	35.55 Abajo	2.21E-04
	NM_012464	Homo sapiens tipo tolloid 1 (TLL1), ARNm	35.05 Abajo	2.09E-03
20	NM_184087	Homo sapiens tripartita motif-que contiene 55 (TRIM55), transcripción variante 4, ARNm	34.38 Abajo	7.49E-05
25	BU680661	UI-CF-DU1-aaz-f-04-0-Tji si UI-CF- DU1 clon ADNc Homo sapiens UI-CF-DU1-aaz-f-04-0-Tjl 3, secuencia ARNm	34.34 Abajo	6.22E-05
30	BF431030	7o18c06.xi NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 3574283 3, secuencia de ARNm	34.25 Abajo	1.86E-04
35	NM_006722	Homo sapiens factor de transcripción asociado de microphthalmia (MITF), variante de transcripción 3, ARNm	34.23 Abajo	6.30E-05
40	NM_152284	Homo sapiens Snf7 homólogo asociado con Alix 3 (Shax3), ARNm	33.99 Abajo	7,71 E-05
	BC037316	Homo sapiens, clon IMAGEN: 5259432, ARNm	33.46 Abajo	2.03E-04
45	NM_002345	Homo sapiens lumican (LUM), ARNm	33.34 Abajo	8.46E-05
	NM_080743	Homo sapiens serina-arginina proteína represora (35 kDa) (SRrp35), ARNm	32.96 Abajo	5.23E-05
50	NM_004221	Homo sapiens células asesinas naturales transcripción 4 (NK4), ARNm	32.74 Abajo	1.45E-04
55	NM_004496	Caja de cabeza de horquilla de homo sapiens A1 (FOXA1), ARNm	32.31 Abajo	2.57E-04
60	AA738254	xl3bO2.sl NCI CGAP GC3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 1255947 3, secuencia de ARNm	32.23 Abajo	6.10E-05
65	BC045828	Homo sapiens proteínas dedo de zinc 608, ARNm (clon de ADNc IMAGEN: 5262896), cds parcial	32.18 Abajo	7.49E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_000599	Homo sapiens crecimiento similar a la insulina proteína de factor de unión 5 (IGFBP5), ARNm	32,18 Abajo	9,81 E-05
10	AF055376	Homo sapiens de forma corta factor de transcripción C-MAF (c-maf) ARNm, cds completos	31,81 Abajo	2,01 E-04
15	NM_015236	Homo sapiens latrophilin 3 (LPHN3), ARNm	31.68 Abajo	9.69E-05
	NM_007069	Homo sapiens HRAS similar a supresor de 3 (HRASLS3), ARNm	31.67 Abajo	7.49E-05
	BG221364	RST41175 Athersys RAGE Biblioteca ADNc Homo sapiens, secuencia ARNm	31.63 Abajo	2.22E-04
20	AI819186	wj32dIO.xl NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2404531 3, secuencia de ARNm	31.49 Abajo	1.80E-04
25	BF512544	UI-H-BW1-amf-c-08-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub7 Homo sapiens cDNA clon IMAGEN: 3069687 3, secuencia de ARNm	30,8 Abajo	7.49E-05
30	NM_020873	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina neuronal 1 (LRRNI), ARNm	30.67 Abajo	2,01 E-04
35	CA425961	UI-H-FE1-beg-p-18-0-UI.s1 NCI_CGAP_FE1 Homo sapiens clon de ADNc IU-H-FE1-beg-p-18-0-UI 3, secuencia de ARNm	30.15 Abajo	1.88E-04
40	AK000776	ADNc Homo sapiens FLJ20769 fis, clon C0L06674	30.11 Abajo	1.15E-04
	NM_001562	Homo sapiens interleucina 18 (Factor de interferón-gamma-inducir) (IL18), ARNm	29.97 Abajo	7.65E-04
45	NM_014333	Homo sapiens immurioglobulin superfamilia, miembro 4 (IGSF4), ARNm	29,77 Abajo	5.82E-04
	NM_030583	Homo sapiens matrilin 2 (MATN2), variante 2 transcripción, el ARNm	29.05 Abajo	8.46E-05
50	W93585	zd95g01.sl Soares fetal heart_NbHH1 9W Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 357264 3, secuencia de ARNm	28.93 Abajo	6.22E-05
55	NM_012198	Homo sapiens grancalcin, EF-mano hacia abajo proteína de unión de calcio (GCA), ARNm	28.84 Abajo	9.13E-05
60	NM_001448	Homo sapiens glicicano 4 (GPC4), ARNm	28,72 Abajo	6.36E-04
	AK056882	ADNc Homo sapiens FLJ32320 fis, clon PROST2003537	28,6 Abajo	4.45E-04
65	AB033048	Homo sapiens m ARN para KIAA1 222 proteínas, cds parcial	28,27 Abajo	2,41 E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_025074	Homo sapiens síndrome de Fraser 1 (ERAS 1), transcripción variante 1 ARNm	28.13 Abajo	8.92E-05
	NM_019000	Homo sapiens hipotética proteína FLJ20152 (FLJ20152), ARNm	27.54 Abajo	1.07E-04
10	BU729783	IU-E-CK1 -afh-h-18-0-UI.s1 UI-E-CK1 ADNc Homo sapiens UI-clon E-CK1-AFH-h-18-0-UI 3, secuencia ARNm	26.13 Abajo	6.30E-05
15	NM_004862	Homo sapiens lipopolisacárida- inducida por factor de TNF (LITAF), ARNm	25.95 Abajo	8.99E-05
20	AB011539	Proteínas de homo sapiens ARNm para MEGF6 (KIAA0815), cds parcial	25.67 Abajo	3.12E-04
	BC043195	ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5288757, cds parcial	25.58 Abajo	2.22E-04
25	NM_152864	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierta 58 (C200rf58), ARNm	25.35 Abajo	3.00E-04
30	AK125608	ADNc Homo sapiens FLJ43620 fis, clon SPLEN2O21 701, altamente similar a HLA de Clase I HISTOCOMPATIBILIDAD antígeno, A-2 CADENA DE PRECURSORES ALFA	25.33 Abajo	2.03E-04
35	AL080103	ARNm de homo sapiens; ADNc DKFZp564N2216 (a partir del clon DKFZp564N2216)	25.17 Abajo	2.03E-04
40	NM_173549	Proteína hipotética Homo sapiens FLJ39553 (FLJ39553), ARNm	24,71 Abajo	1.67E-04
	BG211832	RST31404 Athersys RAGE Biblioteca ADNc Homo sapiens, secuencia ARNm	24.57 Abajo	1.02E-04
45	NM_024726	Homo sapiens motivo CI contiene con dominio AAA (CICA), ARNm	24,08 Abajo	7.49E-05
50	NM_002559	Homo sapiens receptores purinérgicos P2X, canal iónico regulado por ligando, 3 (P2RX3), ARNm	24.04 Abajo	2.63E-04
55	NM_018168	Homo sapiens cromosoma 14 marco de lectura abierto 105 (C14orf105), ARNm	23.69 Abajo	1.50E-04
60	NM_000599	Homo sapiens crecimiento similar a la insulina proteína de factor de unión 5 (IGFBP5), ARNm	23,5 Abajo	4.02E-04
65	NM_003551	Homo sapiens células no metastásicas 5, la proteína expresada en (nucleósidos difosfato quinasa) (NM E5), ARNm	23.23 Abajo	1,41 E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_032471	Homo sapiens proteína quinasa (Catalítica dependiente de cAMP) inhibidor beta (PKIB), variante de transcripción 3, ARNm	22.83 Abajo	1.54E-04
10	NM_005949	Homo sapiens metalotioneína 1F (Funcional) (MT1 F), ARNm	22,22 Abajo	8,81 E-05
	NM_018242	Proteína hipotética de homo sapiens FLJ10847 (FLJ10847), ARNm	22,1 Abajo	2.03E-04
15	AW151660	xf67d04.xl NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens clon de ADNclIMAGEN: 2623111 3, secuencia de ARNm	21.81 Abajo	2,71E-04
20	AK096975	ADNc Homo sapiens FLJ39656 fis clon SM1NT2005956	21.78 Abajo	2.52E-04
	CA306881	UI-H-FT1-bht-n-22-0-UI.sl NCI_CGAP_FT1 Homo sapiens clon de ADNc IU-H-FT1-BHT-n-22-0-UI 3, secuencia de ARNm	21.69 Abajo	1.30E-04
25	NM_016212	Proteína Homo sapiens TP53TG3 (TP53TG3), ARNm	21.67 Abajo	9.03E-05
30	NM_178470	Homo sapiens WD dominio de repetición 40B (WDR4OB), ARNm	21,63 Abajo	7.59E-05
	NM_014243	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con el tipo de trombospondina 1 motivo, 3 (ADAMTS3), ARNm	21,47 Abajo	8.24E-05
35	AK126467	ADNc Homo sapiens FLJ44503 fis, clon UTERU3001158	21.42 Abajo	6.22E-05
40	AW248516	2820632.3prime NIH_MGC_7 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN: 2820632 3, secuencia de ARNm	21.37 Abajo	1.23E-04
45	NM_001263	Homo sapiens sintasa de CDP-diacilglicerol (fosfatidato citidililtransferasa) 1 (CDS1), ARNm	21.12 Abajo	1.10E-04
50	BM669002	IU-E-CK1-afn-m-04-0-UI.s2 IU-E-CK1 ADNc clon homo sapiens UI-E-CK1-AFN-m-04-0-UI 3, secuencia de ARNm	20,96 Abajo	7.28E-05
55	NM_000170	Homo sapiens glicina deshidrogenasa (descarboxilación; descarboxilasa glicina, la escisión de glicina proteína del sistema P) (GLDC), ARNm	20,78 Abajo	1.19E-04
60	NM_014585	Homo sapiens familia de soluto transportista 40 (transportador regulado por hierro), 1 miembro (SLC4OA1), ARNm	20.73 Abajo	8.46E-05
65	NM_031426	Homo sapiens cromosoma 9 marco de lectura abierto 58 (C9orf58), variante transcripción 1, ARNm	20.62 Abajo	2.00E-04
	BM728728	IU-E-E01-AIV-c-02-0-UI.rl UI-E-E01 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-	20,59 Abajo	1.14E-04

ES 2 569 421 T3

	NM_152369	Proteína hipotética de homo sapiens MGC45474 (MGC45474), ARNm	20,57 Abajo	9.78E-05
5	NM-1175056	Proteína hipotética de homo sapiens LOC131 368 (LOC1 31368), ARNm	20,51 Abajo	5.42E-04
	NM_004524	Homo sapiens larvas gigante letal homólogo 2 (Drosophila) (LLGL2), ARNm	20,3 Abajo	7.45E-05
10	AI436290	th8IcOI.xl SoaresNhHMPuSI Homo sapiens clon de ADNciIMAGEN: 2125056 3, secuencia de ARNm	19.93 Abajo	1.23E-04
15	AW268540	xv5IeIO.xl NCICGAP_Lu28 Homo clon de ADNc sapiens IMAGEN: 2816682 3, secuencia de ARNm	19.89 Abajo	1.09E-04
20	BC015159	Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3885734, cds parcial	19.47 Abajo	7.49E-05
25	NM_020130	Homo sapiens cromosoma 8 marco de lectura abierto 4 (C8orf4), ARNm	19,43 Abajo	2.83E-04
	BM979825	UI-CF-DU1-adt-f-12-0-UL.sl IU-CF-DU1 ADNc Homo sapiens clon UI-CF-DU1-ADT-f-1 2-0 3-UI, secuencia ARNm	19.41 Abajo	1,01 E-04
30	BM712072	UI-E-DW1-ahc-b-11-0- UI.rl IU-E-DW1 ADNc Homo sapiens UI- clon-E-DW1-AHC-b-1 I-O-UI 5, secuencia ARNm	19.33 Abajo	1.19E-04
35	CB135276	K-EST0187371 L5HLK1 Homo sapiens cDNA clon L5HLK1-32-B12 5, secuencia de ARNm	18.98 Abajo	8.97E-05
40	T53523	ya89h12.ri placenta Stratagene (# 937225) ADNc Homo sapiens IMAGEN clon: 68903 5, secuencia ARNm	18.87 Abajo	1.96E-04
45	NM_138432	Homo sapiens serina deshidratasa (SDSL), ARNm	18.84 Abajo	1.32E-04
50	NM_023915	Homo sapiens acoplados a proteínas G receptor 87 (GPR87), mRNA	18.74 Abajo	2.72E-04
	NM_017549	Homo sapiens aumentada en gen del cáncer colorrectal 1 (UCC1), ARNm	18.73 Abajo	8.83E-05
55	BG436244	602508665F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 4605617 5, secuencia de ARNm	18,7 Abajo	1.49E-04
60	NM_024901	Homo sapiens hipotética proteína FLJ22457 (FLJ22457), ARNm	18.68 Abajo	1.35E-04
	NM_005712	Homo sapiens HERV-H LTR- asociado 1 (HHLA1), ARNm	18.63 Abajo	1.08E-04
65	NM_198488	Proteína FLJ46072 Homo sapiens (FLJ46072), ARNm	18.58 Abajo	7.49E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_020349	Homo sapiens repetición de anquirina dominio 2 (músculo sensible estirado) (ANKRD2), ARNm	18.49 Abajo	2.00E-04
	NM_002148	Homo sapiens homeobox D10 (HOXD10), ARNm	18.41 Abajo	3.05E-05
10	N78460	yz76h06.rl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMS P ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 289019 5, secuencia de ARNm	18,4 Abajo	4.02E-04
15	NM_006598	Homo sapiens soluto transportista familia 12 (potasio / transportadores de cloruro), miembro de 7 (SLC12A7), ARNm	18.13 Abajo	8.59E-05
20	BF431041	nab31g02.x1 Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 3267627 3, secuencia de ARNm	18.11 Abajo	6.10E-05
25	AK126467	ADNc Homo sapiens FLJ44503 fis, clon UTERU3001158	17.84 Abajo	1,31 E-04
	NM_182487	Homo sapiens olfactomedina 2A (OLFML2A), ARNm	17.77 Abajo	1.06E-04
30	AK058012	ADNc Homo sapiens FLJ25283 fis, clon STM06716	17,76 Abajo	8.82E-05
	NM_001252	Homo sapiens factor de tumor necrosis (ligando) superfamilia, miembro 7 (TNFSF7), ARNm	17.71 Abajo	2.46E-04
35	NM_006252	Homo sapiens de proteína quinasa, AMP activado, alfa 2 de la subunidad catalítica (PRKAA2), ARNm	17,63 Abajo	6.57E-04
40	NM_030899	Homo sapiens proteína dedo de zinc 323 (ZNF323), ARNm	17,62 Abajo	1.77E-04
	NM_006722	Homo sapiens factor asociado de transcripción de microftalmia (MITF), variante de transcripción 3, ARNm	17.53 Abajo	1,61E-04
45	AK056431	ADNc Homo sapiens FLJ31 869 fis, clon NT2RP7002151	17.29 Abajo	8.46E-05
50	BM719937	UI-E-EJ0-ahu-a-10-0-UI.r1 UI-E-EJ0 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJ0-ahu-a-10-0-UI 5, secuencia de ARNm	17.11 Abajo	4.37E-05
55	NM_005855	Receptor de Homo sapiens (calcitonina) proteína de modificar la actividad 1 (RAMP1), ARNm	16,97 Abajo	1.56E-04
	AK124873	ADNc Homo sapiens FLJ42883 fis, BRH1P3006683 clon	16,87 Abajo	3.99E-04
60	NM_001977	Homo sapiens glutamil aminopeptidasa (aminopeptidasa A) (ENPEP), ARNm	16,61 Abajo	6.12E-04
65	AK074181	Homo sapiens proteína para FLJ00254 ARNm	16.54 Abajo	6.10E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_000557	Homo sapiens factor de diferenciación del crecimiento 5 (proteína morfogenética derivada de cartilago-1) (GDF5), ARNm	16,47 Abajo	1.49E-04
10	AK026966	ADNc Homo sapiens: fis FLJ2331 3, clon HEP11919	16.36 Abajo	8.92E-05
15	BX113319	BX113319 NCI_CGAP_Gas4 Homo clon de ADNc sapiens IMAGp998G205398; IMAGE:2184619, secuencia de ARNm	16.19 Abajo	6.30E-05
20	AK055362	ADNc Homo sapiens FLJ30800 fis, clon FEBRA2001197	16.02 Abajo	3.05E-05
25	NM_021102	Homo sapiens inhibidor de serina proteasa, tipo de Kunitz, 2 (SPINT2), ARNm	15.94 Abajo	2,71E-04
30	NM_002354	Homo sapiens señal de calcio asociada a tumores de transductor 1 (TACSTD1), ARNm	15.93 Abajo	9.13E-05
35	B0003401	UI-H-Ell-azd-j-23-0-UI.sl NCI_CGAP_E11 ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 5847286 3, secuencia de ARNm	15.78 Abajo	6.30E-05
40	NM_033641	Homo sapiens colágeno tipo IV, alfa 6 (COL4A6), transcripción de la variante B, el ARNm	15,77 Abajo	5.35E-05
45	N38753	yy42dOIsI Soares melanocito 2NbHM ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 273889 3, secuencia de ARNm	15.77 Abajo	3.67E-05
50	A1420213	te92g09.xl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN: 2094208 3, secuencia de ARNm	15,7 Abajo	2.35E-04
55	AK095776	ADNc Homo sapiens FLJ38457 fis, clon FEBRA2020400	15.48 Abajo	3.04E-04
60	NM-006378	Homo sapiens dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio transmembrana (TM) y el dominio citoplásmico corto, (semaforina) 4D (SEMA4D), ARNm	15.33 Abajo	6.10E-05
65	AK021801	ADNc Homo sapiens FLJ11739f1s, clon HEMBA1 005.497 ARNm	15.33 Abajo	1.38E-04
70	BX538226	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686E1944 (del clon DKFZp686E1944)	15.23 Abajo	2.37E-04
75	NM_001847	Homo sapiens colágeno, tipo IV, alfa 6 (COL4A6), transcripción variante A, ARNm	15.22 Abajo	7.42E-05
80	NM_017640	Homo sapiens repeticiones ricas en que contiene 16 (LRRCL6), ARNm	15.21 Abajo	6.39E-05
85	NM_007072	Homo sapiens HERV-LTR H asociando 2 (HLA2), ARNm	15.04 Abajo	1.06E-04
90	NM_052947	Homo sapiens alfa-quinasa corazón (HAK), ARNm	14.96 Abajo	2.23E-04
95	NM_005139	Homo sapiens A3 anexina (ANXA3), ARNm	14.95 Abajo	6,71 E-05

ES 2 569 421 T3

5	N63415	yy60dO4.si Soares_multiple_sclerosis_2NbHMS P Homo sapiens clon ADNc IMAGEN: 277927 3 a similar contenga L1.b3 Li elemento repetitivo;, secuencia ARNm	14.79 Abajo	2.23E-05
10	BC052289	Homo sapiens A4 carboxipeptidasa, ARNm (cDNA clon MGC: 59749 IMAGEN: 6106874), cds completo	14.76 Abajo	7.22E-05
15	NM_153715	Homeo box Homo sapiens A10 (HOXA10), variante de transcripción 2, ARNm	14.76 Abajo	8.35E-05
20	NM_014936	Homo sapiens ectonucleotida pirofosfatasa / fosfodiesterase 4 (función putativa) (ENPP4),ARNm	14.67 Abajo	8.19E-04
25	NM_021192	Homo sapiens caja homeo D11 (HOXD11), ARNm	14.41 Abajo	4.53E-04
30	BX118238	BX118238 NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998L153800; IMAGEN: 1501598, secuencia de ARNm	14,44 Abajo	5.07E-04
35	NM_024969	Homo sapiens proteína apoptosis inducida por TGF-beta 2 (TAIP-2), ARNm	14.11 Abajo	1.57E-04
40	AK125490	ADNc Homo sapiens FLJ43501 fis, clon PEBLM2004497	14,06 Abajo	9,71 E-04
40	R99527	yq79bl1.s1 Soares bazo hígado fetal 1 clon de ADNc Homo sapiens 1NFLS IMAGE:201981 3, secuencia de ARNm	13.98 Abajo	8.39E-04
45	NM_001873	Homo sapiens carboxipeptidasa E (CPE), el ARNm	13,91 Abajo	9.16E-05
50	NM_003761	Homo sapiens asociada a vesículas proteína de membrana 8 (endobrevin) (VAMPS), ARNm	13.87 Abajo	3.12E-04
55	NM_020808	Homo sapiens proliferación asociada inducida por la señal 1 como 2 (SIPA1L2), ARNm	13,84 Abajo	5.47E-04
55	NM_152573	Homo sapiens RAS y EF mano dominio que contiene (RASEF), ARNm	13,82 Abajo	5.13E-04
60	NM_032866	Homo sapiens Cingulin 1 similar a (CGNL1), ARNm	13.78 Abajo	6.30E-05
60	BU740051	UI-E-EO0-ahw-n-18-0 1-UI.s UI-E- clon de ADNc Homo sapiens EO0 UI- E-EO0-ahw-n-18-0 3-UI, secuencia de ARNm	13.74 Abajo	4.63E-04

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_198389	Células pulmonares de tipo I de homo sapiens de glicoproteína asociadas a la membrana (T1A-2), variante de transcripción 2, ARNm	13,71 Abajo	3.62E-04
10	CA777268	ip05d09.yl HR85 islote Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 6134849 5, secuencia de ARNm	13,63 Abajo	1.39E-04
15	H00617	yj25f02.sl Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 149787 3, secuencia de ARNm	13.45 Abajo	3.33E-04
20	NM_024898	Homo sapiens familia con la similitud de secuencia 31, miembro de C (FAM31C), ARNm	13.39 Abajo	2.17E-03
25	NM_000094	Homo sapiens colágeno, tipo VII, bullosa alfa 1 (epidermólisis, distrófica, dominante y recesivo) (COL7A1), ARNm	13.3 Abajo	4.93E-04
30	NM_002837	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, de tipo receptor, B(PTPRB), ARNm	13.25 Abajo	6.84E-04
35	NM_018728	Homo sapiens miosina VC (MYO5C), ARNm	13.15 Abajo	1.64E-04
40	NM_018659	Homo sapiens citoquinas proteína similar a C17 (C17), ARNm	13.11 Abajo	1.45E-04
45	AL834140	ARNm sapiens Homo; ADNc DKFZp434A2029 (a partir del clon DKFZp434A2029)	13.08 Abajo	9.99E-05
50	BX103476	BX103476 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998C053946; IMAGEN: 1557436, secuencia de ARNm	13.02 Abajo	1,71 E-04
55	BG545305	602572521F1 NIH_MGC_77 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 4700644 5, secuencia de ARNm	12,86 Abajo	6.30E-05
60	BX647876	ARNm sapiens Homo; ADNc DKFZp313A1 525 (a partir del clon DKFZp313A1 525)	12.83	7.95E-05
65	NM_030949	Proteína fosfatasa 1 de homo sapiens, reguladora (inhibidor) 14C subunidad (PPP1R14C), ARNm	12,82 Abajo	3.35E-04
	NM_024423	Homo sapiens desmocolina 3 (DSC3), transcripción variante Dsc3b, ARNm	12,81 Abajo	7,71 E-05
	NM_014452	Homo sapiens tumor necrosis factor receptor de superfamilia, el miembro 21 (TNFRSF21), ARNm	12,8 Abajo	2.20E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_002246	Homo sapiens canal de potasio, subfamilia K, miembro 3 (KCNK3), ARNm	12,76 Abajo	7.59E-05
	NM_002427	Homo sapiens matriz de metaloproteinasas 13 (colagenasa 3) (MMP13), ARNm	12.65 Abajo	4.08E-04
10	NM_003328	Homo sapiens TXK tirosina quinasa (TXK), ARNm	12.61 Abajo	2.45E-04
15	NM_014422	Homo sapiens fosfatidilinositol (4,5) bisfosfato 5-fosfatasa, A (PIB5PA), variante de transcripción 1, ARNm	12,48 Abajo	8.97E-05
20	NM_014333	Homo sapiens inmunoglobulina superfamilia, miembro 4 (IGSF4), ARNm	12.4 Abajo	1.04E-04
	AA888443	nw74f10.s1 NCI_CGAP_Pr12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 1252363, secuencia de ARNm	12.37 Abajo	3.96E-04
25	BX110418	BX110418 NCI_CGAP K1d3 Homo sapiens clon ADNc 1MAGp998C224149; IMAGEN: 1635405, secuencia de ARNm	12.35 Abajo	1.54E-04
30	NM_019102	Homo sapiens Homeobox A5 (HOXA5), ARNm	12.33 Abajo	7.59E-05
	NM_016463	Homo sapiens CXXC dedo 5 (CXXC5), ARNm	12,32 Abajo	1.96E-04
35	NM_004572	Homo sapiens placofilina 2 (PKP2), variante de transcripción 2b, ARNm	12.28 Abajo	4.15E-04
40	N25875	yw78d12.sl Soares_placenta_8to9weeks_2NbH clon de ADNc Homo sapiens P8to9W IMAGEN:258359 3, secuencia de ARNm	12.27 Abajo	1.02E-04
45	NM_152694	Homo sapiens dedo de zinc, CCHC dominio que contiene 5 (ZCCHC5), ARNm	12.22 Abajo	3.38E-04
	NM_021012	Homo sapiens canal de rectificación hacia el interior de potasio, subfamilia J, elemento 12 (KCNJ12), ARNm	12.22 Abajo	9.23E-04
50	NM_017671	Homo sapiens de cromosoma 20 marco de lectura abierto 42 (C200rf42), ARNm	12.21 Abajo	1.06E-04
55	NM_002031	Homo sapiens de quinasa relacionada con fin- (FRK), ARNm	12.11 Abajo	2.14E-04
60	BM976385	UI-CF-ENI-acz-f-03-0-UI.sl UI-CF-EN1 ADNc Homo sapiens clon UI-CF-EN1-acz-f-03-0-UI 3, secuencia de ARNm	12.02 Abajo	8.11E-04
65	NM_005296	Homo sapiens acoplados a proteínas G receptor 23 (GPR23), ARNm	11.98 Abajo	1.50E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_000817	Homo sapiens glutamato descarboxilasa 1 (cerebro, 67 kDa) (Cárcel), variante de transcripción GAD67, ARNm	11.92 Abajo	6.22E-05
10	A1220066	qg84d01.x1 Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 1841857 3, secuencia de ARNm	11.88 Abajo	1.09E-04
15	NM_005737	Homo sapiens ADP-ribosilación similar al factor de 7 (ARL7), ARNm	11.83 Abajo	1.58E-04
	NM_000147	Homo sapiens fucosidase, alfa-L-1, el tejido (FUCAI), ARNm	11.82 Abajo	1.74E-03
20	AK127437	ADNc Homo sapiens FLJ45529 fis, clon BRTHA2027546	11.82 Abajo	1.68E-04
25	NM_178033	Homo sapiens citocromo P450, familia 4, subfamilia X, polipéptido 1 (CYP4X1), ARNm	11,81 Abajo	2.10E-04
	NM-173567	Homo sapiens dominio de abhidrolasa que contiene 7 (ABHD7), ARNm	11,76 Abajo	1.75E-04
30	AL049974	ARNm Homo sapiens; cDNA DKFZp564B222 (a partir del clon DKFZp564B222)	11,74 Abajo	5.82E-04
	NM_000519	Homo sapiens hemoglobina, delta (HBD), ARNm	11.7 Abajo	9.70E-04
35	AL359567	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp547DO23 (a partir del clon DKFZp547DO23)	11.66 Abajo	3.95E-04
40	BF510493	UI-H-B14-apa-b-08-0-UI.sl NCI_CGAPSub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 3086558 3, secuencia de ARNm	11.66 Abajo	6.30E-05
45	NM_000961	Homo sapiens prostaglandina 12 (prostaciclina) sintasa (PTGIS), ARNm	11,63 Abajo	5.06E-04
	NM_025151	Homo sapiens Rab11 familia de proteínas que interactúan 1 (clase I) (1 RAB1 FIP1), variante de transcripción 1, ARNm	11.6 Abajo	1.14E-04
50				
	BM712945	UI-E-EJO-ahi-c-16-0-UI.rl UI-E-EJ0 ADNc Homo sapiens clon de UI-E-EJ0-ahi-c-i-6-0 UI 5, secuencia de ARNm	11.6 Abajo	9.48E-05
55	AW451831	IU-H-B13-alk-e-12-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub5 Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 2737246 3, secuencia de ARNm	11.54 Abajo	8.69E-04
60	BC040701	ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5736259, cds parcial	11.53 Abajo	1.23E-04
	AL359058	Homo sapiens ARNm de longitud completa inserte ADNc clon EUROIMAGE 592.473	11.44 Abajo	1.27E-03
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM-001854	Homo sapiens de colágeno, tipo XI, alfa 1 (COL11A1), variante de transcripción A, ARNm	11.39 Abajo	7.56E-04
	NM_000227	Homo sapiens de laminina, alfa 3 (Lama3-), variante de transcripción 2, ARNm	11.39 Abajo	8.59E-05
10	NM_033256	Homo sapiens de proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) 14A subunidad (PPP1R14A), ARNm	11.36 Abajo	1.26E-04
15	ABO11538	Homo sapiens ARNm para MEGF5, cds parcial	11.35 Abajo	4.81 E-04
	AL389942	Homo sapiens ARNm de longitud completa inserte cDNA clon EUROIMAGE 2005635	11.33 Abajo	4.78E-04
20	NM_174900	Hom sapiens proteínas de dedo de zinc 42 (ZFP42), ARNM	11.23 Abajo	1.29E-04
25	BG622707	602647476F1 NIH_MGC_79 Homo clon de ADNc sapiens IMAGE.-4768963 5, secuencia de ARNm	11.21 Abajo	1.49E-04
30	NM_178177	Homo sapiens adeniltransferasa de nicotinamida de nucleótidos 3 (NMNAT3), ARNm	11.19 Abajo	3.57E-04
35	AA099748	zl78c09.sl Stratagene de colon (# 937204) ADNc Homo sapiensIMAGEN clon: 510736 3, secuencia de ARNm	11.16 Abajo	9.87E-05
40	H89526	yw28b04.rl Morton fetal cóclea Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 253519 5, secuencia de ARNm	11,06 Abajo	2.94E-04
	NM_178868	Homo sapiens factor de quimioquinas como superfamilia 8 (CKLFSF8), ARNm	10,96 Abajo	9.23E-04
45	BE788763	6014758641`1 NIH_MGC 68 Homo sapiens clon de ADNc MAGE: 3879014 5, secuencia de ARNm	10,88 Abajo	6.22E-05
50	NM_000076	Homo sapiens dependiente de ciclina inhibidor de quinasa 1C (p57, Kip2) (CDKN1C), ARNm	10,87 Abajo	7.28E-05
	NM_152768	Homo sapiens hipotética proteína FLJ25378 (FLJ25378), ARNm	10,81 Abajo	7,31 E-05
55	M60502	Profilagrina humana ARNm, fin 3	10,81 Abajo	8.46E-05
	NM_181847	Homo sapiens Gen 2 inducido por anfoterina (AMIGO2), ARNm	10,78 Abajo	1.86E-03
60	NM_005331	Homo sapiens hemoglobina, zeta 1 (HBQ1), ARNm	10,77 abajo	3.32E-04
	NM_032367	Homo sapiens dedo de zinc, BED dominio que contiene 3 (ZBED3), ARNm	10,61 Abajo	7.71 E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_004574	Homo sapiens de similar a maní 2 (Drosophila) (PNU TL2), variante de transcripción 1, ARNm	10.6 Abajo	3.18E-04
	NM_014421	Homo sapiens Dickkopf homólogo 2 (Xenopus laevis) (DKK2), ARNm	10,52 Abajo	7,31 E-05
10	NM_052923	Homo sapiens proteínas dedo de zinc 452 (ZNF452), ARNm	10,43 Abajo	1.06E-04
15	NM_006379	Homo sapiens sema de dominio, dominio de inmunoglobulina (Ig), corta dominio básico, secretada, (Semaforina) 3C (SEMA3C), ARNm	10.39 Abajo	6.30E-05
	AL137488	ARNm Homo sapiens; cDNA DKFZp434N2O3O (a partir del clon DKFZp434N2O3O)	10,37 Abajo	2.60E-04
20	BX088936	BX088936 Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998G1 23255; IMAGEN: 1292195, secuencia de ARNm	10,34 Abajo	1.20E-03
25	A8041269	Homo sapiens ARNm de queratina 19, cds parcial, aislan: K19-141	10,33 Abajo	4.02E-03
	AKO91933	ADNc Homo sapiens FLJ34614 fis, KIDNE2O1 clon 4268	10.3 Abajo	1.49E-04
30	AF269162	Homo sapiens forma c21 orf7 B ARNm, cds completo	10.3 Abajo	1.78E-03
	NM_001935	Homo sapiens dipeptidil peptidasa 4 (CD26, adenosina desaminasaproteína complejante 2) (DPP-4), ARNm	10,27 Abajo	1.10E-04
35				
	NM_001850	Homo sapiens colágeno, tipo VIII, alfa 1 (COL8A1), variante de transcripción 1, ARNm	10,23 Abajo	2.23E-05
40				
	A1469032	ti7OaOI xl NCI CGAP Kidl 1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 21 37320 3, secuencia de ARNm	10.2 Abajo	7.42E-05
45				
	NM_003081	Homo sapiens proteína asociada a sinaptosomal, 25 kDa, (SNAP25), variante de transcripción 1, ARNm	10.05 Abajo	2.34E-03
50	BG570144	602591134F1 NIH MGC 77 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN-0.4717761 5, secuencia de ARNm	9.99 Abajo	1.09E-03
	BM969191	UI-CF-ENO-acp-e-22-0-UI.sl IU-CE- ENO Homo sapiens clon de ADNc UICF-ENO-ACP-e-22-0-UI 3, secuencia de ARNm	9.99 Abajo	1.00E-03
55	NM_006622	Homo sapiens quinasa similar a polo 2 (Drosophila) (PLK2), ARNm	9.99 Abajo	1.45E-04
	NM_000860	Homo sapiens hidroxiprostaglandina deshidrogenasa 15- (NAD) (HPGD), ARNm	9.98 Abajo	6.39E-05
	AJ318805	AJ318805 Homo sapiens adiposo tejidos clon de ADNc de homo sapiens 2040, secuencia de ARNm	9,97 Abajo	1.92E-04
60	NM_002735	Homo sapiens proteína quinasa, dependiente de cAMP, reguladora, tipo I, beta (PRKAR1B), ARNm	9,93 Abajo	8.51 E-06
	AK092114	ADNc Homo sapiens FLJ34795 fis, clon NT2NE2005921	9,91 Abajo	1.57E-03
65	NM_024608	Homo sapiens nei endonucleasa VIII tipo 1 (E. coli) (NEIL1), ARNm	9.89 Abajo	3.05E-05

ES 2 569 421 T3

	BE464407	hx89g05.xl NCI_CGAP_Kidl 1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-3195032 3, secuencia de ARNm	9.88 Abajo	1.05E-03
5	BF431460	7o14b05.xl NCI_CGAPKIdII Homo sapiens CONA clon IMAGEN: 3573849 3, secuencia de ARNm	9,85 abajo	1.19E-03
	BF509573	UI-H-B14-APF-b-1i-0-ULsl NCI_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 3086949 3, secuencia de ARNm	9,82 Abajo	2.57E-04
10	T78754	ydOifO8.rl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 24 180 5, secuencia de ARNm	9,79 Abajo	1.51E-03
	NM_153256	Homo sapiens cromosoma 10 abierta hacia marco de lectura 47 (CiOorf47), proteína de ARNm	9,78 Abajo	2.10E-04
15	NM_207482	Homo sapiens FLJ44048 (FLJ44048), ARNm NM 002276 Homo sapiens queratina 19 (KRT19), 9,74 3,70 Abajo E-03 ARNm	9,76 Abajo	2.14E-04
	N70752	za72d02.sl Homo Soares_fetal_lung_NbHL19W sapiens clon de cDNA IMAGEN: 298083 3, secuencia de ARNm	9,73 Abajo	1.49E-04
20				
	NM_020962	Homo sapiens probable ortholog de vecino de ratón Punc Eli (No), el ARNm	9,73 Abajo	8.91 E-04
25				
	NM_016276	Homo sapiens suero / glucocorticoides quinasa regulada 2 (SGK2), variante de transcripción 2, ARNm	9.7 Abajo	4.41 E-04
30				
	A1355761	qt94all.xl NCI_CGAP_Co14 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 1962908 3 similar a GB: X74929 queratina, TIPO II Citoesqueleto 8 (HUMANO); secuencia de ARNm	9.7 Abajo	9.99E-05
35				
	NM_003264	Homo sapiens receptor 2 de tipo toll(TLR2), ARNm	9.69 Abajo	1.86E-04
40				
	NM_198495	Familia Homo sapiens CTAGE, miembro 4 (CTAGE4), ARNm	9.66 abajo	3.12E-04
	BX097888	BX097888 Soares_parathyroid_tumor_NbHPA ADNc Homo sapiens clon 1MAGp998K064 187; IMAGEN: 1650173, secuencia de ARNm	9.62 Abajo	6.10E-05
45				
	BU567804	AGENCOURT_1 0398872 NIH_MGC_82 ADNc Homo sapiens IMAGEN clon: 6614502 5, la secuencia ARNm	9.62 Abajo	7.71E-05
50				
	NM_152423	Homo sapiens melanoma antígeno asociado (mutado) 1 tipo 1 (MUM1L1), ARNm	9,61 Abajo	2.45E-03
	NM_018330	Homo sapiens KIAA1 598 (KIAA1 598), ARNm	9.6 Abajo	1.68E-04
55				
	BU584197	251303016 LIVRTUTO4 ADNc Homo sapiens clon 2513030 3, secuencia de ARNm	9,56 Abajo	8.83E-04
	NM_005264	Homo sapiens GDNF receptor de la familia de alfa 1 (GFRA1), variante de transcripción 1, ARNm	9,56 Abajo	1.19E-04
60				
	NM_002245	Homo sapiens canal de potasio, K subfamilia, miembro 1 (KCNK1), ARNm	9,53 Abajo	2.05E-03
	NM_178550	Homo sapiens hipotética proteína MGC48998 (MGC48998), ARNm	9.51 Abajo	9.03E-04
	NM_006863	Homo sapiens leucocitos similar a inmunoglobulina del receptor, de la subfamilia A (con dominio TM), miembro 1 (LILRA1), ARNm	9.48 Abajo	6.22E-05
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_173354	Homo sapiens SNF1-quinasa como (SNF1LK), mRNA	9.47 Abajo	8.25E-04
5	BC016962	Homo sapiens, clon IMAGEN-.4182947, ARNm	9,43 Abajo	2.15E-04
	AB046810	Homo sapiens ARNm para KIAA1590 proteínas, cds parcial	9,38 Abajo	6.30E-05
10	BX116347	BX116347 NCLCGAP_Kid12 Homo clon de ADNc sapiens IMAGp998B21 5967; IMAGEN: 2401 844, secuencia de ARNm	9,33 Abajo	1.54E-04
15	BU633163	UI-H-ELi -bgt-n-07-0-UI.sl NCI_CGAP ELi Homo sapiens clon de ADNc UI-H-FL1-BGT-n-07-0-UI 3, secuencia de ARNm	9,31 Abajo	1.46E-04
20	A1289329	qw28c09.xl NCI_CGAP_UL4 Homo clon de ADNc sapiens IMAGEN: 1992400 3 similar a contiene L1.b2 L1 elemento repetitivo secuencia de ARNm	9,28 Abajo	4.80E-04
25	BU951469	in6OaO5.x3 HR85 islote Homo clon de ADNc sapiens IMAGEN: 6126249 3, secuencia de ARNm	9.21 Abajo	2.54E-03
30	NM_002338	Homo sapiens sistema límbico - asociado a proteína de membrana (LSAMP), ARNm	9.19 Abajo	1.30E-03
35	AL833346	ARNm sapiens Homo; ADNc DKFZp686M2234 (a partir del clon DKFZp686M2234)	9.17 Abajo	3.02E-04
40	BC040293	Homo sapiens, clon IMAGEN: 4820330, ARNm	9.1 Abajo	1.09E-03
	NM_003810	Homo sapiens tumor necrosis factor de (ligando) superfamilia, miembro 10 (TNFSF10), ARNm	9,04 Abajo	5.06E-04
	NM_014373	Homo sapiens G receptor acoplado a proteína 160 (GPR160), ARNm	9.01 Abajo	1.59E-04
45	CA425405	UI-H-FE1 -bef-g-08-0-UI.sl NCI_CGAP_FE1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-FE1-BEF-g-08-0-UI 3, secuencia de ARNm	8,89 Abajo	1.74E-05
	A1953708	wq47d09.xl NCI_CGAP_GC6 ADNc Homo sapiens IMAGEN clon-.2474417 3, secuencia de ARNm	8,87 Abajo	9.89E-03
50	NM_017641	Homo sapiens miembro de la familia kinesin 21A (KIF21A), ARNm	8.86 Abajo	7.22E-05
	NM_153377	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina y dominios similares a inmunoglobulina 3 (LRIG3), ARNm	8.86 Abajo	2.71 E-04
55	NM_000236	Homo sapiens lipasa, hepática (CFIG), ARNm	8,83 Abajo	1.93E-03
	BC046362	Homo sapiens Canales de calcio gamma de la proteína de la subunidad dependiente de la tensión, ARNm (clon de ADNc MGC:50757 IMAGEN: 5221 396), cds completo	8.8 Abajo	4,71 E-04
60	AJ697972	Homo sapiens cromosoma 3 ADNc	8.8 Abajo	7.35E-04
	BF509074	UI-H-B14-AOU-b-08-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGE.-3086150 3, secuencia de ARNm	8.8 Abajo	1.24E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_001080	Homo sapiens deshidrogenasa aldehida 5 familia, miembro A1 (deshidrogenasa de succinato-semialdehido) (ALDH5A1), codificación de genes nucleares mitocondrial proteína, variante de transcripción 2, ARNm	8.79 Abajo	8.46E-05
10	NM_002247	Homo sapiens potasio grande conductancia de calcio activados canal, subfamilia M, miembro de la alfa 1 (KCNMA1), ARNm	8.78 Abajo	7.45E-05
15	NM_022154	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 39 (transportador de zinc), miembro 8 (SLC39A8), ARNm	8,77 Abajo	4.65E-05
20	NM_144707	Homo sapiens prominin 2 (PROM2), ARNm	8,73 Abajo	2,01 E-04
	AB095949	ARNm Homo sapiens para proteína KIAA2O29	8,69 Abajo	9.23E-04
25	AV728294	AV728294 HTC Homo sapiens clon de ADNc HTC BIEO9 5, secuencia mRNA	8,68 Abajo	8.46E-05
30	NM_003851	Homo sapiens represor celular de genes estimulados por E1A 1 (CREG1), ARNm	8,68 Abajo	2.10E-04
	NM_014181	Homo sapiens proteína HSPC159 (HSPC159), ARNm	8,67 Abajo	1.10E-04
35	NM_000349	Homo sapiens regulador androgénico agudo (STAR), proteína mitocondrial de gen nuclear codificador, variante de transcripción 1, ARNm	8,66 Abajo	1.03E-04
40	AK026740	ADNc Homo sapiens: FLJ23087 fis, clon LNG06994, muy similar a AF161 368 Homo sapiens HSPC1O5 ARNm	8,65 Abajo	7.45E-04
45	T56535	yb33g07.rl bazo fetal de estratagene (# 937205) ADNc Homo sapiens IMAGEN clon: 73020 5, secuencia de ARNm	8,63 Abajo	1.23E-04
50	NM_178868	Homo sapiens factor de quimioquinas similar a superfamilia 8 (CKLFSF8), ARNm	8,63 Abajo	6.22E-05
	NM_005130	Homo sapiens crecimiento de fibroblastos proteína de factor de unión 1 (FGFBPI), ARNm	8,62 Abajo	1.15E-04
55	NM_032488	Homo sapiens cornifelin (CNFN), ARNm	8,6 Abajo	3.05E-05
	NM_052960	Homo sapiens retinol proteína de unión 7, celular (RBP7), ARNm	8.6 Abajo	2.05E-04
60	NM_207517	Homo sapiens similar a ADAMTS-3 (ADAMTSL3), ARNm	8,57 Abajo	2.22E-04
65	AK127644	ADNc Homo sapiens FLJ45742 fis, clon KIDNE2O16327	8,54 Abajo	3.24E-03

ES 2 569 421 T3

5	BU727096	UI-E-CRO-ada-e-i 2-O-UI.s1 UI-E-CRO ADNc Homo sapiens clon UI-E-CRO-ada-e-i-2-0 UI 3, secuencia ARNm	8,53 Abajo	9.29E-04
	NM_015973	Homo sapiens galanina (GAL), ARNm	8,53 Abajo	6.30E-05
10	NM_033514	Homo sapiens LIM y senescentes dominios de células similar a antígeno 3, (LIMS3) ARNm	8,51 Abajo	3.30E-04
15	NM_138811	Homo sapiens cromosoma 7 marco de lectura abierto 31 (C7orf31), ARNm	8,47 Abajo	8.35E-05
20	NM_005302	Homo sapiens receptor acoplado a proteínas G 37 (receptor de endotelina similar a tipo B) (GPR37), ARNm	8,47 Abajo	2.19E-03
25	NM_173462	Homo sapiens papilina, glicoproteína sulfatada similar a proteoglican, (PAPLN), ARNm	8,46 Abajo	1.70E-04
	NM_032148	Homo sapiens soluto transportista familia 41, miembro 2 (SLC41A2), ARNm	8,44 Abajo	9.03E-05
30	NM_000856	Homo sapiens guanilato ciclasa 1, soluble, alfa 3 (GUCY1A3), ARNm	8,37 Abajo	1.17E-03
35	AW591723	xt85hIO.xl Nd_CGAP_Ut1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2793283 3 similar a Contiene el elemento repetitivo MER32 ;, secuencia de ARNm	8,36 Abajo	4.86E-04
40	NM_032024	Homo sapiens cromosoma 10 marco de lectura abierto 11 (C10orf11), ARNm	8,25 Abajo	1.80E-04
	AK024850	ADNc Homo sapiens: FLJ21197 fis, clon COL00201	8,21 Abajo	7.71E-05
45	NM_002206	Homo sapiens integrina alfa 7 (ITGA7), ARNm	8,2 Abajo	6.30E-05
	A1963999	wt87g07.xl NCI_CGAPGC6 Homo clon de ADNc sapiens IMAGEN: 2514492 3, secuencia de ARNm	8,19 Abajo	1,61 E-03
50	NM_005567	Homo sapiens lectina, unión a galactosida, soluble, proteína de unión 3 (LGALS3BP), ARNm	8,18 Abajo	8.76E-05
55	D87454	ARNm humano para K1AA0265 gen, cds parcial	8,14 Abajo	1.08E-03
60	BG564960	602583930F1 NIH_MGC_76 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 4711807 5, secuencia de ARNm	8,12 Abajo	7.71E-05
65	NM_022168	Homo sapiens interferón indujo con helicasa C dominio 1 (IFIH1), ARNm	8,12 Abajo	1.46E-04

ES 2 569 421 T3

5	AK027541	Homo sapiens ADNc FLJ14635 fis, clon NT2RP2001196	8,12 Abajo	2.08E-04
	NM_024997	Homo sapiens activación factor de transcripción 7 interactuando proteína 2 (ATF7IP2), ARNm	8.11 Abajo	1.65E-03
10	A1926616	wo48e04.xl NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN similar a 2458590 3 contiene MER27.b2 MER27 elemento repetitivo;, secuencia de ARNm	8,08 Abajo	6.30E-05
15				
20	S70348	Homo sapiens integrina beta 3 ARNm, cds parcial, alternativamente empalmado	8,06 Abajo	2,21 E-04
	NM_005725	Homo sapiens tetraspari 2 (TSPAN-2), ARNm	8,05 Abajo	3.97E-03
25	CA311343	UI-CF-FNO-aff-b-UI-CF- 19-0-11Lsl FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-aff-b-1 9-0 3-UI, secuencia de ARNm	8,02 Abajo	8.51E-06
30				
	NM_001710	Homo sapiens factor B, properdina (BF), ARNm	8,01 Abajo	1.30E-03
35	NM_002247	Homo sapiens canal activado por calcio de potasio grande de conductancia, subfamilia M, miembro alfa 1 (KCNMA1), ARNm	8 Abajo	1.29E-03
40				
	BG149255	nad25dOI xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN-.3366553 3, secuencia de ARNm	8 Abajo	3.85E-04
45				
	NM_153634	Homo sapiens copina VIII (CPNE8), ARNm	7,97 Abajo	3.57E-04
	NM_004390	Homo sapiens catepsina H (CSP), variante de transcripción 1, ARNm	7,97 Abajo	7,71 E-05
50	NM_016613	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp434L142 (DKFZp434L142), ARNm	7.97 Abajo	3.72E-04
55				
	NM_001845	Homo sapiens colágeno tipo IV, alfa 1 (COL4A1), ARNm	7,93 Abajo	8.65E-05
	NM_005502	Homo sapiens casete de unión a ATP, subfamilia A (ABC1), miembro 1 (ABCA1), ARNm	7,93 Abajo	5.18E-04
60				
	NM_018650	Homo sapiens MAP / microtúbulos por afinidad de regulación de quinasa 1 (MARK1), ARNm	7,92 Abajo	1.23E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	D62831	HUM330B12B Clontech humana aorta poliA + mRNA (# 6572) Homo sapiens cDNA clon GEN-330B12 5, secuencia de ARNm	7,92 Abajo	9.23E-04
10	CA313095	UI-CF-FNO-aex-f-01-0-UI.sl UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-AEX-f-01-0-UI 3, secuencia de ARNm	7,91 Abajo	7.42E-04
15	BC038556	Homo sapiens, clon IMAGEN: 3446976, ARNm	7,91 Abajo	2.57E-03
20	AI493349	tg7OfO4.xl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN:2114143 3, secuencia de ARNm	7.9 Abajo	1.14E-04
25	BCO15108	Homo sapiens, similar a otoconina 90, clon IMAGEN: 4044247, ARNm	7.9 Abajo	1.01 E-04
	AI819863	wj45h05.xl NCI CGAPLu19 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2405817 3, secuencia de ARNm	7,87 Abajo	2.39E-03
30	BM802920	AGENCOURT_6457446 NIHMGC_88 ADNc Homo sapiens IMAGEN clon: 5560288 5, secuencia de ARNm	7,85 Abajo	1.60E-03
35	AK057113	ADNc Homo sapiens FLJ32551 fis, clon SPLEN1000087	7,83 Abajo	1.20E-03
40	NM_005025	Homo sapiens serina (o cisteína) inhibidor de proteinasa, subtipo I (Neuroserpina), miembro 1 (SERPINI1), ARNm	7,82 Abajo	2,21 E-04
45	AA195328	zr34f08.sl Soares_NhHMPu_Sl Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 665319 3, secuencia de ARNm	7,81 Abajo	2.37E-04
50	NM_014358	Homo sapiens tipo C (dominio dependiente de calcio, hidratos de carbono de reconocimiento) de la lectina, miembro de la superfamilia 9 (CLECSF9), ARNm	7,81 Abajo	5.03E-03
55	B1493986	dfIO6gl2yl cóclea fetal mortonHomo sapiens clon de ADNcIMAGEN:2538815 5, secuencia de ARNm	7.8 Abajo	6.69E-04
60	NM_152366	Homo sapiens kech / repetición de anquirina, que contiene ciclina A1 interactuando con proteína (KARCA1), variante de transcripción 1, ARNm	7,79 Abajo	8.97E-05
65	NM_015678	Homo sapiens neurobeachina (NBEA), ARNm	7,78 Abajo	2.12E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_018424	Homo sapiens eritrocitos de banda de proteína de membrana 4.1 similar a 4B (EPB41L4B), ARNm	7,77 Abajo	1.23E-04
10	CA310979	UI-CF-FNO-afc-c-21-0-UI.sl UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-afc-c-21-0-UI 3, secuencia de ARNm	7,76 Abajo	1.86E-04
15	NM_031476	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp434BO44 (DKFZP434BO44), ARNm	7,75 Abajo	2.20E-03
20	NM_004086	Homo sapiens factor homólogo de coagulación C, Cochlin (Limulus polyphemus) (COCH), ARNm	7,74 Abajo	2.21E-04
25	NM_003617	Homo sapiens regulador de señalización G-proteína 5 (RGS5), ARNm	7,73 Abajo	3.85E-04
30	BF966833	602286668T1 NIH_MGC_95 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 4375360 3, secuencia de ARNm	7,73 Abajo	6.10E-05
30	AK024270	ADNc Homo sapiens FLJ14208 fis, NT2RP3003264 clon	7,71 Abajo	1.13E-03
35	NM_144587	Homo sapiens cromosoma 10 marco de lectura abierto 87 (C10orf87), ARNm	7,71 Abajo	6.03E-04
35	AK096288	ADNc Homo sapiens FLJ38969 fis, clon NT2R12002359	7,7 Abajo	1.49E-04
40	BE968596	601649770F1 NIH_MGC_74 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3933472 5, secuencia de ARNm	7,69 Abajo	2.39E-03
40	AY358775	Homo sapiens clon DNA170212 WGAR9166 (UNQ9166) ARNm, cds completo	7,66 Abajo	2.16E-03
45	BX103949	BX103949 NCICGAP_Co3 ADNc Homo sapiens clon IMAGp998C112296; IMAGEN: 923842, secuencia de ARNm	7,64 Abajo	3.18E-04
50	NM_013410	Homo sapiens adenilato quinasa 3 (AK3), codificación de genes nucleares proteína mitocondrial, variante de transcripción 2, ARNm	7,64 Abajo	3.07E-04
55	NM_005204	Homo sapiens activada por mitógenos deproteína quinasa quinasa quinasa 8(MAP3K8), ARNm	7,63 Abajo	6.82E-04
60	NM_032211	Homo sapiens lisil tipo oxidasa 4 (LOXL4), ARNm	7,6 Abajo	3.30E-04
65	AA325746	EST28794 Cerebelo II Homo sapiens ADNc 5 final, secuencia de ARNm	7,57 Abajo	6.30E-05

ES 2 569 421 T3

5	H94320	yvl8blO.sl Soares bazo hígado fetal 1NFLS clon de ADNc Homo sapiens IMAGE: 243067 3, secuencia de ARNm	7,55 Abajo	3.35E-03
10	BX640973	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686B15184 (a partir del clon DKFZp686B1 5184)	7,55 Abajo	7.89E-04
15	BQ015616	UI-1-BC1-ajb-g-04-0-UL.sl NCI_CGAP_PI2 Homo sapiens clon de ADNc UI-1-BC1-ajb-g-04-0-UI 3, secuencia de ARNm	7,54 Abajo	5.28E-04
20	AK128715	ADNc Homo sapiens FLJ46882 fis, UTERU3015844 clon	7,53 Abajo	2.30E-04
25	NM_015068	Homo sapiens expresaron paternalmente 10 (PEG10), ARNm	7,52 Abajo	7.71 E-05
30	BU754480	UI-1-BB1p-axz-h-11-0-UI.sl NCI_CGAP_PI6 Homo sapiens clon de ADNc IU-1-BB1p-axz-h-11-0-UI 3, secuencia de ARNm	7,49 Abajo	6.24E-04
35	AK074097	ARNm de Homo sapiens para proteína FLJOO168	7,48 Abajo	1.93E-03
40	BC033567	Homo sapiens, clon IMAGE: 4822266, ARNm	7,48 Abajo	1.96E-04
45	NM_018894	Homo sapiens proteína de matriz extracelular de fibulina de tipo 1 que contiene EGF (EFEMP1), variante de transcripción 2, ARNm	7,47 Abajo	2.67E-04
50	BM701989	UI-E-CQ1-aex-j-06-0-UI.ri UI-E-CQ1 ADNc Homo sapiens clon de IUE-CQ1-aex-j-06-0-UI 5, secuencia de ARNm	7,47 Abajo	4.53E-04
55	NM_016423	Homo sapiens proteína dedo de zinc 219 (ZNF219), ARNm	7,46 Abajo	1.61E-04
60	BX117317	BX117317 NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998E242234; IMAGE: 900095, secuencia de ARNm	7,45 Abajo	1.13E-03
65	NM_001993	Homo sapiens factor de coagulación III (tromboplastina, factor tisular) (F3), ARNm	7,45 Abajo	5.82E-04
	CA502991	UI-CF-FNO-afp-g-01-0-UI.sl UI-CF-FNO ADNc Homo sapiens clon UI-CF-FNO-afp-g-01-0-UI 3, secuencia de ARNm	7,43 Abajo	2.24E-02

ES 2 569 421 T3

5	A1686890	tp9OhO2.xl NCI_CGAP_Ut3 ADNc Homo sapiens clon IMAGE:2206611 3, secuencia de ARNm	7.41 Abajo	1.49E-04
10	AW137001	UI-H-BI1-acu-c-05-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub3 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2715632 3, secuencia de ARNm	7.4 Abajo	7.95E-05
15	BQ021695	UI-H-DH1-axi-f-22-O-UI.s1 NCI_CGAP_DH1 Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 5829141 3, secuencia de ARNm	7.39 Abajo	6.10E-05
20	BX640643	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686O24114 (a partir del clon DKFZp686O24114)	7.36 Abajo	5.18E-05
25	NM_004669	Homo sapiens canal de cloruro intracelular 3 (CLIC3), ARNm	7.35 Abajo	4.30E-03
30	NM_001955	Homo sapiens endotelina 1 (EDN1), ARNm	7.33 Abajo	7.72E-04
30	AB007974	Homo sapiens ARNm, el cromosoma 1 transcripción específica KIAA0505	7.33 Abajo	5.29E-03
35	NM_198174	Homo sapiens factor de transcripción CP2-como 4 (TFCP2L4), variante de transcripción 3, ARNm	7.32 Abajo	4.82E-03
40	BX098521	BX098521 Soares bazo hígado fetal 1NFLS clon de ADNc Homo sapiens IMAGp998L05118; IMAGE: 123412, secuencia de ARNm	7.3 Abajo	5.51E-03
45	NM_004154	Homo sapiens receptor P2Y pirimidinérgico, acoplado a proteína G, 6 (P2RY6), variante de transcripción 4, ARNm	7.28 Abajo	3.41 E-03
50	AK123617	ADNc Homo sapiens FLJ41623 fis, clon CT0NG3009227	7.27 Abajo	2.26E-03
55	BF111903	7138d07.xl Soares NSF_F8_9W_OT_PA_P_51 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3523644 3, secuencia de ARNm	7.25 Abajo	1.34E-03
60	NM_018655	Homo sapiens proteína epitelial de lente (LENEP), ARNm	7.24 Abajo	1.07E-04
65	NM_139161	Homo sapiens migas homólogo 3 (Drosophila) (CRB3), variante de transcripción 2, ARNm	7.23 Abajo	8.46E-04

ES 2 569 421 T3

5	BC060805	Homo sapiens proteína hipotética FLJ12788, ARNm (clon de ADNc IMAGE: 5266931), cds parcial	7.22 Abajo	7.45E-05
10	CA413744	UI-H-EZO-bat-h-12-0-UI.s1 NCI_CGAP_Ch1 Homo sapiens clon de ADNc UI-H-EZO-bat-h-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	7,22 Abajo	6.09E-04
15	NM_018986	Homo sapiens dominio SH3 y tetratricopéptido repite 1 (SH3TC1), ARNm	7.21 Abajo	2.68E-03
20	NM_024677	Homo sapiens proteína hipotética FLJ14001 (FLJ14001), ARNm	7.21 Abajo	1.14E-04
25	AL117454	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp586J1717 (a partir del clon DKFZp586J1717)	7.2 Abajo	2.93E-04
30	AW450938	UI-H-BI3-all-g-05-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub5 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2737329 3, secuencia de ARNm	7,19 Abajo	1.19E-04
35	NM_017899	Homo sapiens proteína hipotética FLJ20607 (TSC), ARNm	7.16 Abajo	4.80E-03
40	S81734	Homólogo de transglutaminasa tisular (alternativamente empalmado) [línea celular humana, eritroleucemia HEL GMO6141A, ARNm, 2362 NT]	7,16 Abajo	8.76E-05
45	BU616749	UI-H-FH1-bfj-a-11-0-UI.sl NCI_CGAP_FH1 Homo sapiens clon de ADNc UI-H-FH1-bfj-a-11-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.14 Abajo	2.21E-04
50	NM_006681	Homo sapiens neuromedina U (NMU), ARNm	7.1 Abajo	6.52E-03
55	AK022598	ADNc Homo sapiens FLJ12536 fis, clon NT2RM4000265	7.09 Abajo	1.15E-04
60	AW137116	UI-H-BI1-acp-f-03-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub3 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2715029 3, secuencia de ARNm	7.07 Abajo	3.50E-03
65	BX647876	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp313A1525 (a partir del clon DKFZp313A1525)	7.06 Abajo	1.41E-03
70	NM_000597	Homo sapiens proteína de unión factor de crecimiento similar a la insulina 2, 36 kDa (IGFBP2), ARNm	7.04 Abajo	2.99E-03
75	CN478597	UI-CF-FNO-aeo-g-21-0-UI.s1 UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-aeo-g-21-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.04 Abajo	1.43E-03
80	CN478714	UI-CF-FNO-afu-c-19-0-UI.sl IU-CF-FNO ADNc Homo sapiens clon UICF-FNO-afu-c-1 9-0 3-UI 3, secuencia de ARNm	7.04 Abajo	3.55E-03
85	AB020640	Homo sapiens ARNm para proteína KIAA0833, cds parcial	7 Abajo	2.45E-03
90	NM_022746	Homo sapiens proteína hipotética FLJ22390 (FLJ22390), ARNm	6.99 Abajo	9.12E-04

ES 2 569 421 T3

5	A1905628	CM-BT094 BT094-050299-147 Homo sapiens cDNA, secuencia de ARNm	6.98 Abajo	1.54E-04
10	NM_002193	Homo sapiens inhibina, beta B (Polipéptido beta AB activina) (INHBB), ARNm	6.96 Abajo	7.59E-04
15	NM_004490	Homo sapiens factor de crecimiento de la proteína de unión al receptor 14 (GRB14), ARNm	6.94 Abajo	1.98E-03
20	NM_003985	Homo sapiens quinasa de tirosina, no receptor, 1 (TNK1), ARNm	6.93 Abajo	2.10E-04
	NM_000480	Homo sapiens deaminasa monofosfato de adenosina (isoformaE) (AMPD3), ARNm	6.92 Abajo	1-06E-04
25	AK094292	ADNc Homo sapiens FLJ36973 fis, clon BRACE2006249	6.92 Abajo	2.03E-03
	BC033124	Homo sapiens, clon IMAGEN-.2960615, ARNm	6.88 Abajo	7.22E-05
30	NM_000612	Homo sapiens factor de crecimiento similar a la insulina 2 (somatomedina A) (IGF2), ARNm	6.88 Abajo	2.60E-04
35	BC042976	ADNc Homo sapiens clonar IMAGE: 5295023, cds parcial	6.88 Abajo	2.39E-03
40	BF445031	nad20f02.xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 3366266 3, secuencia de ARNm	6.87 Abajo	5.18E-04
45	NM_004170	Homo sapiens familia transportista de soluto 1 (Neuronal / transportador de glutamato de alta afinidad epitelial, el sistema de Xag), miembro 1 (SLC1A1), secuencia de ARNm	6.87 Abajo	3.18E-04
50				
55	NM_199169	Homo sapiens transmembrana, ARN de próstata andrógeno inducido (TMEPAI), variante de transcripción 2, ARNm	6.84 Abajo	1.45E-03
	NM_019644	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 7 (ANKRD7), ARNm	6.83 Abajo	8.99E-05
60	W20132	zb4Oc10.r1 Soares_parathyroid_tumor_NbHPA ADNc Homo sapiens clon IMAGE.-306066 5, secuencia de ARNm	6.82 Abajo	6.79E-03

65

ES 2 569 421 T3

5	BC033116	Homo sapiens proteína de unión de cromodominio ADN helicasa 7, ARNm (clon de ADNc IMAGE: 3352674), cds parcial	6.82 Abajo	8.03E-05
10	NM_018650	Homo sapiens MAP / kinasa por afinidad de regulación de microtúbulos 1 (MARK1), ARNm	6.8 Abajo	4.97E-03
15	BU563992	AGENCOURT_10371176 NIH_MGC_141 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6601829 5, secuencia de ARNm	6.79 Abajo	1.29E-02
	AL119769	DKFZp761E1224_r1 761 (sinónimo: hamy2) Homo sapiens ADNc clon DKFZp761E1224 5, secuencia de ARNm	6.78 Abajo	2.52E-03
20				
25	NM_052997	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 30A (ANKRD30A), ARNm	6.78 Abajo	2.45E-03
	NM_024704	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 23 (C200f23), ARNm	6.76 Abajo	7.45E-04
	NM_000495	Homo sapiens colágeno, tipo IV, alfa 5 (síndrome de Alport) (COL4A5), variante de transcripción 1, ARNm	6.74 Abajo	4.77E-03
30				
35	BX102895	BX102895 Soares bazo hígado fetal 1NFLS ADNc Homo sapiens IMAGp998118520 clon; IMAGEN: 242009, secuencia de ARNm	6.7 Abajo	3.04E-04
40	BU753362	UI-1-BB1-air-h-09-0-UI.s1 NCI_CGAP_P15 Homo sapiens clon de ADNc UI-1-BB1-air-h-09-0-UI3, secuencia de ARNm	6.7 Abajo	7.42E-05
45	AA190552	zp86b11.s1 Célula Stratagene HeLa s3 937216 Homo sapiens ADNc clon IMAGE:627069 3, secuencia de ARNm	6.67 Abajo	1.26E-03
50	NM_004024	Homo sapiens factor de activación de transcripción 3 (ATF3), ARNm	6.66 Abajo	3.12E-03
	NM_144650	Homo sapiens deshidrogenasa de alcohol, que contiene hierro, 1 (ADHFE1), ARNm	6.65 Abajo	1.45E-04
55				
	NM_002800	Homo sapiens proteasoma (prosome, macropain) subunidad, tipo beta, 9 (proteasa grande multifuncional 2) (PSMB9), variante de transcripción 1, ARNm	6.63 Abajo	1.70E-04
60				
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_021977	Homo sapiens familia transportista soluto 22 (transportador de monoamina extraneuronal), miembro 3 (SLC22A3), ARNm	6.62 Abajo	2.05E-03
10	AW516579	xq01f06.x1 Soares_N HCeC_cervical_tumor Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2748611 3, secuencia de ARNm	6.62 Abajo	4.65E-03
15	A1311296	ta48dl0.x2 NCI_CGAP_Lu25 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2047315 3, secuencia de ARNm	6.61 Abajo	1.72E-03
20	BC040204	Homo sapiens, clonIMAGEN: 482i815, ARNm	6.61 Abajo	5.66E-04
25	AA340011	EST45155 Homo sapiens piel fetal ADNc de 5 fin, secuencia de ARNm	6.58 Abajo	6.30E-05
30	NM_025044	Homo sapiens homólogo C bicaudal 1 (Drosophila) (BICC1), ARNm	6.57 Abajo	6.30E-05
35	BX111520	BX111520 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998L15208; IMAGE:141470, secuencia de ARNm	6.57 Abajo	1.70E-03
40	AW444925	UI-H-BI3-ajz-f-09-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub5 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2733473 3, secuencia de ARNm	6.52 Abajo	2.55E-03
45	NM_003475	Homo sapiens cromosoma 11 marco de lectura abierto 13 (C11orf13), ARNm	6.5 Abajo	5.88E-04
50	AK124778	ADNc Homo sapiens FLJ42788 fis, clon BRAWH3007129	6.48 Abajo	8.61E-04
55	NM_024563	Homo sapiens proteína hipotética FLJ14054 (FLJ14054), ARNm	6.44 Abajo	4.72E-03
60	NM_002214	Homo sapiens integrina, beta 8 (ITGB8), ARNm	6.43 Abajo	8.46E-05
65	NM_178814	Homo sapiens complejo de proteínas relacionado a adaptador 1, sigma 3 subunidad (AP1S3), ARNm	6.42 Abajo	1.78E-04
	A1831068	wj62d12.xl NCI_CGAP_Lu19 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2407415 3, secuencia de ARNm	6.41 Abajo	3.72E-04
	NM_000186	Homo sapiens factor de complemento H (CFH), ARNm	6.39 Abajo	1.74E-03
	NM_000216	Homo sapiens síndrome Kallmann 1 secuencia (KAL1), ARNm	6.37 Abajo	8.59E-05
	NM_015478	Homo sapiens I (3) mbt similar a (Drosophila) (L3MBTL), variante de transcripción I, ARNm	6.36 Abajo	7.22E-05

ES 2 569 421 T3

5	BX096609	BX096609 Soares retina N2b4HR Homo sapiens clon de ADNc IMAGp9981_12439; IMAGEN: 221339, secuencia de ARNm	6.36 Abajo	1.24E-03
10	NM_030970	Homo sapiens proteína hipotética MGC3771 (MGC3771), ARNm	6.34 Abajo	1.69E-04
15	BQ007085	IU-H-EI1-AZC-k-11-0-UI.s1 NCI_CGAP_EI1 Homo sapiens clon de cDNA IMAGE:5846914 3, secuencia de ARNm	6.33 Abajo	1.19E-04
20	BC039329	Homo sapiens, clon IMAGE: 5267606, ARNm	6.33 Abajo	6.61E-03
25	NM-001165	Homo sapiens IAP de baculovirus que contiene repetición 3 (BIRC3), variante de transcripción 1, ARNm	6.33 Abajo	3.42E-03
30	NM_004165	Homo sapiens Ras relacionado asociado con diabetes (RRAD), ARNm	6.33 Abajo	4.68E-03
35	NM_001928	Homo sapiens componente D de complemento (adipsina) (DF), ARNm	6.32 Abajo	3.68E-03
40	NM_018670	Homo sapiens mesodermo posterior 1 (MESP1), ARNm	6.31 Abajo	5.76E-03
45	NM_153229	Homo sapiens proteína hipotética FLJ33318 (FLJ33318), ARNm	6.31 Abajo	2.57E-03
50	AA912845	ol32a12.sl Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1525150 3, secuencia de ARNm	6.29 Abajo	1.13E-03
55	AK127437	ADNc Homo sapiens FLJ45529 fis, clon BRTHA2027546	6.28 Abajo	3.37E-04
60	NM_020836	Homo sapiens proteína asociada a quinasa enriquecida de cerebro guanilato (K1AA1446), ARNm	6.27 Abajo	6.60E-03
65	AL512697	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp547F134 (a partir del clon DKFZp547F134)	6.25 Abajo	1.36E-03
	NM_005211	Homo sapiens factor de receptor 1 estimulador de colonia, anteriormente sarcoma felino viral McDonough (v-fms) oncogén homólogo (CSF1R), ARNm	6.24 Abajo	5.07E-04
	AK124776	ADNc Homo sapiens FLJ42786 fis, clon BRAWH3006761	6.2 Abajo	1.15E-04
	NM_173662	Homo sapiens proteína hipotética LOC285533 (LOC285533), ARNm	6.18 Abajo	1.05E-02
	NM_014391	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 1 (músculo cardíaco) (ANKRD1), ARNm	6.18 Abajo	3.52E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_005860	Homo sapiens similar a follistatina 3 (Glicoproteína secretada) (FSTL3), ARNm	6.18 Abajo	5.23E-05
10	NM_001045	Homo sapiens familia transportista soluto 6 (Transportador de neurotransmisores, serotonina), miembro 4 (SLC6A4), ARNm	6.17 Abajo	5.46E-03
15	NM_002147	Homo sapiens homeobox B5 (HOXB5), ARNm	6.17 Abajo	1.05E-04
20	A1288404	qv89b0l.xl NCI_CGAP_Ut2 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1988713 3, secuencia de ARNm	6.16 Abajo	3.74E-04
25	NM_173584	Homo sapiens proteína hipotética MGC45840 (MGC45840), ARNm	6.16 Abajo	1.32E-04
30	N62729	yz76g05.sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMS P Homo sapiens clon ADNc IMAGE: 289016 3, secuencia ARNm	6.12 Abajo	1.37E-03
35	AK024238	ADNc Homo sapiens FLJ14176fis, clon NT2RP2003101	6.11 Abajo	9.69E-05
40	NM_001843	Homo sapiens contactina 1 (CNTN1), variante de transcripción 1, ARNm	6.1 Abajo	4.80E-03
45	NM_152433	Homo sapiens repetición de kelch y BTB (POZ) de dominio que contiene 3 (KBTBD3), variante de transcripción 1, ARNm	6.1 Abajo	2.39E-03
50	BX649112	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686EO2109 (a partir del clon DKFZp686EO2109)	6.1 Abajo	2.24E-04
55	AA411988	zt65g11.s1 Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 727268 3, secuencia de ARNm	6.09 Abajo	1.40E-03
60	R80806	yi94f0l.s1 Soares_placenta_Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 146905 3, secuencia de ARNm	6.08 Abajo	1.54E-04
65	NM_002843	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, de tipo receptor, J (PTPRJ), ATNm	6.08 Abajo	6.54E-03
	NM_003979	Homo sapiens acoplado a proteína G receptor, la familia C, grupo 5, miembro A (GPCR5A), ARNm	6.06 Abajo	8.75E-03
	AW129281	xf23a03.xl NCI_CGAP_Kid8 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2618860 3 similar a PLASMA X58295_mal: gb PERÓXIDO PRECURSOR DE GLUTATION (HUMANO); secuencia de ARNm	6.06 Abajo	1.70E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_015345	Homo sapiens activador asociado desgredado de morfogénesis 2 (DAAM2), ARNm	6.05 Abajo	1.09E-03
10	L07615	Neuropéptido humano Y receptor de Y1 (NPYY1) ARNm, el exón 2-3 y cds completo	6.05 Abajo	5.51E-03
15	NM_016179	Homo sapiens receptor transitorio potencial canal catiónico, subfamilia C, miembro 4 (TRPC4), ARNm	6.04 Abajo	8.59E-05
	NM-182797	Homo sapiens fosfolipasa C, beta 4 (plcb4), variante de transcripción 2, ARNm	6.03 Abajo	4.40E-04
20	AB032945	Homo sapiens proteínas ARNm para KIAA1119, cds parcial	6.03 Abajo	1.11E-02
25	CA444471	UI-H-DPO-avv-a-16-0-UI.sINCI_CGAP_Fsl Homo sapiensclon de ADNc UI-H-DPO-AVV-a-1-6-0 UI3, secuencia de ARNm	6.02 Abajo	1.02E-03
30	AK127421	ADNc Homo sapiens FLJ4551 3 fis, BRTHA2O2145O clon	6.01 Abajo	1.60E-04
	AV736303	AV736303 CB ADNc Homo sapiens clon CBCAJDO4 5, secuencia de ARNm	6.01 Abajo	8.97E-05
35	BX537613	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686E11117 (a partir del clon DKFZp686E11117)	6 Abajo	4.89E-04
	AB023211	Homo sapiens ARNm proteínas para KIAA0994, cds parcial	5.99 Abajo	5.50E-04
40	NM_018349	Homo sapiens múltiples dominios C2 con dos regiones transmembrana 2 (MCTP2), ARNm	5.99 Abajo	2.48E-04
45	NM_000087	Homo sapiens canal alfa cerrado de nucleótidos cíclicos 1 (CNGAI), ARNm	5.98 Abajo	3.29E-03
50	BF939416	nad89cO2xl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN-.3410667 3, secuencia de ARNm	5.97 Abajo	9.03E-04
55	NM_013951	Homo sapiens gen cuadrado emparejado 8 (PAX8), variante de transcripción PAX8B, ARNm	5.97 Abajo	2.57E-03
60	AW195474	xn38g09.xl NCICGAP_KidII Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2696032 3, secuencia de ARNm	5.97 Abajo	1.68E-04
65	R40050	y168h07.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 27726 3, secuencia de ARNm	5.94 Abajo	5.78E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_021101	Homo sapiens claudina I (CLDN1), ARNm	5.9 Abajo	2.60E-04
	AA602964	no97c02.sl NCI_CGAP_Pr2 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1114754, secuencia de ARNm	5.9 Abajo	1.23E-03
10	NM_006255	Homo sapiens proteína quinasa C, eta (PRKCH), ARNm	5.89 Abajo	2.78E-04
15	NM_024103	Homo sapiens soluto transportista familia 25 (portador mitocondrial; fosfato portador), miembro de 23 (SLC25A23), ARNm	5.89 Abajo	7.42E-05
20	AK093870	ADNc Homo sapiens FLJ36551 fis, clonar TRACH2008127	5.88 Abajo	2.28E-02
	BE070450	0V4-BT0407-020300-122-d08 BT0407 ADNc Homo sapiens, secuencia de ARNm	5.85 Abajo	3.53E-04
25	NM_003706	Homo sapiens fosfolipasa A2, grupo IVC (citosólica, calcio independiente) (PLA2G4C), ARNm	5.85 Abajo	7.81E-04
30	NM_023927	Homo sapiens VHC NS3- proteína transactivado 2 (NS3TP2), ARNm	5.85 Abajo	2.64E-03
35	AF519622	Homo sapiens no codificantes de secuencia de ARNm	5.84 Abajo	7.70E-03
	NM_198582	Homo sapiens proteína FLJ43374 (FLJ43374), ARNm	5.84 Abajo	4.05E-03
40	AK026283	ADNc Homo sapiens: FLJ22630 fis, clon HS106250	5.84 Abajo	5.32E-04
	CB115754	K-EST0159876 L8SCKO Homo sapiens cDNA clon L8SCKO-8-H08 5, secuencia de ARNm	5.81 Abajo	9.71 E-04
45	BQ188285	UI-E-EJ1-ajp-n-20-O-UI RI D I-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJ1-AJP-n-20-O-UI 5, secuencia de ARNm	5.8 Abajo	5.47E-03
50	NM_003662	Homo sapiens Pirin (hierro vinculante proteína nuclear) (PIR), ARNm	5.78 Abajo	1.71E-04
	BX098660	BX098660 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998LO3214; IMAGE: 143762 secuencia de ARNm	5.77 Abajo	6.00 E-04
55				
60	NM_005360	Homo sapiens músculoaponeurótico homólogo v-maf fibrosarcoma oncogén (aviar) (MAF), ARNm	5.77 Abajo	2.24E-04
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_031847	Homo sapiens proteína asociada microtúbulos 2 (MAP2), variante de transcripción 4, ARNm	5.77 Abajo	1.34E-03
5				
	NM_003057	Homo sapiens familia transportista soluto 22 (transportador de cationes orgánicos), miembro 1 (SLC22A1), variante de transcripción 1, ARNm	5.75 Abajo	2.42E-04
10				
	AW242323	xm9GfO3.xl NCI_CGAPKId1 1 Homo sapiens clon de ADNm IMAGE: 2692061 3 similar a repetitivo Alu contiene elemento ;, secuencia de ARNm	5.74 Abajo	1.92E-04
15				
	NM_052890	Homo sapiens proteína de reconocimiento de peptidoglicano 2 (PGLYRP2), ARNm	5.73 Abajo	1.14E-04
20				
	NM_000593	Homo sapiens transportador 1, ATP de unión de cassette, subfamilia B (MDRITAP) (TAP1), ARNm	5.72 Abajo	4.86E-03
25				
	NM_033132	Homo miembro de sapiensZicfamily 5 (homólogo apareadas impar, Drosophila) (ZIC5), ARNm	5.71 Abajo	1.76E-04
30				
	AL832380	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp451 Li 57 (a partir del clon DKFZp451L157)	5.71 Abajo	1.54E-04
	NM_183376	Homo sapiens arrestina dominio que contiene 4 (ARRDC4), ARNm	5.71 Abajo	5.88E-04
35				
	NM_018700	Homo sapiens tripartita motif- que contiene 36 (TRIM36), ARNm	5.7 Abajo	1.32E-02
	NM_000782	Homo sapiens P450 del citocromo, de la familia 24, subfamilia A, polipéptido 1 (CYP24A1), gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm	5.69 Abajo	1.82E-02
40				
	BC035805	Homo sapiens reclutamiento de caspasas dominio de la familia, elemento 9, ARNm (clon de cDNA IMAGE-0,5745585), cds parcial	5.68 Abajo	4.00E-03
45				
	BC051727	BC051727 ADNc Homo sapiens clonar IMAGE.-5.265.929, cds parcial	5.68 Abajo	5.13E-04
50				
	NM_022842	Homo sapiens CUB dominio que contiene la proteína 1 (CDCP1), variante de transcripción 1, ARNm	5.68 Abajo	1.85E-03
	NM_004335	Homo sapiens médula ósea del estroma antígeno de las células 2 (BST2), ARNm	5.67 Abajo	6.01E-03
55				
	NM_053039	Homo sapiens UDP glicosiltransferasa 2 familia, B28 polipéptido (U0T2B28), ARNm	5.66 Abajo	8.07E-03
	NM_004529	Homo sapiens mieloides / linfoides o leucemia de linaje mixto (homólogo trithorax, Drosophila); translocado a, 3 (MLLT3), ARNm	5.66 Abajo	4.02E-04
60				
65				

ES 2 569 421 T3

5	AK093069	ADNc Homo sapiens FLJ35750 fis, clon TEST12004539, débilmente similar a adican Homo sapiens ARNm	5.65 Abajo	1.10E-03
10	NM_005141	Homo sapiens fibrinógeno, B beta polipéptido (FGB), ARNm	5.63 Abajo	7.89E-04
15	NM_000682	Homo sapiens adrenérgico alfa-2B receptor (ADRA2B), ARNm	5.61 Abajo	1.14E-04
20	BF512326	UI-H-BW1-amb-g-12-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub7 Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 3069503 3, secuencia de ARNm	5.6 Abajo	1.49E-04
25	NM_003726	Homo sapiens familia src asociada fosfoproteína 1 (SCAP1), ARNm	5.6 Abajo	2.42E-03
30	AK024261	ADNc Homo sapiens FLJ14199 fis, clon NT2RP300271 3	5.6 Abajo	4.42E-04
35	AK125695	ADNc Homo sapiens FLJ43707 fis, TESOP2001 clon 865	5.59 Abajo	1.10E-02
40	NM_006074	Homo sapiens tripartita motif- que contiene 22 (TRIM22), ARNm	5.58 Abajo	1.94E-03
45	AW591461	x192h06.xl NCI CGAP UT1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2682203 3, secuencia de ARNm	5.58 Abajo	1.95E-02
50	NM_022128	Homo sapiens ribokinase (RBKS), ARNm	5.58 Abajo	1.87E-04
55	N66105	yy65e06.sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP clon ADNc Homo sapiens IMAGE: 278434 3, secuencia de ARNm	5.57 Abajo	2.84E-04
60	BC035116	Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5263177, cds parcial	5.56 Abajo	5.49E-04
65	BM988642	UI-H-DHO-ARX-p-21-0-UI SI NCI_CGAP_DH0 Homo sapiens clon de cDNA IMAGE: 5855492 3, secuencia de ARNm	5.56 Abajo	2.48E-03
70	NM_003947	Homo sapiens proteína que interactúan con proteína asociadas a huntingtina (dúo) (HAPIP), ARNm	5.56 Abajo	9.71E-04
75	AI697906	wel8fO6.xl NCLCGAP Lu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2341475 3, secuencia de ARNm	5.56 Abajo	3.52E-03
80	AK095399	ADNc Homo sapiens FLJ38080 fis, clon CT0NG2016185	5.55 Abajo	7.43E-03
85	AL110252	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp566A1046 (a partir del clon DKFZp566A1 046)	5.54 Abajo	3.44E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_024572	Homo sapiens UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina: polipéptido N -acetyl galactosam inyltransferase 14 (GalNAc-T14) (GALNT14), ARNm	5.54 Abajo	5.93E-03
10	NM_000775	Homo sapiens P450 citocromo, familia 2, J subfamilia, polipéptido 2 (CYP2J2), ARNm	5.53 Abajo	1.57E-03
15	NM_018317	Homo sapiens proteína hipotética FLJ11082 (FLJ11082), ARNm	5.51 Abajo	5.10E-04
20	NM_030915	Homo sapiens probable ortholog de ratón extremidad del brote y el gen del corazón (LBH), ARNm	5.51 Abajo	6.86E-04
25	NM_139241	Homo sapiens FYVE, RhoGEF y dominio PH que contiene 4 (FGD4), ARNm	5.5 Abajo	9.42E-03
30	CB047092	NISC_gfO8fO3.xl NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 3253013 3, secuencia de ARNm	5.5 Abajo	5.38E-04
35	NM_005711	Homo sapiens repeticiones similar a EGF dominios similares a discoide 1 3 (igual que los dominios EDIL3), ARNm	5.5 Abajo	6.04E-04
40	AA974968	onO2eO8.sl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1555526 3, secuencia de ARNm	5.49 Abajo	1.63E-03
45	NM_000I29	Homo sapiens factor de coagulación XIII, AI polipéptido (F13A11), ARNm	5.49 Abajo	1.09E-02
50	NM_007366	Homo sapiens la fosfolipasa A2 receptor 1, I80kDa (PLA2R1), variante de transcripción 1, ARNm	5.47 Abajo	4.66E-03
55	AL353944	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp761J1112 (a partir del clon DKFZp761J1112)	5.46 Abajo	5.38E-04
60	AK095647	ADNc Homo sapiens FLJ38328 fis, clon FCBBF3025142	5.46 Abajo	1.61E-03
65	BQ188860	IU-E-EJ1-ajx-h-03-0-UI.r1 UI-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJ1-AJX-h-03-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.46 Abajo	3.33E-03
	NM_017594	Homo sapiens familia DIRAS, GTP unión RAS-como 2 (DIRAS2), ARNm	5.44 Abajo	1.22E-02
	NM_014399	Homo sapiens transmembrana 4 miembro de la superfamilia 13 (TM4SF1 3), ARNm	5.43 Abajo	2.64E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_033255	Homo sapiens estroma epitelial interacción 1 (mama) (EPST11), ARNm	5.43 Abajo	1.73E-03
10	AW269270	xs35cll.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2771636 3 similar a contiene L1.13 L1 elemento repetitivo secuencia de ARNm	5.42 Abajo	1.33E-03
15	AK092456	ADNc Homo sapiens FLJ351 37 fis, clon PLACE6009419	5.42 Abajo	1.09E-04
20	NM_031935	Homo sapiens hemicentina (FIBL-6), ARNm	5.42 Abajo	7.69E-04
25	BU751966	UI-1-BBO-acy-c-09-0-UI.sl NCI_CGAP_P14 Homo sapiens clon de ADNc UI-1-BBO-ACY-c-09-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.4 Abajo	1.61 E-03
30	NM_001747	Homo sapiens proteína tapada (filamento de actina), gelsolina- como (CAPG), ARNm	5.4 Abajo	1.33E-03
35	NM_002260	Homo sapiens células asesinas lectina subfamilia de receptores C, miembro 2 (KLRC2), ARNm	5.4 Abajo	1.21E-02
40	AA732841	zg77fOi.sl Soares corazón fetal NbHH19W Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 399385 3, secuencia de ARNm	5.4 Abajo	3.48E-03
45	AK055468	ADNc Homo sapiens FLJ30906 fis, clon FEBRA2006O55	5.4 Abajo	1.36E-03
50	A1080164	oz48c05.xl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1678568 3, secuencia de ARNm	5.38 Abajo	2.44E-03
55	NM_005562	Homo sapiens mm lam, gamma 2 (LAMC2), variante de transcripción 1, ARNm	5.38 Abajo	3.78E-04
60	NM_080659	Homo sapiens similar a RIKEN gen cDNA 2310030G06 (MGC14839), ARNm	5.36 Abajo	3.81E-03
65	NM_015085	Homo sapiens GTPasa activación Rap / RanGAP dominio 4 similar a (GARNL4), ARNm	5.36 Abajo	1.86E-04
	BX097034	BX097034 Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998F14169; IMAGE: 39685, secuencia de ARNm	5.36 Abajo	8.59E-05
	NM_002147	Homo sapiens homeobox B5 (HOXB5), ARNm	5.35 Abajo	8.21E-05
	NM_181785	Homo sapiens proteína hipotética LOC283537 (LOC283537), ARNm	5.33 Abajo	3.48E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_032857	Homo sapiens lactamasa, beta (LACTB), codificación de genes nucleares proteína mitocondrial, variante de transcripción 1, ARNm	5.33 Abajo	2.45E-04
10	BX113144	BX113144 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998NO7225; IMAGE: 148038, secuencia de ARNm	5.32 Abajo	1.53E-03
15	NM_014905	Homo sapiens glutaminasa (GLS), ARNm	5.31 Abajo	1.63E-03
20	NM_138396	Homo sapiens membrana asociada RING-CH de la proteína IX (marzo-IX), ARNm	5.31 Abajo	1.39E-04
25	NM_004433	Homo sapiens E74-similar a factor 3 (dominio del factor de transcripción ETS, epitelial específico) (ELF3), ARNm	5.3 Abajo	5.32E-05
30	AA553553	nk78dl1.s1 NCI_CGAP_Schl ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 1019637 3, secuencia de ARNm	5.27 Abajo	1.69E-03
35	AW188195	xj93e12.xi SoaresNFLTGBCSi ADNc clon Homo sapiens IMAGE:2664814 3 similar al contiene elemento THR elemento repetitivo ;, secuencia ARNm	5.27 Abajo	5.32E-05
40				
45	NM_006169	Homo sapiens nicotinamida N metiltransferasa (NNMT), ARNm	5.26 Abajo	7.45E-05
50	NM_000071	Homo sapiens cistationina-betasynthase (CBS), ARNm	5.26 Abajo	1.49E-03
55	NM_001958	Homo sapiens traducción eucariótica factor de elongación 1 alfa 2 (eEF1A2), ARNm	5.25 Abajo	5.20E-03
60	AK055356	Homo sapiens ADNc clon FLJ30794 fis, FEBRA2001O93, débilmente similar a TRANSPORTADOR de monocarboxilato 4	5.25 Abajo	8.65E-04
65	NM_014578	Homo sapiens ras familia gen homólogo, el miembro D (RHOD), ARNm	5.24 Abajo	5.43E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_013230	Homo sapiens antígeno CD24 (pulmón de células pequeñas carcinoma de clúster 4 antígeno) (CD24), ARNm	5.22 Abajo	7.65E-04
10	AF086158	Homo sapiens duración ADNc clon inserte ZB72E12	5.2 Abajo	6.04E-03
15	NM_004932	Homo sapiens cadherina 6, tipo 2, K cadherina (riñón fetal) (CDH6), ARNm	5.18 Abajo	2.11E-04
20	NM_020466	Homo sapiens proteína hipotética dJ122O8.2 (DJ12208.2), ARNm	5.18 Abajo	2.99E-03
25	AL117425	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp566L203 (del clon DKFZp566L203)	5.17 Abajo	8.64E-03
30	A1732568	zo23dl2.x5 Stratagene colon (#937204) ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 587735 3, secuencia de ARNm	5.17 Abajo	9.19E-04
35	A1150192	qf34d12.xl Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1751927 3, secuencia de ARNm	5.17 Abajo	1.21E-02
40	AK125852	ADNc Homo sapiens FLJ43864 fis, TEST14007799 clon	5.17 Abajo	4.82E-03
45	NM-017912	Homo sapiens dominio hect y RLD 6 (HERC6), ARNm	5.15 Abajo	3.63E-04
50	NM_006174	Homo sapiens neuropéptido Y receptor Y5 (NPY5R), ARNm	5.14 Abajo	1.13E-02
55	AK025281	ADNc Homo sapiens: 628FLJ21 fis, clon COL08076	5.14 Abajo	9.71E-04
60	NM_153742	Homo sapiens cistationasa (Cistationina gamma-liasa) (CTH), variante de transcripción 2, ARNm	5.12 Abajo	1.27E-04
	NM_003107	Homo sapiens SRY (región determinante de sexo Y)-box 4 (SOX4), ARNm	5.11 Abajo	3.48E-04
	NM_003948	Homo sapiens dependiente de ciclina quinasa 2 (relacionados con la quinasa Cdc2)(CDKL2), ARNm	5.11 Abajo	2.05E-03
	NM_173660	Homo sapiens proteína hipotética FLJ33718 (FLJ33718), ARNm	5.11 Abajo	1.30E-03
	A1693580	wl2dOl.xi NCI_CGAPCo3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2327905 3, secuencia de ARNm	5.1 Abajo	6.19E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_004482	Homo sapiens UDP-N-acetil-alfa D-galactosamina: polipéptido N - acetilgalactosaminiltransferasa 3 (GalNAc-T3) (GALNT3), ARNm	5.1 Abajo	2.31E-03
10	NM_030965	Homo sapiens sialiltransferasa 7 ((Alfa-N-acetilneuram inil-2,3- betagalactosil-1, 3) -N-acetil galactosaminida alfa-2,6- sialiltransferasa) E (SIAT7E), ARNm	5.1 Abajo	2.61E-04
15	NM_016147	Homo sapiens proteína fosfatasa metil esterasa-1 (PME-1), ARNm	5.09 Abajo	9.71E-04
20	NM_006259	Homo sapiens proteína quinasa, dependiente de GMPc, tipo II (Prkg2), ARNm	5.08 Abajo	1.36E-03
25	NM_002993	Homo sapiens quimiocina (C-X-C motivo) ligando 6 (granulocitos proteína quimiotáctica 2) (CXCL6), ARNm	5.07 Abajo	2.32E-03
30	BE671338	7e49f03.xl NCI CGAPLu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 3285821 3, secuencia de ARNm	5.07 Abajo	1.28E-02
35	BX647256	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686K0753 (del clon DKFZp686K0753)	5.07 Abajo	2.05E-02
40	BG186566	RST5534 Athersys RAGE Biblioteca ADNc Homo sapiens, secuencia de ARNm	5.05 Abajo	8.91E-04
45	AV652758	AV652758 GLC Homo sapiens clon de ADNc GLCDDGO5 3, secuencia de ARNm	5.04 Abajo	1.05E-03
50	A1672441	waO3cO3.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2296996 3, secuencia de ARNm	5.04 Abajo	1.11E-02
55	AA769642	ob2OhO4.sl NCI_CGAP_Kid5 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1324279 3, secuencia de ARNm	5.02 Abajo	1.59E-02
60	AL706653	DKFZp686E1543_rl 686 (sinónimo hlcc3) Homo sapiens clon de ADNc DKFZp686E1 543 5, secuencia de ARNm	5.02 Abajo	1.09E-03
65	AW296834	UI-H-B12-ahz-a-10-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub4 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2728243 3, secuencia de ARNm	5.01 Abajo	5.93E-03

TABLA VII B: GENES QUE FUERON EXPRESADOS DIFERENCIALMENTE AL MENOS 5 VECES EN EL EPITELIO FRENTE A LAS CÉLULAS DE FIBROBLASTOS

5	Identificador de gen	Nombre de gen	Cambio de pliegue medio en células de fibroblasto versus AF	Dirección	P-valor adj.
10	NM_018658	Homo sapiens de potasio hacia el interior rectificar canal, subfamilia J, miembro 16 (KCNJ16), variante de transcripción 1, ARNm		481.28 UP	2.64E-05
15	NM_014358	Homo sapiens de tipo C (dependiente de calcio, el dominio de reconocimiento de carbohidratos) lectina, miembro de la superfamilia 9 (CLECSF9), ARNm		375.12 UP	6.56E-05
20	AB032980	ARNm de Homo sapiens para la proteína KIAA1154, cds parcial		331.92 UP	1.60E-05
25	BG219729	RST39494 Athersys RAGE Biblioteca ADNc Homo sapiens, secuencia de ARNm		316.78 UP	8.39E-06
30	NM_002899	Homo sapiens proteína de unión a retinol 1, celular (RBP1), ARNm		314.6 UP	5.37E-05
35	NM_007038	Homo sapiens a tipo desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 motif, 5 (agrecanasa-2) (ADAMTS5), ARNm		280.99 UP	1.26E-05
40	NM_002423	Homo sapiens matriz metaloproteasa 7 (Matrilisina, uterina) (MMP7), ARNm		269.82 UP	8.65E-06
45	NM_001977	Homo sapiens glutamil aminopeptidasa (Aminopeptidasa A) (ENPEP), ARNm		242.27 UP	5.43E-05
50	D29453	HUMNK566 humana de queratinocitos epidérmicos Homo sapiens clon 566 de ADNc, secuencia de ARNm		208.36 UP	1.72E-05
55	NM_024508	Homo sapiens dedo de zinc, dominio BED que contiene 2 (ZBED2), ARNm		168.99 UP	8.39E-06
60	A1335277	tb29h06.xl NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2055803 3, secuencia de ARNm		165.99 UP	8.46E-06
65	BE877764	601486331F1 NIH_MGC_69 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3888943 5, secuencia de ARNm		145.52 UP	2.36E-05
	A1765021	wh56c02.xl NCI_CGAP_KidII Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2384738 3, secuencia de ARNm		145.09 UP	1.15E-05
	NM_024726	Homo sapiens IQ motif que contiene con AAA dominio (BOA), ARNm		143.09 UP	8.39E-06

ES 2 569 421 T3

5	NM_004221	Homo sapiens natural killer transcripción celular 4 (NK4), ARNm	142.15 UP	1.88E-05
	NM_019000	Homo sapiens proteína hipotética FLJ20152 (FLJ20152), ARNm	131.23 UP	1.88E-05
10	NM_000104	Homo sapiens citocromo P450, familia 1, subfamilia B, potypeptide 1 (CYP1B1), ARNm	127.7 UP	1.51E-05
15	BM993116	UI-H-DT0-aty-f-17-0-UI.sl NCI_CGAP_DT0 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5866000 3, secuencia de ARNm	127.35 UP	4.13E-05
20	NM_031426	Homo sapiens cromosoma 9 de marco de lectura abierto 58 (C9orf58), variante de transcripción 1, ARNm	116.09 UP	3.82E-05
25	NM_152369	Homo sapiens proteína hipotética MGC45474 (MGC45474), ARNm	112.28 UP	2.18E-05
30	NM_003810	Homo sapiens tumor de factor de necrosis (ligando) superfamilia, miembro 10 (TNFSF10), ARNm	112.19 UP	2.96E-05
35	NM_023942	Homo sapiens proteína hipotética MGC3036 (MGC3036), ARNm	111.27 UP	1.15E-05
40	NM_005560	Homo sapiens lam mm, alfa 5 (LAMA5), ARNm	110.51 UP	1.37E-05
	NM_001453	Homo sapiens caja de cabeza de horquilla CI (FOXC1), ARNm	107.21 UP	1,15E-03
45	BU734212	UI-E-CQ1-agd-e-21-0-UI.sl UI-E-CQ1 Homosapiens clon de ADNc UI-E-CQ1-AGD-e-21-0-UI 3, secuencia de ARNm	103.23 UP	2.89E-05
50	AK026966	ADNc Homo sapiens: FLJ23313fis, clon HEP11919	103.17 UP	1.78E-05
55	CA425961	UI-H-FE1-beg-p-18-0-UI.sl NCI_CGAP_FE1 Homo sapiens clon de ADNc UI-H-FE1-Beg-p-18-0-UI 3, secuencia de ARNm	102.53 UP	6.21E-05
60	AK075003	ADNc Homo sapiens FLJ90522 fis, clonNT2RP40001O8, muy similar al gen humanopara la subunidad de neurofilamentos NF-L	101.8 UP	2.31E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_018265	Homo sapiens hipotética proteína FLJ1O9O1 (FLJ1O9OI), ARNm	99.41 UP	3.66E-05
10	AK058012	ADNc Homo sapiens FLJ25283 fis, clon STM06716	98.88 UP	9.08E-06
15	NM_004098	Homo sapiens espiráculos vacías homólogo 2 (Drosophila) (EMX2), ARNm	97.96 UP	4.13E-05
20	AK096481	ADNc Homo sapiens FLJ391 62 fis, clon 0CBBF2002376	94.93 UP	2.83E-05
25	NM_003238	Homo sapiens factor de crecimiento transformante, beta 2 (TGFB2), ARNm	91.63 UP	2.31E-05
30	A1244954	qj93h05.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 1867065 3, secuencia de ARNm	85.24 UP	1.78E-05
35	NM_173505	Homo sapiens anquirina dominio de repetición 29 (ANKRD29), ARNm	82.89 UP	3.53E-05
40	AK130281	ADNc Homo sapiens FLJ26771 nosotros, clon PRSO3189	82.02 UP	3.66E-06
45	NM_153026	Homo sapiens cosquilleo tipo 1 (Drosophila) (PRICKLE 1), ARNm	81.73 UP	1.78E-05
50	AK092401	ADNc Homo sapiens FLJ 35082 fis, clon PLACE6005351	79.69 UP	1.70E-05
55	ABO11539	Homo sapiens ARNm para la proteína MEGF6 (KIAAO815), cds parcial	79.31 UP	8.41E-05
60	NM_016356	Homo sapiens dominio doublecortin que contiene 2 (DCDC2), ARNm	78.04 UP	6.98E-05
65	AK023631	ADNc Homo sapiens FLJ13569 f es, clon PLACE1008369	77.68 UP	2.09E-05
	NM_024422	Homo sapiens desmocolina 2 (DSC2), variante de transcripción Dsc2a, ARNm	73.14 UP	7.38E-05
	BX648964	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686JO156 (A partir del clon DKFZp686JO156)	70.68 UP	6.92E-05
	T56535	yb33g07.rl Estratagene bazo fetal (# 937205) Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 73020 5, secuencia de ARNm	69.74 UP	2.03E-05

ES 2 569 421 T3

5	BG197054	RST16291 Athersys RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	69.48 UP	4.96E- 05
	NM_005949	Homo sapiens metalotioneína iF (funcional) (MT1F), ARNm	68.1 UP	2.03E- 05
10	AK090808	ADNc Homo sapiens FLJ33489 fis, clon BRAMY2003585	65.29 UP	2.87E- 05
15	CA306881	UI-H-FT1-bht-n-22-0-UI.sl NCI_CGAP_FT1 Homo sapiens clon de ADNc UI-H-FT1-BHT-n-22-0-UI 3, secuencia de ARNm	64.98 UP	2.93E- 05
20	NM_001448	Homo sapiens glipicano 4 (GPC4), ARNm	64.85 UP	2.45E- 04
	AL833276	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp451 D088 (A partir del clon DKFZp451 D088)	64.7 UP	1.98E- 05
25	BC044843	Homo sapiens proteína hipotética LOC339535, ARNm (clon de ADNc IMAGE: 5186761), cds parcial	63.8 UP	7.59E- 05
30	BF798098	RC 1-010045-021000-021-f02 C10045 Homo sapiens ADNm, secuencia de ARNm	58.58 UP	3.04E- 05
35	H89526	yw28b04.rl Morton fetal cóclea Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN-0.253519 5, secuencia de ARNm	56.92 UP	3.82E- 05
40	BF509573	IU-H-B14-APF-b-1-1-0 1 UIs NCI_CGAP_Sub8 Inicio sapiens clon de cDNA IMAGEN: 3086949 3, secuencia de ARNm	56.79 UP	2.83E- 05
45	NM_000990	Homo Sapiens proteína ribosomal L27a (RPL27A), ARNm	56.36 UP	1.73E- 05
50	BC042028	Homo sapiens, clon IMAGE: 4794726, ARNm	55.75 UP	1.64E- 05
	NM_003287	Homo sapiens proteína tumoral D52-1 similar (TPD52L1), variante de transcripción 1, ARNm	55.25 UP	8.46E- 06
55				
	NM_018168	Homo sapiens cromosoma 14 de marco de lectura abierto 105 (Ci4orf105), ARNm	54.64 UP	4.79E- 05
60				
	NM_152284	Homo sapiens Snf7 homólogo asociado con Alix 3 (Shax3), ARNm	54.16 UP	9.09E- 06
65				

ES 2 569 421 T3

5	AK096975	ADNc Homo sapiens FLJ39656 fis, clon SMNT2005956	54.14 UP	8.37E- 05
10	AI249696	qj64a03.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN-1864204 3, secuencia de ARNm	53.24 UP	7.14E- 05
15	NM_003551	Homo sapiens células no metastásicas 5, proteína expresada en (quinasa nucleósido-difosfato) (NME5), ARNm	53.01 UP	4.75E- 05
20	BX118238	BX118238 NCI_CGAP Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998L153800; IMAGEN: 1501598, secuencia de ARNm	51.99 UP	5.64E- 05
25	BX102632	BX1 02632 NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens IMAGp998J052307 clon de ADNc; IMAGEN: 928228, secuencia de ARNm	51.79 UP	9.10E- 05
30	AF055376	Homo sapiens factor de forma breve transcripción C-MAF (c-maf) de ARNm, cds completos	51.22 UP	3.94E- 05
35	NM_012464	Homo sapiens tolloid tipo 1 (TLL1), ARNm	51.19 UP	6.57E- 04
40	NM_030949	Homo sapiens proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) de la subunidad 14C (PPP1R14C), ARNm	49.96 UP	5.80E- 05
45	BM669002	IU-E-CK1-AFN-m-04-O-UI.s2 IU-E-CK1 Homo sapiens clon de ADNc de IU-E-CK1-AFN-m-04-0-UI 3, secuencia de ARNm	49.05 UP	1.78E- 05
50	NM_000582	Homo sapiens secretada fosfoproteína 1 (Osteopontina, sialoproteína ósea I, T temprana - la activación de linfocitos 1) (SPP1), ARNm	46.79 UP	6.18E- 05
55	NM_006722	Homo sapiens microftalmia asociada a factor de transcripción (MITF), variante de transcripción 3, ARNm	46.73 UP	1.26E- 05
60	NM_152423	Homo sapiens melanoma antígeno asociado (Mutado) 1 tipo 1 (MUMIL1), ARNm	46.24 UP	1.48E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	AA075748	zm89e04.rl Stratagene cáncer de ovario (# 937219) Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5451 18 5, secuencia de ARNm	45.76 UP	4.39E- 05
10	NM_017549	Homo sapiens no regulado en el gen de cáncer colorrectal 1 (UM), ARNm	45.18 UP	1.24E- 05
15	BF431030	7o18c06.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3574283 3 secuencia de ARNm	44.98 UP	7.75E- 05
20	NM_002245	Homo sapiens canal de potasio, K subfamilia, 1 miembro (KCNKI), ARNm	44.3 UP	4.65E- 05
25	NM_003494	Homo sapiens disferlina, extremidad faja muscular de 2B distrofia (autosómica recesiva) (DYSF), ARNm	44.23 UP	1-78E- 05
30	AK074097	ARNm Homo sapiens para la proteína FLJOO168	43.88 UP	7.31E- 05
35	NM_013410	Homo sapiens adenilato quinasa 3 (AK3), gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, variante de transcripción 2, ARNm	42.34 UP	2.96E- 05
40	AK000075	ADNc Homo sapiens FLJ20068 fis, clon COL01755	42.18 UP	1.35E- 04
45	NM-001200	Homo sapiens proteína morfogenética ósea 2 (BMP2), ARNm	41.13 UP	2.11E- 05
50	NM_032782	Homo sapiens virus de hepatitis A receptor celular 2 (HAVCR2), ARNm	41.13 UP	2.83E- 05
55	AWL51660	xf67d04.xl NCI_CGAP Gas4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2623111 3, secuencia de ARNm	40.6 UP	8.65E- 05
60	NM_130435	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, tipo de receptor, E (PTPRE), variante de transcripción 2, ARNm	40.41 UP	1.62E- 04
65	AA738254	3b02.sl nxl NCI_CGAP_GC3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: i255947 3, secuencia de ARNm	40.24 UP	2.43E- 05
70	AK124873	ADNc Homo sapiens FLJ42883 fis, clon BRH1P3006683	40.2 UP	1.25E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_000170	Homo sapiens glicina deshidrogenasa (Descarboxilación; glicina descarboxilasa, la escisión de glicina proteína del sistema P) (GLDC), ARNm	40.06 UP	4.98E- 05
10	AK125490	ADNc Homo sapiens FLJ43501 fis, clon PEBLM2004497	39.93 UP	1.64E- 04
15	NM_004862	Homo sapiens TNF inducida por lipopolisacárido los factores (LITAF), ARNm	39.52 UP	1.37E- 05
20	NM_004617	Homo sapiens transmembrana 4 superfamilia de miembro 4 (TM4SF4), ARNm	39.3 UP	9.32E- 05
25	NM_001263	Homo sapiens CDP-sintasa diacylglycerol (Citidililtransferasa fosfatidato) 1 (CDS1), ARNm	39.26 UP	3.44E- 05
30	AK000776	ADNc Homo sapiens FLJ20769 fis, clon COL06674	38.12 UP	2.83E- 05
30	AL833166	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686I2118 (A partir del clon DKFZp686I2118)	37.72 UP	1.14E- 04
35	NM_198488	Homo sapiens proteína FLJ46072 (FLJ46072), ARNm	37.66 UP	2.46E- 05
40	NM_005562	Homo sapiens laminina, gamma 2 (LAMC2), variante de transcripción 1, ARNm	37.4 UP	8.46E- 06
40	AW268540	xv5lelO.xl NCI_CGAP Lu28 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2816682 3, secuencia de ARNm	37.26 UP	5.82E- 05
45	NM_012198	Homo sapiens grancalcina, EF-mano de calcio proteína de unión (GCA), ARNm	36.52 UP	2.13E- 05
50	NM_020808	Homo sapiens señal inducida proliferación-asociada 1 como el 2 (SIPA1L2), ARNm	36.28 UP	9.39E- 05
55	NM_000927	Homo sapiens casete de unión a ATP, sub-familia B (MDRITAP), miembro 1 (ABCB1), ARNm	35.89 UP	2.20E- 04
60	AK127644	ADNc Homo sapiens FLJ45742 fis, clon KIDNE2016327	35.81 UP	3.60E- 04
65	NM_006158	Homo sapiens neurofilamentos, polipéptido ligero 68kDa (NEFL), ARNm	35.78 UP	2.64E- 05

ES 2 569 421 T3

5	AK074181	Homo sapiens ARNm para la proteína FLJ00254	35.75 UP	8.46E- 06
	BC043195	Homo sapiens clon de ADNm IMAGE: 5288757, cds parcial	35.12 UP	1.24E- 04
10	AL389942	Homo sapiens ARNm de longitud completa de cDNA insertar Euroimage clon 2005635	34.31 UP	1.37E- 04
15	BC045828	Homo sapiens zinc proteína de dedos 608, ARNm (IMAGE clon de ADNc: 5262896), cds parcial	34.02 UP	1.88E- 05
20	NM-153229	Homo sapiens hipotética proteína FLJ3331 8 (FLJ33318), ARNm	34.02 UP	9.39E- 05
25	NM_184087	Homo sapiens tripartita 55 que contiene motivo (TRIM55), variante de transcripción 4, ARNm	33.68 UP	2.18E- 05
30	NM_000216	Homo sapiens síndrome de Kallmann 1 secuencia de ARNm (KAL1),	33.32 UP	1.78E- 05
35	BF696790	602125323F1 NIH_MGC 56 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4282540 5, secuencia de ARNm	32.7 UP	5.00E- 05
40	NM_006598	Homo sapiens soluto transportista familia 12 (transportadores de potasio / cloruro), miembro 7 (SLC12A7), ARNm	32.41 UP	8.39E- 06
45	B0003401	IU-H-Eli -azd-j-23-0-UI.sl NCI_CGAP_EI1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5847286 3, secuencia de ARNm	32.41 UP	1.72E- 05
50	NM_003222	Homo sapiens factor de transcripción AP-2 gamma (Activación de promotor de la proteína de unión 2 gamma) (TFAP2C), ARNm	32.33 UP	4.75E- 05
55	NM_000599	Homo sapiens del factor de crecimiento similar a la insulina proteína vinculante 5 (IGFBP5), ARNm	32.1 UP	5.66E- 05
60	NM_198389	Homo sapiens pulmonar de tipo [celular membrana glicoproteína asociada (TIA-2), variante de transcripción 2, ARNm	31.44 UP	1.03E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_180991	Homo sapiens portador de soluto de aniones orgánicos transportador de la familia, miembro de 4C1 (SLCO4C1), ARNm	30.86 UP	3.05E-04
10	NM_031311	Homo sapiens carboxipeptidasa, similar a vitellogenico (CPVL), variante de transcripción 1, ARNm	29.97 UP	4.30E-05
15	NM_052947	Homo sapiens corazón alfa-quinasa (HAK), ARNm	29.53 UP	4.34E-05
20	H89053	yw24c06.rl Morton fetal cóclea Homo clon sapiens ADNm IMAGE: 253162 5, secuencia de ARNm	29.27 UP	2.78E-05
	A1819186	wj32dIO.xl NCI_CGAP_K1d12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2404531 3, secuencia de ARNm	29.14 UP	1.21E-04
25	NM_003761	Homo sapiens membrana asociada a vesículas proteína 8 (endobrevin) (VAMP8), ARNm	28.5 UP	7.47E-05
30	NM_080743	Homo sapiens serina-arginina proteína represora (35 kDa) (SRrp35), ARNm	27.83 UP	1.02E-05
35	NM_007069	Homo sapiens HRAS-como supresor de 3 (HRASLS3), ARNm	27.51 UP	6.86E-06
40	NM_002345	Homo sapiens lumican (LUM), ARNm	27.17 UP	2.20E-05
	BU569937	AGENCOURT_10399817 NIH_MGC_82 Homo sapiens cDNA clon IMAGE.-6618011 5, secuencia de ARNm	27.05 UP	3.20E-05
45	NM_024901	Homo sapiens proteína hipotética FLJ22457 (FLJ22457), ARNm	27.04 UP	5.37E-05
50	N25875	yw78d12.sl Soares_placenta_8to9weeks2N bHP8to9W Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 258359 3, secuencia de ARNm	26.94 UP	3.36E-05
55	NM_152573	Homo sapiens RAS y EF dominio mano que contiene (RASEF), ARNm	26.91 UP	4.75E-05
60	NM_018728	Homo sapiens miosina VC (MYO5C), ARNm	26.81 UP	4.47E-05
65	AB033048	Homo sapiens mRNA de la proteína KIAA1 222, cds parcial	26.76 UP	1.90E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_153256	Homo sapiens cromosoma 10 de lectura abierto el bastidor 47 (CIOorf47), ARNm	26.61 UP	2.48E-05
	BG221364	RST41175 Athersys RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	26.25 UP	2.06E-04
10	NM_000094	Homo sapiens colágeno, tipo VII, alfa 1 (epidermolisis bullosa distrófica, dominante y recesivo) (COL7A1), ARNm	26.16 UP	6.51E-05
	NM-001854	Homo sapiens colágeno, tipo XI, alfa 1, (COL11A1), variante de transcripción A, ARNm	25.88 UP	1.36E-04
15	BU740051	UI-E-E00-ahw-n-18-O-IJI.sl UI-E-E00 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-E00-ahw-n-1 8-0 3-UI , secuencia de ARNm	25.64 UP	5.14E-05
20	NM_014936	Homo sapiens ectonucleotide pirofosfatasa / fosfodiesterasa 4 (supuesta función) (ENPP4), la familia sapiens ARNm	25.62 UP	2.82E-04
	NM_024898	Homo con la similitud de secuencias 31, miembro C (FAM31C), ARNm	25.44 UP	7.17E-04
25	W93585	zd95gO i.sl Soares et al corazón Nbh Hola 9W Homo sapiens clon de cDNA IMAGE-0.357264 3, secuencia de ARNm	25.41 UP	1.78E-05
30	BF510493	BF510493 UI-H-1314-apa-b-08-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub8 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3086558 3, secuencia de ARNm	25.28 UP	2.11E-05
35	NM_020962	Homo sapiens probable orthotog de ratón vecino de Punc El I (No), ARNm	25.23 UP	7.99E-05
	NM_016212	Homo sapiens proteínas TP53TG3 (1P53TG3), ARNm	25.14 UP	4.07E-05
40	NM_021012	Homo sapiens de potasio hacia el interior rectificación de canal, subfamilia J, miembro 12 (KCNJ12), ARNm	24.7 UP	2.10E-04
45	NM_001935	Homo sapiens dipeptidil peptidasa 4 (CD26, proteína complejante de adenosina desaminasa 2) (DPP-4), ARNm	24.67 UP	8.46E-06
50	NM_001993	Homo sapiens factor de coagulación III (Tromboplastina, factor tisular) (F3), ARNm	24.47 UP	6.12E-05
55	NM_184087	Homo sapiens tripartita 55 que contiene motif (TRIM55), variante de transcripción 4, ARNm	24.38 UP	8.46E-06
60	AK056431	ADNc Homo sapiens FLJ31869 fis, clon NT2RP7002151	24.34 UP	2.73E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_000775	Homo sapiens citocromo P450, familia 2, subfamilia J, polipéptido 2 (CYP2J2), ARNm	24.04 UP	3.53E-05
10	NM_006722	Homo sapiens microftalmia asociada afactor de transcripción (MITF), variante de transcripción 3, ARNm	23.95 UP	5.23E-06
15	NM_001977	Homo sapiens glutamil aminopeptidasa (Aminopeptidasa A) (ENPEP), ARNm	23.91 UP	1.88E-05
20	AK058012	ADNc Homo sapiens FLJ25283 fis, clon STMO6716	23.55 UP	1.88E-05
25	BLJ680661	UI-CF-DUI-aaz-f-04-O-UI.sl IU-CF-DU1 Homo sapiens clon de ADNc 1 -aaz-f-04-0-UI DU-UI-CE 3, secuencia de ARNm	23.17 UP	1.82E-05
30	NM_002246	Homo sapiens canal de potasio, K subfamilia, miembro 3 (KCNK3), ARNm	22.96 UP	2.27E-05
35	NM_052923	Homo sapiens proteínas dedo de zinc de 452 (ZNF452), ARNm	22.72 UP	3.77E-05
40	NM_014373	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado a 160 (GPR160), ARNm	22.71 UP	3.94E-05
40	BX538226	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686E1944 (A partir del clon DKFZp686E1944)	22.58 UP	1.05E-04
45	NM_173660	Homo sapiens proteína hipotética FLJ33718 (FLJ33718), ARNm	22.46 UP	2.83E-05
50	NM_002354	Homo sapiens señal asociada al tumor calcio transductor 1 (TACSTD1), ARNm	21.97 UP	2.83E-05
55	NM_005822	Homo sapiens región crítica de síndrome de Down 1 gen tipo 1 (DSCR1L1), ARNm	21.78 UP	2.21E-04
55	W20132	zb4Ocl En Soares_parathyroid_tumor_NbHPA Homo sapiens Edna clon IMAGEN: 306066 5, secuencia de ARNm	21.76 UP	4.41E-04
60	NM_001680	Homo sapiens FXYP dominio que contiene iones regulador de transporte 2 (FXYP2), variante de transcripción a, ARNm	21.75 UP	3.26E-05

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_006379	Homo sapiens dominio sema, inmunoglobulina dominio (Ig), base de dominio corto, secretada, (Semaforina) 3C (SEMA3C), ARNm	21.57 UP	3.15E-05
10	H23441	ym52fl.sl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiensADNc clon IMAGE.-51888 3, secuencia ARNm	21.43 UP	3.51E-05
15	BG211832	RST31404 Athersys RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	21.35 UP	5.06E-05
20	N51335	yzl5eO8sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 283142 3, secuencia de ARNm	21.19 UP	6.92E-03
25	NM_022843	Homo sapiens protocadherina 20 (PCDH20), ARNm	21.17 UP	2.03E-05
30	NM_002521	Homo sapiens precursor del péptido natriurético B (NPPB), ARNm	21.01 UP	4.54E-04
35	NM_021101	Homo sapiens claudina 1 (CLDN1), ARNm	20.92 UP	3.04E-05
40	NM_004165	Homo sapiens relacionadas con ras asociadas con diabetes (DARL), ARNm	20.76 UP	6.04E-04
45	NM_005329	Homo sapiens hialuronano sintasa 3 (HAS3), variante de transcripción 1, ARNm	20.73 UP	4.13E-05
50	NM_138432	Homo sapiens serina deshidratasa similar (SDSL), ARNm	20.41 UP	7.27E-05
55	NM_004591	Homo sapiens quimiocina (motivo C-C) 20 ligando (CCL20), ARNm	20.34 UP	3.29E-04
60	NM_003063	Homo sapiens sarcolipin (SLN), ARNm	20.26 UP	1.18E-04
65	BU951469	1n60a05.x3 HR85 islote ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 6126249 3, secuencia de ARNm	20.02 UP	4.52E-04
70	A1436290	th8lcOl.xl Soares NhHMPu Si Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2125056 3, secuencia ARNm	19.92 UP	9.28E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_014452	Homo sapiens necrosis tumoral receptor del factor de super-familia, elemento 21 (TNFRSF21), ARNm	19.39 UP	2.96E- 05
10	AA099748	zl78c09.sl Stratagene dos puntos (# 937204) Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 510736 3, secuencia de ARNm	19.2 UP	1.78E- 05
15	NM_018354	Homo sapiens cromosoma 20 de lectura abierta 46 del bastidor (C200rf46), ARNm	18.87 UP	5.05E- 04
20	NM_194298	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácidos monocarboxílicos), miembro 9 (SLC16A9), ARNm	18.87 UP	9.82E- 03
25	NM_033554	Homo sapiens principal de histocompatibilidad complejo, clase II, DP alfa 1 (HLA-DPA1), ARNm	18.6 UP	5.61E- 04
30	NM_004524	Homo sapiens larvas letales de gigante homólogo 2 (Drosophila) (LLGL2), ARNm	18.45 UP	2.11E- 05
35	NM_032293	Homo sapiens GTPasa activación de Rap / RanGAP dominio 3 similar (GARNL3), ARNm	18.19 UP	2.24E- 04
40	NM_022842	Homo sapiens que contiene proteína de dominio CUB 1 (CDCP1), variante de transcripción 1, ARNm	18.14 UP	1.64E- 05
45	NM_000227	Homo sapiens laminina, alfa 3 (Lama3-), variante 2 transcripción, ARNm	18.04 UP	3.92E- 05
50	NM_000214	Homo sapiens dentada 1 (síndrome de Alagille) (JAG1), ARNm	18.03 UP	1.26E- 04
55	AK096580	ADNc Homo sapiens FLJ39261 fis, clon OCBBF2009391	17.89 UP	3.05E- 04
60	NM_014243	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 motivo, 3 (ADAMTS3), ARNm	17.86 UP	1.78E- 05
65	NM_000856	Homo sapiens guanilato ciclase 1, soluble, alpha 3 (GUCY1A3), ARNm	17.85 UP	1.19E- 04
70	NM_018404	Homo sapiens centaurin, alfa 2 (CENTA2), ARNm	17.8 UP	3.05E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_001165	Homo sapiens IAP de baculovirus repetidas que contiene 3 (BIRC3), variante de transcripción 1, ARNm	17.74 UP	2.56E- 04
10	NM_003706	Homo sapiens fosfolipasa A2, grupo IVC (Citosólica, independiente de calcio) (PLA2G4C), ARNm	17.65 UP	4.77E- 05
15	AK056882	ADNc Homo sapiens FLJ32320 fis, clonPR0ST2003537	17.65 UP	4.33E- 04
20	NM_017640	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina que contiene 16 (LRRC16), ARNm	17.43 UP	1.04E- 04
25	NM_000480	Homo sapiens adenosina monofosfato deaminasa (isoforma E) (AMPD3), ARNm	17.4 UP	1.15E- 05
30	BX103476	BX103476 NCI CGAP Lu5 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998C053946; IMAGE-.1557436, secuencia de ARNm	17.29 UP	7.13E- 05
35	NM_013427	Homo sapiens Rho GTPasa de la proteína activadora 6 (ARHGAP6), variante de transcripción 1, ARNm	17.27 UP	1.48E- 04
40	S70348	Homo sapiens integrina beta 3 ARNm, cds parcial, alternativamente empalmados	17.24 UP	3.37E- 05
45	NM_032024	Homo sapiens cromosoma 10 marco de lectura abierto II (CI0orfil), ARNm	16.95 UP	3.03E- 05
50	BM988642	UI-H-DHO-ARX-p-21-O-UI.si NCI_CGAP_DHO Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5855492 3, secuencia de ARNm	16.94 UP	1.94E- 04
55	NM_021102	Homo sapiens inhibidor de serina proteasa, Kunitz tipo, 2 (SPINT2), ARNm	16.94 UP	1.85E- 04
60	A1632692	wa33b05.xl NCI_CGAP_Kidl 1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2299857 3, secuencia ARNm	16.88 UP	7.19E- 04
65	NM_152487	Homo sapiens proteína hipotética FLJ31842 (FLJ31 842), mRNA	16.75 UP	2.55E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_173567	Homo sapiens abhidrolasa dominio que contiene 7 (ABHD7), ARNm	16.66 UP	2.13E- 05
10	CA502927	UI-CF-FNO-afq-j-12-O-UI.si UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-afq-j-12-O-UI 3, secuencia de ARNm	16.59 UP	2.35E- 04
15	NM_015888	Homo sapiens gancho homólogo 1 (Drosophila) (HOOK1), ARNm	16.44 UP	4.12E- 05
20	NM_178177	Homo sapiens nicotinamida nucleótido adeniltransferasa 3 (NMNAT3), ARNm	16.43 UP	1.56E- 04
25	NM_005181	Homo sapiens anhidrasa carbónica III, músculo específica (CA3), ARNm	16.42 UP	4.93E- 05
30	NM_000599	Homo sapiens del factor de crecimiento similar a la insulina vinculante proteína 5 (IGFBP5), ARNm	16.27 UP	4.97E- 04
35	NM_006393	Homo sapiens nebullette (NEBL), variante 1, el ARNm	16.13 UP	6.06E- 04
40	NM_006252	Homo sapiens proteína quinasa, activada por AMP alfa 2 de la subunidad catalítica (PRKAA2), ARNm	16.12 UP	5.64E- 04
45	NM_002338	Homo sapiens sistema límbico-asociado proteína de membrana (LSAMP), ARNm	16.11 UP	2.81E- 04
50	NM_006378	Homo sapiens dominio sema, inmunoglobulina dominio (Ig), un dominio transmembrana (TM) y corto dominio citoplásmico, (semaforina) 4D (SEMA4D), ARNm	16.09 UP	1.78E- 05
55	A1819863	wj45h05.xi NCI_CGAP_Lu19 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2405817 3, secuencia de ARNm	15.95 UP	3.04E- 04
60	BM979825	UI-CF-DUI-adt-f-12-0-UI.si IU-CF-DU1 Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-DU-1 -adt f-1 2-0-UI 3, secuencia de ARNm	15.9 UP	2.77E- 05
65	BX647876	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp313A1525 (A partir del clon DKFZp313A1525)	15.83 UP	4.39E- 05

ES 2 569 421 T3

	NM_003730	Homo sapiens ribonucleasa T2 (RNASET2), ARNm	15.6 UP	2.41E- 05
5	AL117425	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp566L203 (A partir del clon DKFZp566L203)	15.59 UP	3.31E- 04
10	AL833346	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686M2234 (A partir del clon DKFZp686M2234)	15.59 UP	2.99E- 05
15	NM_199169	Homo sapiens transmembrana, próstata andrógenos ARN inducida (TMEPAI), variante de transcripción 2, ARNm	15.58 UP	1.34E- 04
20	NM_002559	Homo sapiens receptores purinérgicos P2X, ligando cerrada canal iónico, 3 (P2RX3), ARNm	15.51 UP	9.39E- 05
	NM_032148	Homo sapiens soluto transportista familia 41, miembro 2 (SLC41A2), ARNm	15.46 UP	2.38E- 05
25	BC021684	Homo sapiens, clon IMAGE-.3827252, ARNm	15.41 UP	2.31E- 05
	BF000009	7h15g04.xl NCI_CGAP_Coi6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3316086 3, secuencia de ARNm	15.33 UP	2.09E- 05
30				
35	NM_000147	Homo sapiens fucosidasa, alfa-L-1, tejido (FucA1), ARNm	15.31 UP	9.99E- 04
40	NM_001252	Homo sapiens factor de necrosis tumoral (ligando) superfamilia, miembro 7 (TNFSF7), ARNm	14.88 UP	1.85E- 04
45	NM-013322	Homo sapiens clasificación nexina 10 (SNX10), ARNm	14.84 UP	2.64E- 05
	NM_022440	Homo sapiens mal, proteína de la diferenciación celular (LMA), variante de transcripción, ARNm	14.65 UP	2.14E- 04
50	NM_178470	Homo sapiens WD repetir dominio 40B (WDR4OB), ARNm	14.53 UP	3.34E- 05
55	NM_001873	Homo sapiens carboxipeptidasa E (CPE), ARNm	14.51 UP	6.23E- 05
60	BM719937	IU-E-EJO-ahu-a-10-0-UI.ri IU-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc IU-E-EJO-ahu-a-1 0-0 5-UI, secuencia de ARNm	14.46 UP	1.64E- 05
65	NM_032551	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado a 54 (GPR54), ARNm	14.45 UP	5.64E- 04

ES 2 569 421 T3

5	T53523	ya89h12.rl Stratagene placenta (# 937225) Homo sapiens ADNm clon IMAGE-0.68903 5, secuencia de ARNm	14.42 UP	1.81E- 04
10	NM_173354	Homo sapiens SNF1-quinasa (SNF1LK), ARNm	14.19 UP	5.72E- 05
15	NM-014585	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 40 (hierro transportador regulado), miembro 1 (SLC40A1), ARNm	14.17 UP	4.06E- 05
20	N38753	yy42dOl.sl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 273889 3, secuencia ARNm	14.02 UP	1.15E- 05
25	NM_001710	Homo sapiens factor B, properdina (BE), ARNm	13.95 UP	2.05E- 04
30	BC038556	Homo sapiens, clon IMAGEN: 3446976, ARNm	13.9 UP	4.45E- 04
35	AK125608	ADNc Homo sapiens FLJ43620 fis, clon SPLEN2O217O1, muy similar a HLA CLASE I HISTOCOMPATIBILITY ANTIGEN, A-2 ALPHA CHAIN PRECURSOR	13.88 UP	2.56E- 04
40	AW248516	2820632.3prime NIH_MGC_7 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2820632 3, secuencia de ARNm	13.79 UP	2.22E- 04
45	NM_000600	Homo sapiens interleucina 6 (interferón, beta 2) (LL6), ARNm	13.62 UP	1.64E- 05
50	AK125852	ADNc Homo sapiens FLJ43864 fis, clon TEST14007799	13.46 UP	1.66E- 04
55	BM728728	IU-E-SO1-AIV-c-02-0-UI.rl IU-E-SO1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-SO1-AIV-c-02-0-UI 5, secuencia de ARNm	13.46 UP	2.77E- 04
60	NM_018650	Homo sapiens MAP / microtúbulos por afinidad la regulación de la quinasa 1 (MARK1), ARNm	13.45 UP	4.39E- 05
65	NM_022154	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 39 (transportador de zinc), miembro 8 (SLC39A8), ARNm	13.39 UP	4.78E- 05

ES 2 569 421 T3

5	AA908815	og77h08.sl NCI_CGAP_0v8 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 1 454367 3, secuencia de ARNm	13.23 UP	3.11E-05
10	NM_016463	Homo sapiens CXXC dedo 5 (CXXC5), ARNm	13.22 UP	9.67E-05
	AB011538	ARNm de Homo sapiens para MEGF5, cds parcial	13.19 UP	3.38E-04
15	CA413744	UI-H-EZO-bat-h-12-0-UI.sl NCI_CGAP_Ch1 Homo sapiens clon de ADNc IU-H-EZO-palo-h-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	13.17 UP	2.09E-05
20	BM712072	UI-E-DW1-AHC-b-11-0-UI.rl IU-E-DW1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-DW1 -ahc-b-1-1-0 UI 5, secuencia de ARNm	13.16 UP	9.39E-05
25	BU727096	UI-E-CRO-ach-e-12-0-UI.si UI-E-CRO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CRO-ada-e-1-U13 2-0, secuencia de ARNm	13.14 UP	4.30E-05
30				
35	NM_032858	Homo sapiens hipotética proteína FLJ14904 (FLJ14904), ARNm	13.09 UP	1.83E-05
40	BU729783	UI-E-CK1-afh-h-18-0-UI.sl UI-E-CK1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CK1 -afh-h-1 8-0 3-UI, secuencia de ARNm	12.92 UP	8.39E-06
45	ABO11095	Homo sapiens ARNm para la proteína KIAAOS23, cds parcial	12.91 UP	3.44E-04
50	BC033116	Homo sapiens chromodomain ADN helicasa proteína de unión 7, ARNm (clon de ADNc IMAGE-.3352674), cds parcial	12.87 UP	2.31E-05
55	CB135276	K-EST0187371 L5HLK1 ADNc Homo sapiens clon L5HLK1-32-B12 5, secuencia de ARNm	12.75 UP	4.93E-05
60	NM_182920	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 motivo, 9 (ADAMTS9), variante de transcripción 1, ARNm	12.73 UP	9.10E-05
65	NM_000236	Homo sapiens lipasa, hepática (CFIG), ARNm	12.71 UP	1.16E-03

ES 2 569 421 T3

	NM_152694	Homo sapiens dedo de zinc, CCHC dominio que contiene 5 (ZCCHC5), ARNm	12.66 UP	4.93E-05
5	AB020640	ARNm Homo sapiens para la proteína K1AA0833, cds parcial	12.51 UP	2.31 E-04
10	NM_018330	Homo sapiens KIAA1598 (K1AA1598), ARNm	12.46 UP	6.01E-05
	NM_000064	Homo sapiens componente 3 del complemento (C3), ARNm	12.42 UP	5.12E-04
15	NM_152864	Homo sapiens cromosoma 20 de lectura abierta bastidor 58 (C200rf58), ARNm	12.4 UP	1.66E-03
20	AW591723	xt85hl0.xl NCI_CGAP_Ut1 Homo sapiensclon de ADNc IMAGE: 2793283 3 similar acontiene el elemento MER32 elemento repetitivo ;,secuencia de ARNm	12.4 UP	3.71E-05
25				
30	NM-152768	Homo sapiens proteína hipotética FLJ25378 (FLJ25378), ARNm	12.28 UP	2.03E-05
35	NM_152366	Homo sapiens kelch / repetición de anquirina contiene Al ciclina interacción de proteínas (KARCA1), variante de transcripción 1, ARNm	12.19 UP	2.62E-05
40	AW300043	xs45a09.xl NCI_CGAP_Kid1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2772568 3, secuencia de ARNm	12.13 UP	2.31E-05
45	NM_006741	Homo sapiens proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) subunidad 1A (PPP1R1A), ARNm	12.12 UP	2.10E-04
50	NM_024726	Homo sapiens 10 motivos que contiene con AAA dominio (IQCA), ARNm	12.08 UP	5.33E-03
	NM_194284	Homo sapiens CLAUDIN 23 (CLDN23), ARNm	12.02 UP	2.87E-05
55	AL049974	AL049974 Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp564B222 (a partir del clon DKFZp564B222)	12 UP	1.48E-04
	AI420213	te92g09.xl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2094208 3, secuencia de ARNm	11.95 UP	3.59E-04
60				
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_002800	Homo sapiens proteasoma (prosome, macropain) subunidad, tipo beta, 9 (proteasa grande multifuncional 2) (PSMB9), variante de transcripción 1, ARNm	11.85 UP	4.69E- 05
10				
15	CA391258	csi3ai0.xi pigmento de la retina humana epitelio / ADNc coroides (no normalizado, sin amplificar): cs ADNc Homo sapiens clon csl3a10 3, secuencia de ARNm	11.85 UP	3.64E- 05
20	NM-013430	Homo sapiens gammaglutamiltransferasa 1 (GGT1), variante de transcripción 3, ARNm	11.79 UP	1.38E- 04
25	NM_199169	Homo sapiens transmembrana, próstata andrógenos ARN inducida (TMEPAI), variante de transcripción 2, ARNm	11.79 UP	8.39E- 06
30	NM_032471	Homo sapiens proteína quinasa (cAMP dependiente, catalítica) beta inhibidor (PKIB), variante de transcripción 3, ARNm	11.73 UP	1.28E- 04
35				
40	NM_016269	Homo sapiens linfocito potenciador de la unión factor de 1 (LEF1), ARNm	11.72 UP	4.57E- 05
45	NM_003851	Homo sapiens represor celular de EIA-genes estimulados 1 (CREG1), ARNm	11.61 UP	1.83E- 05
45	NM_003236	Homo sapiens factor de crecimiento transformante, alfa (TGFA), ARNm	11.61 UP	6.51E- 05
50	BX110418	BX110418 NCI_CGAP_K1d3 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998C224149; IMAGE: 1635405, secuencia de ARNm	11.59 UP	1.89E- 05
55	NM_006033	Homo sapiens lipasa endotelial (LIPG), ARNm	11.55 UP	8.79E- 04
60	NM_025151	Homo sapiens familia Rab11 interacción de proteínas 1 (clase I) (RAB11FIP1), variante de transcripción 1, ARNm	11.5 UP	2.65E- 05
65	B1759570	603046987F1 NIH_MGC_116 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5i87285 5, secuencia de ARNm	11.49 UP	3.71E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_013261	Homo sapiens peroxisoma proliferante receptor activado, gamma, coactivador 1, alfa (PPARGC1A), ARNm	11.3 UP	2.83E- 04
10	AI830524	wh52c02:x1 NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2384354 3, ARNm	11.29 UP	8.65E- 04
15	NM_139161	Homo sapiens migas homólogo 3 (Drosophila) (CRB3), variante de transcripción 2, secuencia de ARNm	11.15 UP	1.22E- 04
20	AK055362	ADNc Homo sapiens FLJ30800 fis, clon FEBRA2001197	11.13 UP	1.02E- 05
25	BF055156	7j75f03.xl Soares_NSF_F8_9W_OT_PAP_S1 Homo sapiensADNc clon IMAGE: 3392285 3, secuencia de ARNm	11.11 UP	4.94E- 04
30	BC016962	Homo sapiens, clon IMAGE: 4182947, ARNm	11.05 UP	1.06E- 04
35	AY358775	Homo sapiens clon DNA170212 WGAR9166 (UNQ9166) ARNm, cds completos	11.05 UP	2.32E- 04
40	NM_175056	Homo sapiens hipotética proteína LOC131368 (LOC1 31 368), ARNm	10.98 UP	1.33E- 03
45	A1311296	ta48dIO.x2 NCI_CGAP_Lu25 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.2047315 3, secuencia de ARNm	10.93 UP	2.19E- 04
50	AW296834	UI-H-B12-ahz-a-1-0-0 UIsl NCI_CGAP_Sub4 Homo sapiens ADNc clon IMAGE-.2728243 3, secuencia de ARNm	10.91 UP	1.71E- 04
55	NM_014464	Homo sapiens nefritis tubulointerstitial antígeno (TnaG), ARNm	10.89 UP	3.87E- 04
60	AK024270	ADNc Homo sapiens FLJ14208 fis, clon NT2RP3003264	10.88 UP	3.05E- 04
65	H00617	yj25f02.sl Soares placenta Nb2HP Homo sapiens ADNc clon IMAGE:149787 3, secuencia de ARNm	10.87 UP	2.09E- 04
	AK126467	ADNc Homo sapiens FLJ44503 nosotros, clon UTERU3001158	10.87 UP	5.06E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_181847	Homo sapiens anfoterina inducidos gen 2 (AMIGO2), ARNm	10.86 Arriba	8.91E- 04
	NM_014751	Homo sapiens metástasis supresor de 1 (MTSS1), ARNm	10.86 Arriba	2.68E- 05
10	N70752	za72d02.s 1 Soares_fetal_lung_NbHL19W ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 298083 3, secuencia de ARNm	10.84 Arriba	1.34E- 04
15	NM_005302	Homo sapiens G receptor acoplado a proteína (receptor de endotelina tipo B-like) 37 (GPR37), ARNm	10.84 Arriba	2.63E- 03
20	NM_003264	Homo sapiens Toll-like receptor 2 (TLR2), ARNm	10.83 Arriba	1.01 E- 04
25	NM_017594	Homo sapiens familia DIRAS, de unión a GTP-RAS como 2 (DIRAS2), ARNm	10.81 Arriba	7.23E- 04
30	AI688800	wd4lb03.xl Soares_NFL_T_GBC_S1 ADNc Homo sapiens IMAGE clon-0.2330669 3, secuencia de ARNm	10.8 Arriba	8.56E- 04
	H08012	yl9lb08.rl Soares cerebro infantil 1 NIB ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 45474 5, secuencia de ARNm	10.8 Arriba	3.26E- 04
35	AW014126	UI-H-B10-aaj-a-05-0-UI.sl NCI_CGAP_SubI ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2709393 3, secuencia de ARNm	10.79 Arriba	1.88E- 05
40	NM_014422	Homo sapiens fosfatidilinositol (45) bifosfato 5-fosfatasa, A (PIB5PA), variante de transcripción 1, ARNm	10.73 Arriba	4.47E- 05
45				
50	H62713	yr28c08rl Soares bazo hígado fetal 1 NFLS ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 206606 5 similar a gb: X01683 ALPHA-1-ANTITRYPSIN PRECURSOR (HUMAN);, secuencia de ARNm	10.73 Arriba	1.01 E- 03
55				
60	A1870547	wl47a04.xl NCI_CGAP_Ut1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2428014 3, secuencia de ARNm	10.65 UP	4.82E- 03
65	NM_025202	Homo sapiens dominio de mano EF que contiene 1 (EFHD1), ARNm	10.64 UP	5.59E- 05

ES 2 569 421 T3

5	N78460	yz76hO6rl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 289019 5, secuencia de mRNA	10.63 UP	3.90E-04
10	NM_020661	Homo sapiens activación inducida por la citidina deaminasa (AICDA), ARNm	10.63 UP	7.27E-05
15	NM_173549	Homo sapiens proteína hipotética FLJ39553 (FLJ39553), ARNm	10.57 UP	3.11E-04
20	A1767472	wh27a07.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2381940 3 similar a contiene . L1.t3 L1 elemento repetitivo;, secuencia de ARNm	10.56 UP	8.39E-06
25	NM_145804	Homo sapiens repetición de anquirina y BTB (POZ) dominio que contiene 2 (ABTB2), ARNm	10.55 UP	1.41E-06
30	NM-013230	Homo sapiens CD24 antígeno (clúster carcinoma 4 antígeno de pulmón de células pequeñas) (CD24), ARNm	10.54 UP	1.12E-04
35	NM_000758	Homo sapiens factor estimulante de colonias 2 (Granulocitos y macrófagos) (CSF2), ARNm	10.51 UP	7.66E-04
40	AB032945	Homo sapiens ARNm para lorKIAA1119, proteína cds parcial	10.48 UP	1.32E-03
45	NM_024572	Homo sapiens UDP-N-acetil-alfa-D-UP galactosamina: polipéptido N - acetilgalactosam iniltransferasa 14 (GalNAc-T14) (GALNT14), ARNm	10.46 UP	2.62E-04
50	NM_181332	Homo sapiens neuroiligina 4, ligada al cromosoma X (NLGN4X), variante de transcripción 2, ARNm	10.46 UP	1.95E-04
55	NM_022128	Homo sapiens riboquinasa (RBKS), ARNm	10.45 UP	2.73E-05
60	AB046810	ARNm Homo sapiens para la proteína KIAA1590, cds parcial	10.39 UP	2.36E-05
65	NM_022168	Homo sapiens interferón indujo con helicasa C dominio 1 (IFIH1), ARNm	10.38 UP	2.83E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_153715	Homo sapiens homeobox A10 (HOXA10), variante de transcripción 2, ARNm	10.37 UP	5.50E-05
10	BF090392	QV3-NT0023-120900-324-b04 NT0023 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	10.35 UP	1.25E-03
15	NM_000880	Homo sapiens interleucina 7 (1L7), ARNm	10.34 UP	3.60E-04
20	NM_018650	Homo sapiens MAP / microtúbulos por afinidad la regulación de la quinasa 1 (MARK1), ARNm	10.29 UP	1.57E-04
25	NM_017899	Homo sapiens hipotética proteína FLJ20607 (TSC), ARNm	10.27 UP	6.79E-04
30	NM_032367	Homo sapiens dedo de zinc, dominio BED que contiene 3 (ZBED3), ARNm	10.27 UP	4.12E-05
35	NM_012206	Homo sapiens virus de hepatitis A receptor celular 1 (HAVCR1), ARNm	10.23 UP	8.15E-04
40	AK092245	ADNc Homo sapiens FLJ34926 fis, clonar NT2RP700331 9, muy similar a Musneuralin musculus ARNm	10.21 UP	1.92E-03
45	NM_031469	Homo sapiens dominio SH3 glutámico unión proteína rica en ácido 2 (SH3BGRL2), ARNm	10.18 UP	1.63E-05
50	CA311343	UI-CF-FN0-aff-b-19-0-UI.sl UI-CF-FN0 Homo sapiens clon de ADNc de IU-CF-FNO-aff-b-1-9-0 UI 3, secuencia de ARNm	10.15 UP	1.89E-05
55	NM_030923	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp566NO34 (DKFZP566NO34), ARNm	10.15 UP	2.23E-05
60	AK024261	ADNc Homo sapiens FLJi4i99fis, clon NT2RP300271 3	10.14 UP	2.08E-04
65	NM-174900	Homo sapiens proteínas dedo de zinc 42 (ZFP42), ARNm	10.1 UP	5.14E-05
	NM-198495	Homo sapiens familia CTAGE, miembro de 4 (CTAGE4), ARNm	10.07 UP	4.65E-05
	BX105791	BX105791 Soares_testisNHI Homo sapiens IMAGp998i101824 clon de ADNc; IMAGEN: 742737, secuencia de ARNm	10.06 UP	2.15E03

ES 2 569 421 T3

5	A1672441	waO3cO3.xl NCI_CGAP_Kidli Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2296996 3, secuencia de mRNA	10.05 UP	2.40E- 04
10	AK002097	ADNc Homo sapiens FLJii235fis, clon PLACE1008488	10.01 UP	2.75E- 05
15	BX647256	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686K0753 (A partir del clon DKFZp686K0753)	9.97 UP	1.81E- 03
20	AK092456	ADNc Homo sapiens FLJ351 37 fis, clon PLACE600941 9	9.96 UP	5.02E- 05
25	NM_001853	Homo sapiens colágeno, tipo IX, alfa 3 (COL9A3), ARNm	9.96 UP	2.87E- 05
30	NM_004946	Homo sapiens dedicante de la citocinesis 2 (DOCK2), ARNm	9.94 UP	3.94E- 05
35	NM_005139	Homo sapiens anexina A3 (ANXA3), ARNm	9.92 UP	5.14E- 05
40	NM_002260	Homo sapiens células asesinas lectina-like receptor subfamilia C, miembro 2 (KLRC2), ARNm	9.92 UP	5.95E- 04
45	BX649112	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686EO2109 (a partir del clon DKFZp686EO2109)	9.89 UP	6.13E- 05
50	AK127437	ADNc Homo sapiens FLJ45529 fis, clon BRTHA2027546	9.85 UP	2.09E- 05
55	NM_080659	Homo sapiens similar a RIKEN ADNc 2310030G06 gen (MGC14839), ARNm	9.81 UP	1.33E- 03
60	NM_014867	Homo sapiens KIAAO711 producto génico (KIAAO711), ARNm	9.81 UP	4.12E- 05
65	BG149255	nad25dOI.xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 3366553 3, secuencia de ARNm	9.7 UP	1.54E- 04
	AK022598	ADNc Homo sapiens FLJ1 2536 fis, clon NT2RM4000265	9.7 UP	1.38E- 02
	A1792194	ovO3cO2.y5 NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.1636226 5, secuencia de ARNm	9.65 UP	6.10E- 04
	NM_005502	Homo sapiens casete de unión A ATP, subfamilia (ABC1), miembro 1 (ABCA1), ARNm	9.65 UP	4.03E- 04

ES 2 569 421 T3

5	BE070450	QV4-BT0407-020300-1 22-d08 BT0407 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	9.62 UP	5.52E-05
10	NM_006255	Homo sapiens proteína quinasa C, eta (PRKCH), ARNm	9.56 UP	2.09E-05
15	NM_005114	Homo sapiens sulfato de heparán (glucosamina) 3-0-sulfotransferasa 1 (HS3ST1), ARNm	9.55 UP	1.44E-04
20	AK123427	ADNc Homo sapiens FLJ41 433 fis, clon BRH1P2007307	9.46 UP	1.99E-04
25	NM_013430	Homo sapiens gammaglutamiltransferasa 1 (GGT1), variante de transcripción 3, ARNm	9.4 UP	1.15E-04
30	AK094353	ADNc Homo sapiens FLJ37034 nosotros, clon BRACE2011478	9.4 UP	3.08E-05
35	NM_016584	Homo sapiens interleucina 23, subunidad alfa p19 (1L23A), ARNm	9.38 UP	3.77E-05
40	NM_002089	Homo sapiens quimiocina (C-X-C con motivos) ligando 2 (CXCL2), ARNm	9.38 UP	4.55E-04
45	NM_032023	Homo sapiens asociación Ras (RalGDS / AF-6) dominio de la familia 4 (RASSF4), variante de transcripción 1 ARNm	9.38 UP	5.39E-05
50	D62831	HUM330B12B Clontech poryA aorta humana + ARNm (# 6572) Homo sapiens clon de ADNc GEN-330B12 5, secuencia de ARNm	9.32 UP	9.48E-05
55	A1963999	wt87g07.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2514492 3, secuencia de ARNm	9.31 UP	8.57E-04
60	NM_005978	Homo sapiens S100 proteína de unión de calcio A2 (S100A2), ARNm	9.31 UP	1.64E-05
65	NM_006622	Homo sapiens polo-quinasa 2 (Drosophila) (PLK2), ARNm	9.3 UP	2.93E-05
	NM_033495	Homo sapiens kelch-como 13 (Drosophila) (KLHL13), ARNm	9.25 UP	2.38E-05
	L07615	Neuropéptido humano Y receptor Y1 (NPYY1) ARNm, exones 2-3 y cds completos	9.23 UP	1.09E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM-018076	Homo sapiens que contiene repeticiones armadillo 4 (ARMC4), ARNm	9.16 UP	5.96E- 04
10	CA778369	ipi7fO3.yi HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE-.6217493 5, secuencia de ARNm	9.12 UP	5.40E- 05
15	NM_024554	Homo sapiens piggyBac elemento de transposición derivado 5 (PGBD5), ARNm	9.12 UP	2.63E- 04
20	NM_182487	Homo sapiens olfactomedina similar 2A (OLFML2A), ARNm	9.04 UP	1.64E- 04
25	T78754	ydOifo8.ri Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 24i80 5, secuencia de ARNm	9.01 UP	1.09E- 03
30	NM_004024	Homo sapiens factor de activación de la transcripción 3 (ATF3), ARNm	9 UP	1.50E- 03
35	NM_030583	Homo sapiens matrilin 2 (MATN2), variante de transcripción 2, ARNm	8.98 UP	2.15E- 04
40	NM_145032	Homo sapiens F-caja y proteína de repetición rica en leucina 13 (FBXL13), ARNm	8.97 UP	1.78E- 05
45	NM_020130	Homo sapiens cromosoma 8 de marco de lectura abierto 4 (C8orf4), ARNm	8.93 UP	4.79E- 04
50	NM_005737	Homo sapiens ADP-ribosilación similar al factor de 7 (ARL7), ARNm	8.87 UP	1.79E- 04
55	BG675167	602621444171 NCI_CGAP_Skn3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4755106 5, secuencia de ARNm	8.86 UP	7.41E- 04
60	NM_194463	Homo sapiens proteínas dedo anular 128 (RNF12S), variante de transcripción 1, ARNm	8.85 UP	8.97E- 05
65	NM_018349	Homo sapiens múltiples C2-dominios con dos regiones de transmembrana 2 (MCTP2), ARNm	8.81 UP	8.37E- 05
	AK026740	ADNc Homo sapiens: FLJ23087 fis, clon LNG06994, muy similar a AF161 368 Homo sapiens ARNm HSPC1O5	8.8 UP	3.17E- 04

ES 2 569 421 T3

	NM_000693	Homo sapiens aldehído deshidrogenasa 1 familia, miembro A3 (ALDH1A3), ARNm	8.78 UP	4.72E- 04
5	NM_005459	Homo sapiens guanilato ciclasa activador 1C (GUCA1C), ARNm	8.77 UP	1.57E- 04
10	BF509074	UI-H-B14-AOU-b-08-0-ULs1 NCI_CGAP_Sub8 Homo sapiens ADNc clon IMAGE-.3086150 3, secuencia de ARNm	8.74 UP	2.11E- 05
15	AL117425	ARNm sapiens Homo; ADNc DKFZp566L2O3 (A partir del clon DKFZp566L2O3)	8.69 UP	2.83E- 04
20	NM_006257	Homo sapiens proteína quinasa C, theta (PRKCQ), ARNm	8.64 UP	1.78E- 05
25	NM_005567	Homo sapiens lectina, galactósido de unión, 3 proteína de unión soluble (LGALS3BP), ARNm	8.64 UP	1.26E- 05
30	NM_173508	Homo sapiens soluto transportista familia 35, miembro de F3 (SLC35F3), ARNm	8.62 UP	1.04E- 04
35	AK025281	ADNc Homo sapiens: FLJ21628 fis, clon C0L08076	8.48 UP	7.96E- 05
	NM_145252	Homo sapiens similar a proteína salivar común 1 (LOC1 24220), ARNm	8.48 UP	1.94E- 04
40	AI764969	wh57b02.x1 NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-2384811 3, secuencia de ARNm	8.48 UP	6.82E- 05
45	NM_002313	Homo sapiens proteína actina LIM 1 vinculante (ABLIM1), variante de transcripción 1, ARNm	8.48 UP	3.03E- 05
50	NM-017641	Homo sapiens quinesina miembro de la familia 21A (KIF21A), ARNm	8.42 UP	2.43E- 05
55	AA564703	nj22h06.si NCI CGAPAA1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 993275 3, secuencia de ARNm	8.4 UP	6.11E- 05
60	NM_001323	Homo sapiens cistatina E/M (CST6), ARNm	8.37 UP	1.02E- 04
65	NM_014333	Homo sapiens superfamilia de inmunoglobulinas, miembro 4 (IGSF4), ARNm	8.35 UP	1.82E- 03

ES 2 569 421 T3

5	NM_022454	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) - la casilla 17 (SOX17), ARNm	8.33 UP	6.04E- 05
	NM_000186	Homo sapiens el factor H del complemento (CFH), ARNm	8.32 UP	1.06E- 03
10	BF512544	U1-H-BW1-amf-c-08-0-UI.si NCI_CGAP_Sub7 Homo sapiens ADNc clon IMAGE-.3069687 3, secuencia de ARNm	8.31 UP	1.09E- 04
15	AF036977	Homo sapiens clon HOG IV.9 ARNm desconocido	8.27 UP	1.12E- 03
20	AK095500	ADNc Homo sapiens FLJ38181 fis, clon FCBBF1000125	8.19 UP	6.56E- 05
	NM_001955	Homo sapiens endotelina 1 (EDN1), ARNm	8.18 UP	4.43E- 04
25	NM_002053	Homo sapiens unión a proteínas guanilato 1, interferón-inducible, 67 kDa (GBP1), ARNm	8.17 UP	8.39E- 06
30	NM_031476	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp434BO44 (DKFZP434BO44), ARNm	8.12 UP	8.06E- 04
35	AA844712	ai70el2s1 Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1376206 3, secuencia de ARNm	8.11 UP	2.36E- 04
	BM976385	UI-CF-EN1-acz-f-03-0-UI.sl IU-CF-ES 1 Homo sapiens clon de ADNc de IU-CF-EN1-acz-f-03-0-UI 3, secuencia de ARNm	8.11 UP	7.27E- 04
40				
	BX647876	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp313A1 525 (A partir del clon 3A1 DKFZp31 525)	8.11 UP	6.87E- 04
45				
	NM_001845	Homo sapiens colágeno tipo IV, alfa 1 (COL4A1), ARNm	8.06 UP	2.72E- 05
50				
	NM_014900	Homo sapiens COBL tipo 1 (COBLL1), ARNm	8.04 UP	9.67E- 05
	NM_203306	Homo sapiens proteína hipotética MGC39606 (MGC39606), ARNm	7.98 UP	1.95E- 03
55				
	B1963896	ie66c06.xl Melton Islote Normalizado Humano 4 N4-HIS 1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE.-5671691 3, secuencia de ARNm	7.97 UP	2.73E- 05
60				
	NM_005025	Homo sapiens serina (o cisteína) proteinasa inhibidor, Dade I (neuroserpina), miembro 1 (SERPINI1), ARNm	7.97 UP	3.03E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

	AK024238	ADNc Homo sapiens FLJ14176 fis, clon NT2RP2003101	7.96 UP	4.75E- 05
5	NM_005951	Homo sapiens metalotioneína IH (MT1H), ARNm	7.95 UP	3.19E- 03
10	CF887677	UI-CF-FNO-AEV-o-22-1-8 UI.rl 8 I T-CF-FNO Homo sapiens ADNc clon UI-CF-FNO-AEV-o-22-18-DI5, secuencia de ARNm	7.93 UP	4.30E- 05
15	NM_024423	Homo sapiens desmocolina 3 (DSC3), variante de transcripción Dsc3b, ARNm	7.91 UP	1.23E- 04
20	A1355761	qt94all.xl NCI_CGAP_Co14 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-1962908 3 similar a . gb:X74929 QUERATINA, TIPO II CITOESQUELETO 8 (HUMANO) ;, secuencia de ARNm	7.91 UP	6.82E- 05
25				
30	BF445031	nad2OfO2.xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3366266 3, secuencia de ARNm	7.91 UP	1.78E- 05
35	CA444471	UI-H-DPO-avv-a-16-0-UI.sl NCI_CGAP_FslHomo sapiens clon de ADNc UI-H-DPO-AVV-a-16-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.89 UP	7.69E- 05
40	NM_014942	Homo sapiens anquirina dominio de repetición 6 (ANKRD6), ARNm	7.89 UP	2.49E- 05
45	AKO21801	ADNc Homo sapiens FLJ11739 fis, clon HEMBA1005497	7.86 UP	1.15E- 04
50	NM_001766	Homo sapiens antígeno CD1D, polipéptido d (CD1D), ARNm	7.85 UP	5.10E- 04
55	NM_005360	Homo sapiens v-maf músculo-homólogo de oncogén de fibrosarcoma (aviar) (MAF), ARNm	7.81 UP	7.59E- 05
60	NM_018700	Homo sapiens tripartito motivo que contienen 36 (TRIM36), ARNm	7.8 UP	2.55E- 05
60	BX640643	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686O24114 (a partir del clon DKFZp686O24114)	7.79 UP	2.59E- 05
65	NM_005331	Homo sapiens hemoglobina, theta 1 (HBQ1), ARNm	7.77 UP	3.73E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_194298	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácidos monocarboxílicos), miembro 9 (SLC16A9), ARNm	7.77 UP	2.66E- 04
10	NM_012413	Homo sapiens glutaminil-péptido cyclotransferasa (ciclase de glutaminil) (QPCT), ARNm	7.76 UP	4.60E- 04
15	NM_005860	Homo sapiens follistina 3 (secretada glicoproteína) (FSTL3), ARNm	7.76 UP	2.64E- 05
20	AB033029	Homo sapiens ARNm para la proteína KIAA1203, cds parcial	7.7 UP	8.39E- 06
	NM_012216	Homo sapiens línea media 2 (MID2), variante de transcripción 1, ARNm	7.62 UP	6.12E- 05
25	NM_018986	Homo sapiens dominio SH3 y tetratricopéptido repite 1 (SH3TC1), ARNm	7.61 UP	8.69E- 04
30	BM665101	UI-E-CQ1-aew-I-09-0-UI.sl IU-E-CQ1 Homo sapiens clon de ADNc de IU-E-CQ1-AEW-I-09-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.58 UP	4.09E- 05
35	AL706653	DKFZp6S6E1543_r1 686 (sinónimo: hlcc3) Homo sapiens clon de ADNc DKFZp686E1543 5, secuencia de ARNm	7.57 UP	2.36E- 05
40	BF920409	OV2-NT0144-071100-463 BOG-NT0144 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	7.55 UP	6.70E- 04
45	NM_173462	Homo sapiens papilina, proteoglicanos similares a glicoproteína sulfatado (PAPLN), ARNm	7.55 UP	5.64E- 05
50	NM_031419	Homo sapiens factor nuclear kappa luz, polipéptido potenciador del gen en las células B inhibidor, zeta (NFKBIZ), variante de transcripción 1, ARNm	7.55 UP	1.49E- 04
55				
60	NM-016423	Homo sapiens proteína con dedos de zinc 219 (ZNF219), ARNm	7.53 UP	1.71E- 05
	NM_020859	Homo sapiens proteína relacionada con Shroom (ShrmL), ARNm	7.52 UP	1.26E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_004932	Homo sapiens cadherina 6, tipo 2, K-cadherina (Riñón fetal) (CDH6), ARNm	7.52 UP	1.64E-05
5	NM_182797	Homo sapiens fosfolipasa C, beta 4 (Plcb4), variante de transcripción 2, ARNm	7.52 UP	5.49E-05
10	AL512697	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp547F134 (A partir del clon DKFZp547F134)	7.5 UP	6.17E-05
15	BC035116	Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5263177, cds parcial	7.47 UP	2.32E-05
	AL353944	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp76J1112 (A partir del clon DKFZp76J1112)	7.45 UP	1.72E-05
20	NM_152780	Homo sapiens proteína hipotética FLJ14503 (FLJ14503), ARNm	7.45 UP	1.19E-03
25	AA888443	nw74fIO.si NCI_CGAP_Pr12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1252363, secuencia de ARNm	7.43 UP	5.18E-04
30	AW450938	UI-H-B13-all-g-05-0-D I .SI NCI_CGAP_Sub5 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2737329 3, secuencia de ARNm	7.4 UP	4.98E-05
35	NM_053039	Homo sapiens UDP glicosiltransferasa 2 familia, polipéptido B28 (UGT2B28), ARNm	7.38 UP	1.12E-03
40	NM_016946	Homo sapiens F11 receptor (F11R), variante de transcripción 1, ARNm	7.36 UP	4.65E-05
45	AW969742	EST381820 resecuenciación MAGE, MAGK Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	7.36 UP	1.15E-04
50	BX117866	BX117866 NCI_CGAP_GCB1 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998N233105 IMAGE: 1234774, secuencia de ARNm	7.34 UP	2.20E-04
55	NM_005739	Homo sapiens RAS ciclasa liberación de la proteína 1 (Calcio y regulado por el DAG) (RASGRP1), ARNm	7.31 UP	2.20E-04
60	CB047287	NISC_ggOIhOI.yI NCICGAP_KidII Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 3253464 5, secuencia de ARNm	7.25 UP	3.52E-05

65

ES 2 569 421 T3

	NM-013951	Gen emparejado caja Homo sapiens 8 (PAX8), variante de transcripción PAX8B, ARNm	7.25 UP	5.00E-05
5	AK125695	ADNc Homo sapiens FLJ43707 nosotros, clon TESOP2001865	7.24 UP	1.62E-03
10	NM_020796	Homo sapiens sema dominio transmembrana dominio (TM), y dominio citoplásmico, (Semaforina) 6A (Sema6A), ARNm	7.21 UP	1.01E-04
15	BM929354	IU-E-EJ1-aje-o-19-0-UI.rl UI-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJ1-aje-o-19-0-UI 5, secuencia de ARNm	7.19 UP	5.49E-05
20	BX103949	BX103949 NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998C112296; IMAGE: 923842, secuencia de ARNm	7.16 UP	6.37E-05
25	NM_003475	Homo sapiens cromosoma 11 marco de lectura abierto de bastidor 13 (C11orf13), ARNm	7.14 UP	1.56E-04
30	BE735115	601566084F1 NIH MGC 21 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3840837 5, secuencia de ARNm	7.12 UP	1.41E-03
35	NM_207517	Homo sapiens similar a ADAMTS-3 (ADAMTSL3), ARNm	7.11 UP	1.26E-05
40	BU688263	UI-CF-EC1-aea-g-11-0-UI.sl IU-CF-Ed Homo sapiens clon de ADNc de UI-CF-EC1-aea-g-11-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.06 UP	2.97E-05
45	AK022971	ADNc Homo sapiens FLJ12909 nosotros, clon NT2RP2004400	7.06 UP	7.80E-05
50	NM_001740	Homo sapiens Calbindin 2, 29 kDa (calretinina) (CALB2), variante de transcripción CALB2, ARNm	7.05 UP	1.81E-04
55	NM_022073	Homo sapiens egl nueve homólogo 3 (C. elegans) (EGLN3), ARNm	7.04 UP	5.64E-04
60	BX117230	BX117230 NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp9981235695; IMAGE-.2298718, secuencia de ARNm	7.03 UP	1.56E-03
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_002230	Homo sapiens unión de plakoglobina (JUP), variante de transcripción 1, ARNm	7.03 UP	2.78E-05
	AK023793	ADNc Homo sapiens FLJ13731 fis, clon PLACE3000142	7.02 UP	4.04E-04
10	AL117598	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp564H1663 (A partir del clon DKFZp564H1663)	7 UP	1.59E-04
15	NM_001958	Homo sapiens elongación de la traducción eucariótica factor de 1 alfa 2 (EEF1A2), ARNm	6.99 UP	5.20E-04
	NM_007029	Homo sapiens statmina 2 similar (STMN2), ARNm	6.97 UP	4.47E-04
20	BE968596	601649770F1 NIH_MGC_74 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3933472 5, secuencia de ARNm	6.97 UP	8.39E-04
25	AK126467	ADNc Homo sapiens FLJ44503 fis, clon UTERU3001158	6.97 UP	3.82E-05
30	AA832510	oe62d06.sl NCICGAP_Lu5 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1416203 3, secuencia de ARNm	6.93 UP	9.67E-04
35	CF137545	UI-HF-BN0-ane-d-05-O-UI.ri NI H_MGC_50 Homo sapiens ADNc clon IMAGE-.3092384 5, secuencia de ARNm	6.93 UP	2.70E-03
40	NM_004895	Homo sapiens síndrome autoinflamatoria fría 1 (CIAS1), variante de transcripción 1, ARNm	6.9 UP	1.46E-03
45	NM_018424	Homo sapiens proteína de membrana de los eritrocitos banda 4.1 similar a 4B (EPB41L4B), ARNm	6.9 UP	4.68E-05
50	NM_004390	Homo sapiens catepsina H (CSP), variante de transcripción 1, ARNm	6.89 UP	2.72E-05
	NM_024603	Homo sapiens proteína hipotética FLJ11588 (FLJ11588), ARNm	6.87 UP	3.80E-05
55	A1492941	qz42h08.xl NCI_CGAPKid1 1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2029599 3, secuencia de ARNm	6.82 UP	8.39E-04
60	NM_003985	Homo sapiens tirosina quinasa, no receptor, 1 (TNK1), ARNm	6.8 UP	4.55E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	AK095399	ADNc Homo sapiens FLJ38080 fis, clon CTONG2016185	6.8 UP	9.23E-04
10	BQ020597	IU-H-DPO-AVD-a-1 3-0 1-UI.s NCICGAPFs1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE-.5877780 3, secuencia de ARNm	6.8 UP	4.53E-05
15	NM_001432	Homo sapiens epirregulina (EREG), ARNm	6.77 UP	1.25E-05
20	NM_005485	Homo sapiens poli (ADP-ribosa) polimerasa familia, miembro 3 (PARP3), variante de transcripción 2, ARNm	6.76 UP	6.46E-05
25	AB058769	Homo sapiens ARNm de la proteína KIAA1 866, cds parcial	6.76 UP	9.84E-05
30	BU753362	UI-1-BB1-air-h-09-0-UI.sl NCI_CGAP_PI5 Homo sapiens ADNc clon T-1-BB1 aire-h-09-0-IU-3, la secuencia de ARNm	6.75 UP	1.08E-04
35	AL834140	ARNm Homo sapiens; Edna DKFZp434A2029 (A partir del clon DKFZp434A2O29)	6.73 UP	4.49E-05
40	BX092501	BX092501 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998K143946; IMAGE: 1557637, secuencia de ARNm	6.71 UP	2.56E-04
45	BX640973	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686B15184 (a partir del clon DKFZp686B15184)	6.71 UP	2.36E-04
50	NM-015277	Homo sapiens de células precursoras neurales expresa, desarrollo las reguladas 4- (NEDD4L), ARNm	6.7 UP	1.60E-05
55	NM_021192	Homo sapiens homeobox D11 (HOXD11), ARNm	6.69 UP	8.94E-04
60	NM_032621	Homo sapiens cerebro expresado al cromosoma X ligado 2 (BEX2), ARNm	6.69 UP	1.83E-04
60	X02851	ARNm humano para la interleucina-1 precursora (pre IL-1)	6.68 UP	3.32E-04
65	NM_0014258	Homo sapiens proteína sinaptonémica compleja 2 (SYCP2), ARNm	6.68 UP	4.96E-02

ES 2 569 421 T3

5	NM_000682	Homo sapiens adrenérgico alfa-2B, receptor de (ADRA2B), ARNm	6.67 UP	3.64E- 05
10	BQ435580	AGENCOURT_7836890 NIH_MGC_82 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.6102371 5, secuencia de ARNm	6.64 UP	1.64E- 04
15	NM_024608	Homo sapiens nei endonucleasa tipo VIII 1 (E.coli) (NEIL1), ARNm	6.63 UP	3.23E- 05
20	AK057113	ADNc Homo sapiens FLJ32551 fis, clon SPLEN1000087	6.63 UP	6.06E- 04
25	NM_130897	Homo sapiens dineína, citoplasmática, luz polipéptido 2B (DNCL2B), ARNm	6.62 UP	2.40E- 03
30	N39597	yy5leO4.si Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-277086 3, secuencia de ARNm	6.62 UP	8.33E- 04
35	BU616749	UI-H-FH1-bfj-a-11-0-UI.si NCI_CGAP_FH1Homo sapiens clon de ADNc UI-H-FH1-bfj-a-110-UI 3, secuencia de ARNm	6.59 UP	1.93E- 04
40	AW195474	xn38g09.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2696032 3, secuencia ARNm	6.59 UP	6.82E- 05
45	AK127437	ADNc Homo sapiens FLJ45529 fis, clon BRTHA2027546	6.57 UP	1.76E- 04
50	NM_004717	Homo sapiens diacilglicerol quinasa, iota (DGKI), ARNm	6.56 UP	7.54E- 05
55	BU584197	2513030T6 LIVRTUTO4 ADNc Homo sapiens 2513030 clon 3, secuencia de ARNm	6.53 UP	8.82E- 04
60	BU634363	IU-H-FL1-bgx-o-20-0-D I SI NCI_CGAP_FL1 Homo sapiens clon de ADNc UI-H-FL1-bgx-o-20-0-UI 3, secuencia de ARNm	6.53 UP	1.24E- 04
65	NM_178868	Homo sapiens factor de quimioquinas como superfamilia 8 (CKLFSF8), ARNm	6.52 UP	1.59E- 03
	NM_002247	Homo sapiens potasio gran conductancia canal de calcio activado, M subfamilia, alfa 1 miembro (KCNMA1), ARNm	6.49 UP	4.49E- 05

ES 2 569 421 T3

5	AW188195	xj93e12.x1 Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN: 2664814 3 similares que contiene elemento de THR elemento repetitivo;, secuencia de ARNm	6.49 UP	3.81E- 05
10				
15	NM_153634	Homo sapiens copine VIII (CPNE8), ARNm	6.48 UP	1.72E- 04
	NM_145205	Homo sapiens como HMG2 (LOC1 27540), ARNm	6.47 UP	6.39E- 05
20	NM_178868	Homo sapiens factor tipo quimocina súperfamilia 8 (CKLFSF8), ARNm	6.47 UP	1.15E- 05
25	U63828	ARNm activador del plasminógeno tisular humano cds parcial	6.46 UP	5.51E- 05
30	NM_004529	Homo sapiens mieloide / linfoide o linaje mixtode leucemia (homólogo Trithorax,Drosophila); translocado a, 3 (MLLT3), ARNm	6.46 UP	8.21E- 05
35				
	BX647655	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp451A211 (A partir del clon DKFZp451A211)	6.46 UP	6.94E- 05
40	AW470401	xz83gOl.xi NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2870832 3 similar a contiene L1.t2 L1 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	6.46 UP	1.30E- 04
45				
50	BG570144	602591134F1 NIH_MGC_77 Homo sapiens clon de cDNA IMAGEN: 471 7761 5, secuencia de ARNm	6.45 UP	1.08E- 03
55	BX115325	BX115325 NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998KO85276; IMAGEN: 2137855, secuencia de ARNm	6.45 UP	1.04E- 04
60	NM_002214	Homo sapiens integrina beta 8 (ITGB8), ARNm	6.44 UP	6.77E- 05
	CA314926	UI-CF-FNO-afi-b-19-0-UI.sl IU-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc de IU-CF-FNO-afi-b-19-0-UI 3, secuencia de ARNm	6.43 UP	6.61E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

	AK093870	ADNc Homo sapiens FLJ36551 fis, clon TRACH2008127	6.43 UP	1.28E- 03
5	NM_000860	Homo sapiens hidroxiprostaglandina deshidrogenasa 15- (NAD) (HPGD), ARNm	6.42 UP	1.76E- 05
10	A1831068	wj62d12.xl NCI_CGAP_Lu19 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2407415 3, secuencia de ARNm	6.41 UP	1.37E- 04
15	NM_000349	Homo sapiens regulador aguda androgénica (STAR), codificación de genes nucleares mitocondrial proteína, variante de transcripción 1, ARNm	6.41 UP	1.26E- 04
20				
	NM_014181	Homo sapiens proteína HSPC159 (HSPC159), ARNm	6.4 UP	1.67E- 04
25	NM_024534	Homo sapiens proteína hipotética FLJ12684 (FLJ12684), ARNm	6.38 UP	6.57E- 04
30	NM_002843	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, tipo de receptor, J (PTPRJ), ARNm	6.38 UP	1.32E- 03
35	A1926616	wo48e04.xl NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens clon de cDNA IMAGE-3 similar a .2458590 contiene MER27.b2 MER27 elemento repetitivo secuencia de ARNm	6.37 UP	7.01E- 03
40				
	NM_002273	Homo sapiens queratina 8 (KRT8), ARNm	6.36 UP	2.91E- 03
45	NM_207303	Homo sapiens atractina tipo 1 (ATRNL1), ARNm	6.35 UP	7.85E- 04
50	AK001007	ADNc Homo sapiens FLJ 10145 fis, clon HEMBA1003322	6.35 UP	1.82E- 05
55	CB047092	NISC_gfO8fO3.xl NCICGAP_KidI2 Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 3253013 3, secuencia ARNm	6.33 UP	6.92E- 05
60	BC060805	Homo sapiens proteína hipotética FLJ12788, ARNm (ADNc clon IMAGE: 5266931), cds parcial	6.31 UP	2.93E- 05
65	A1359782	qy4lhIO.xl NCI_CGAP_Brn23 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 201 4627 3, secuencia ARNm	6.31 UP	3.23E- 04

ES 2 569 421 T3

5	CA426602	UI-H-FE1-bef-f-11-0-UI.sl NCICGAP_FE1 Homo sapiens clon de ADNc UI-H-FE1-BEF-f-11-0-UI 3, secuencia de ARNm	6.29 UP	2.14E- 04
10	AKO91686	ADNc Homo sapiens FLJ34367 fis, clon FEBRA201 6621	6.27 UP	1.93E- 03
15	AK091336	ADNc Homo sapiens FLJ34017 fis, clon FCBBF2002626	6.26 UP	5.49E- 05
20	NM-015068	Homo sapiens expresaron paternalmente 10 (PEG10), ARNm	6.26 UP	4.53E- 05
25	R79128	y186c12.ri Soares placenta Nb2HP Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 146134 5, secuencia de ARNm	6.23 UP	2.06E- 04
30	H08785	y194f04.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 45882 3, secuencia de ARNm	6.22 UP	1.66E- 03
35	AI953708	wq47d09.xi NCI_CGAPGC6 Home Sapiensclon de ADNc IMAGE: 2474417 3, secuencia de ARNm	6.21 UP	4.58E- 03
40	NM_015236	Homo sapiens latrofilina 3 (LPHN3), ARNm	6.2 UP	5.35E- 04
45	AL833609	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686O1267 (A partir del clon DKFZp686O1267)	6.19 UP	7.53E- 04
50	AK127421	Homo sapiens CONA FLJ45513 fis, clon BRTHA2021450	6.19 UP	4.68E- 05
55	NM-015085	Homo sapiens GTPasa activación de Rap / RanGAP dominio 4 similar (GARNL4), ARNm	6.18 UP	6.82E- 05
60	NM_001305	Homo sapiens claudina 4 (CLDN4), ARNm	6.17 UP	3.48E- 05
65	NM_173078	Homo sapiens ITSL y familiares NTRK, miembro 4 (SLITRK4), ARNm	6.16 UP	1.08E- 03
	BG165745	602344592F1 NIH_MGC_89 Home Sapiens clon de ADNc IMAGE: 4454470 5, secuencia de ARNm	6.16 UP	1.20E- 04
	NM_006074	Homo Sapiens 22 motivo que contienen tripartita (TRIM22), ARNm	6.15 UP	1.15E- 03
	NM 005928	Homo sapiens alóbulos de arasa de leche-EGF factor 8	6.15	1.63E-

ES 2 569 421 T3

5	BF939703	nac8OeO7.xl NCI_CGAP_Brn23 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3440725 3 similar a MER3O.t3 contiene MER3O elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	6.12 UP	6.35E- 05
10				
15	BX115301 NM-018849	BX115301 NCLCGAP_K1d5 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998J093989; IMAGE: 1574120, secuencia ARNm Homo sapiens casete de unión a ATP, sub- B de la familia (MDRITAP), miembro 4 (ABCB4), variante de transcripción B, ARNm	6.11 UP 6.09 UP	8.26E- 05 3.23E- 05
20				
25	NM_015478 NM_015669	Homo sapiens (3) MBT-cómo (Drosophila) (L3MBTL), variante de transcripción I, ARNm Homo sapiens protocadherina beta 5 (PCDHB5), ARNm	6.09 UP 6.08 UP	2.43E- 05 7.52E- 05
30	NM_147189 BQO18133 N34295	Homo sapiens hipotética proteína MGC39325 (MGC39325), ARNm UI-H-DPO-avv-l-18-0-UI.sl NCI_CGAP_Fsl Homo sapiens IMAGE clon de ADNc : 5884961 3, secuencia de ARNm yy5lelO.sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 277098 3, secuencia de ARNm	6.06 UP 6.06 UP 6.04 UP	3.18E- 04 1.78E- 05 8.29E- 05
35				
40	NM_006472 NM_012472 AK123319	Homo sapiens tioredoxina proteína de interacción (TXNIP), ARNm Homo sapiens repeticiones ricas en leucina que contiene 6 (LRRC6), ARNm ADNc Homo sapiens FLJ41 325 fis, clon B1RAMY204687	6.03 UP 6.02 UP 6 UP	6.87E- 05 2.66E- 05 2.55E- 04
45	AK123807	ADNc Homo sapiens FLJ4I 813 fis, hecho NT2RI2011450	5.98 UP	7.92E- 05
50	NM_017786	Homo sapiens proteína hipotética FLJ20366 (FLJ20366), ARNm	5.98 UP	1.85E- 03
55	NM_000212 NM_000817	Homo sapiens integrina beta 3 (plaquetas glicoproteína Lila, el antígeno CD61) (ITGB3), ARNm Homo sapiens glutamato descarboxilasa 1 (Cerebro, 67 kDa) (GAD1), variante de transcripción GAD67, ARNm	5.97 UP 5.96 UP	2.73E- 05 9.94E- 03
60				
65	AK123617	ADNc Homo sapiens FLJ41623 fis, clon CT0NG3009227	5.92 UP	1.38E- 03

ES 2 569 421 T3

5	B1493986	dfIO6gl2.yl Morton fetal cóclea Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.2538815 5, secuencia de ARNm	5.91 UP	3.68E- 04
10	NM_005264	Homo sapiens GDNF receptor de la familia de alfa 1 (GFRA1), variante de transcripción 1, ARNm	5.91 UP	4.09E- 05
15	CN478597	UI-CF-FNO-aeo-g-21-0-UI.sl UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-AEO-g-21-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.88 UP	1.13E- 03
20	BQO21695	UI-H-DH1-axi-f-22-0-T I.sl NCI_CGAP_DH1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE-.5829141 3, secuencia de ARNm	5.88 UP	1.72E- 04
25	AL137698	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp434C1915 (A partir del clon DKFZp434C1915); cds parcial	5.88 UP	2.03E- 05
30	NM_014905	Homo sapiens glutaminasa (GLS), ARNm	5.88 UP	1.24E- 04
35	AA993234	ot6OaO8.sl Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1621142 3, secuencia de ARNm	5.87 UP	2.88E- 05
40	N38890	yy8lf1 2.s1 Homo Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP sapiens ADNc clon IMAGE: 279983 3 similares que contiene OFR.t3 OFR elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	5.87 UP	1.25E- 04
45				
50	NM_197955	Homo sapiens mucosa normal del esófago específico 1 (NMES1), variante de transcripción 1, ARNm	5.85 UP	1.85E- 04
55	NM_014399	Homo sapiens transmembrana 4 superfamilia miembro 13 (TM4SF13), ARNm	5.84 UP	2.18E- 05
60	NM_024704	Homo sapiens cromosoma 20 de marco de lectura abierto 23 (C20orf23), ARNm	5.82 UP	1.24E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_002276	Homo sapiens queratina 19 (KRT19), ARNm CD248442 AGENCOURT_1 4095939 NI H_MGC_1 72 5.79 UP 2.16E-04 ADNc Homo sapiens 5, secuencia de ARNm	5.8 UP	7.06E- 03
10	AK024850	ADNc Homo sapiens: FLJ21 197 fis, clon COLOO2O1	5.79 UP	1.45E- 04
15	H83499	ys9ifl2.rl Soares retina N2b5HR Homo sapiens cDNA clon IMAGEN: 222 191 5, secuencia de ARNm	5.77 UP	1.37E- 02
20	NM-153377	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina y dominios de tipo inmunoglobulina 3 (LRIG3), ARNm	5.77 UP	2.43E- 05
25	NM-153267	Homo sapiens dominio MAM que contiene 2 (MAMDC2), ARNm	5.76 UP	2.31E- 04
30	NM_144595	Homo sapiens proteína hipotética FLJ30046 (FLJ30046), ARNm	5.76 UP	1.38E- 03
35	BF509155	UI-H-B14-AOV-b-05-0-UI si NCI_CGAP_Sub8 Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 3086145 3, secuencia de ARNm	5.75 UP	6.59E- 05
40	NM_002735	Homo sapiens proteína quinasa, AMPcdependiente, reguladora, tipo I, beta (PRKAR1 B), ARNm	5.73 UP	2.73E- 05
45	NM_025044	Homo sapiens bicaudal C homólogo 1 de (Drosophila) (BICC1), ARNm	5.72 UP	5.81E- 05
50	BM969191	UI-CF-ENO-acp-e-22-0-UI.si UI-CF-ENO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-ENO-ACP-e-22-0-D I 3, secuencia de ARNm	5.69 UP	1.67E- 03
55	NM_000203	Homo sapiens iduronidasa, alfa-L- (IDUA), ARNm	5.68 UP	1.10E- 03
60	A1693580	wlI2dOI.xi NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2327905 3, secuencia ARNm	5.67 UP	9.23E- 04
65	NM_006169	Homo sapiens nicotinamida N-metiltransferasa (NNMT), ARNm	5.66 UP	2.18E- 05

ES 2 569 421 T3

5	H46176	yoi4ail.sl Soares cerebro adulto N2b5HB55Y Homo sapiens ADNc clon IMAGE-0.177884 3, secuencia de ARNm	5.65 UP	1.88E- 05
10	NM_024306	Homo sapiens ácido graso 2-hidroxilasa (FA2H), ARNm	5.63 UP	4.19E- 03
15	BX110683	BX110683 NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998E175727; IMAGE: 2310904, secuencia de ARNm	5.62 UP	7.42E- 04
20	NM_030765	Homo sapiens UDP-GlcNAc: betaGal beta-1,3- N-acetilglucosaminiltransferasa 4 (B3GNT4), ARNm	5.58 UP	1.80E- 03
25	NM_003929	Homo sapiens RAB7, miembro RAS oncogén Familiar tipo 1 (RAB7L1), ARNm	5.55 UP	2.14E- 05
30	AI220066	qg84dOi xl Soares_NFL_T_GBC_Si Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1841857 3, secuencia de ARNm	5.54 UP	2.13E- 05
35	AA664452	ae94d02.sl células estromales de la médula ósea humana Homo sapiens IMAGEN clon de ADNc: 1026723 3 similar al elemento contiene LTR4 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	5.54 UP	4.13E- 05
40				
45	NM_007237	Homo sapiens SP14O proteína corporal nuclear (SP14O), variante de transcripción 1, ARNm	5.53 UP	2.41 E- 04
	NM_173662	Homo sapiens hipotética proteína LOC285533 (LOC285533), ARNm	5.52 UP	3.69E- 03
	NM_003020	Homo sapiens gránulos de secreción, la proteína neuroendocrina 1 (7B2 proteína) (SGNE1), ARNm	5.52 UP	2.08E- 04
50	NM_206808	Homo sapiens citrato beta-liasas como (CLYBL), variante de transcripción 2, ARNm	5.52 UP	1.87E- 04
55	NM_004867	Homo sapiens integrante 2A proteína de membrana (ITM2A), ARNm	5.51 UP	2.13E- 05
	NM_006333	Homo sapiens proteína nuclear de unión al ADN (C1D), variante de transcripción 1, ARNm	5.51 UP	7.84E- 04
60	NM_014251	Homo sapiens soluto transportista familia 25, el miembro 13 (citrina) (SLC25A13), ARNm	5.5 UP	5.96E- 04
	NM_006863	Homo sapiens receptor de leucocitos similar a una inmunoglobulina, subfamilia A (con dominio TM), miembro 1 (LILRA1), ARNm	5.49 UP	6.51E- 05
65	AK057166	ADNc Homo sapiens FLJ32604 nosotros, clon STOMA1000133	5.49 UP	1.85E- 03

ES 2 569 421 T3

	NM_000076	Homo sapiens inhibidor de la quinasa dependiente de ciclina IC (p57, Kip2) (CDKN1C), ARNm	5.48 UP	4.65E- 05
5	BC040701	ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5736259, cds parcial	5.47 UP	1.48E- 04
	NM_152765	Homo sapiens hipotética proteína MGC33510 (MGC33510), ARNm	5.46 UP	4.76E- 05
10				
	NM_019034	Homo sapiens familia ras gen homólogo, miembro de F (en filopodios) (RHOF), ARNm	5.46 UP	2.64E- 05
15				
	S81734	transglutaminasa tisular homólogo (Corte y empalme alternativo) [humana, eritroleucemia línea celular HEL GMO6141A, ARNm, 2362 nt]	5.46 UP	3.92E- 05
20				
	BM670793	UI-E-DX1-agv-p-03-0-UI.s1 UI-E-DX1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-DX1-AGV-p-03-0-U13, secuencia de ARNm	5.46 UP	3.77E- 05
25				
	NM_002829	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 3 (PTPN3), ARNm	5.45 UP	4.79E- 05
30				
	BM727151	IU-E-EJO-Aij-f-05-0-UI.rl UI-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO-Aij-f-05-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.45 UP	4.13E- 05
35				
	BF966833	602286668T1 NIH_MGC_95 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 4375360 3, secuencia de ARNm	5.45 UP	2.83E- 05
40				
	NM_004904	Homo sapiens cAMP elemento sensible a proteína de unión 5 (CREB5), ARNm	5.44 UP	1.09E- 04
45				
	AA635788	nr32hOI.s1 NCI_CGAP_PR22 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1169713 3 similar a contiene Alu elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	5.43 UP	2.02E- 03
50				
	BM701989	UI-E-CQ1-AEX-j-06-0-UI.rl IU-E-CQ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CQ1-AEX-j-06-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.42 UP	7.55E- 04
55				
	NM_020665	Homo sapiens proteína transmembrana 27 (TMEM27), ARNm	5.4 UP	5.46E- 05
60				
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_019034	Homo sapiens familia de genes ras homólogo, miembro de F (en filopodios) (RHOF), ARNm	5.39 UP	5.72E- 05
10	NM-017912	Homo sapiens dominio hect y RLD 6 (HERC6), ARNm	5.38 UP	5.85E- 05
15	NM_152433	Homo sapiens repetición kelch y BTB (POZ) dominio que contiene 3 (KBTBD3), variante transcripción 1, ARNm	5.37 UP	4.29E- 04
20	CA314843	UI-CF-FNO-afi-a-06-0-UI.sl UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-afi-a-06-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.37 UP	2.05E- 04
25	NM_006058	Homo sapiens TNFAIP3 interacción de proteínas 1 (Tnip1), ARNm	5.36 UP	2.25E- 03
30	BU191317	Agencourt 8074912 NIH_MGC_110 Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 6086274 5, secuencia de ARNm	5.36 UP	4.45E- 02
35	AL049437	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp586E112O (A partir del clon DKFZp586E1 120)	5.34 UP	7.78E- 04
40	NM_030952	Homo sapiens probable ortólogo de rata SNF1 / AMP-proteína quinasa activada (SNARK), ARNm	5.31 UP	4.21E- 05
45	NM_004170	Homo sapiens soluto transportista familia 1 (Epitelial glutamato neuronal / alta afinidad transportador, sistema de Xag), miembro 1 (SLC1A1), ARNm	5.31 UP	1.15E- 04
50	AW269776	xv45b09.xl Soares NFLTGBCS1 Homo sapiens cDNA clon IMAGEN: 2816057 3, secuencia de ARNm	5.3 UP	1.97E- 04
55	BM977716	UI-CF-EN1-aef-b-21-O-UI.sl UI-CF-EN1 Homo sapiens clon de ADNc de IU-CF-ES1-aef-b-21-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.3 UP	4.01E- 03
60	AK023658	ADNc Homo sapiens FLJ13596 fis, clon PLACE1009637	5.29 UP	6.83E- 04
65	AF196185	Homo sapiens PKC atípicas específico de isotipo interactuando mRNA largo variante de la proteína, cds completos	5.28 UP	4.57E- 05

ES 2 569 421 T3

5	AL045014	DKFZp434F1 34_s1 434 (sinónimo: htes3) Homo sapiens ADNc clon DKFZp434F1 34 3, secuencia de ARNm	5.27 UP	2.67E- 05
10	NM_004496	Homo sapiens caja forkhead A1 (FOXA1), ARNm	5.27 UP	2.88E- 03
15	NM_033132	miembro de la familia Homo sapiens Zic 5 (impar de pares de homólogo, Drosophila) (ZIC5), ARNm	5.26 UP	2.09E- 05
20	NM_198182	Homo sapiens factor de transcripción CP2-como 2 (TFCP2L2), variante de transcripción 2, ARNm	5.26 UP	1.35E- 02
25	NM_001657	Homo sapiens anfirregulina (factor de crecimiento derivado de schwannoma) (AREG), ARNm	5.26 UP	3.99E- 05
30	R92346	yqO6bIO.sl Soares bazo hígado fetal 1NFLS Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 196123 3, secuencia de ARNm	5.25 UP	1.16E-04
35	BX537539	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686A1130 (A partir del clon DKFZp686A1130)	5.25 UP	4.80E- 04
40	ABO41269	Homo sapiens ARNm de queratina 19, cds parcial, aislar: K19-141	5.23 UP	1.15E-02
45	BX090717	BX090717 NCI_CGAP_Kid5 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998O1 54699;IMAGE: I9I6390, secuencia de ARNm	5.2 UP	9.02E- 04
50	AK025743	ADNc Homo sapiens: FLJ22090 fis, clon HEP16084	5.2 UP	1.04E- 04
55	NM_002413	Homo sapiens microsomales glutatión S- transferasa 2 (MGST2), ARNm	5.2 UP	3.34E- 05
60	AA780946	ag99ci2.sl GesslerWilmstumor Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1155286 3, secuencia de ARNm	5.2 UP	2.40E- 04
65	NM_032488	Homo sapiens cornifelin (CNFN), ARNm	5.2 UP	1.78E- 05
	NM_024997	Homo sapiens factor de activación de transcripción 7 proteína de interacción 2 (ATF7IP2), ARNm	5.19 UP	2.40E- 03

ES 2 569 421 T3

	NM_002222	Homo sapiens inositol 1,4,5-trifosfato del receptor, tipo 1 (ITPR1), ARNm	5.19 UP	1.41E-04
5	NM_000784	Homo sapiens citocromo P450, la familia de 27 años, subfamilia A, polipéptido 1 (CYP27A1), nuclear gen que codifica la proteína mitocondrial, ARNm	5.17 UP	7.39E-03
10				
	NM_005760	Homo sapiens CCAAT / potenciador de la unión zeta proteína (CEBPZ), ARNm	5.16 UP	5.52E-05
15	BQ011746	UI-1-BC1 p-ATK - b-09-0-T SI NCI_CGAP_P13 Homo sapiens CONA clon de IU-i -BC1 p-ATK-b-09-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.16 UP	5.86E-04
20				
	NM_032728	Homo sapiens cromosoma 9 de lectura abierta fotograma 67 (C9orf67), ARNm	5.15 UP	1.85E-03
25				
	NM_005755	Homo sapiens virus de Epstein-Barr inducida gen 3 (EBI3), ARNm	5.15 UP	2.33E-04
30	AK056852	ADNc Homo sapiens FLJ3229Ofis, clon PROST2000463	5.15 UP	1.32E-03
35	AK054990	ADNc Homo sapiens FLJ30428 fis, clon BRACE2008941	5.15 UP	1.85E-03
40	D54580	HUM144GO1B Clontech cerebro fetal humano poliA+ ARNm (# 6535) ADNc Homo sapiensclon GEN-144G0i 5, secuencia de ARNm	5.13 UP	2.03E-04
45	AL137535	ARNm sapiens Homo; ADNc DKFZp434H2O19 (De DKFZp434H2O1 clon 9)	5.13 UP	2.45E-02
50	ALI10252	Homo sapiens m ARN; ADNc DKFZp566A1046 (A partir del clon DKFZp566A1046)	5.12 UP	2.19E-03
55	AI659523	tt99d12.xl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-2249687 3, secuencia de ARNm	5.1 UP	1.16E-03
60				
	AW137001	UI-H-BI 1 -acu-c-05-0-UI si NCICGAPSub3 ADNc Homo sapiens IMAGE clon-0.2715632 3, secuencia de ARNm	5.1 UP	6.90E-05
65	BM969331	UI-CF-DU1-aar-g-23-0-UI. sl UI-CF-DU1 ADNc Homo sapiens clon UI-CF-DU1-aar-g-23-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.08 UP	3.31E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_178823	Homo sapiens cromosoma 6 marco de lectura abierto 165 (C6orf165), ARNm	5.08 UP	3.66E- 05
10	NM_018476	Homo sapiens cerebro expresa, ligada al cromosoma X 1 (BEX1), ARNm	5.06 UP	3.05E- 05
15	BF107212	601824290F1 NIH MGC79 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 4043879 5, secuencia de ARNm	5.06 UP	1.75E- 04
20	NM_052890	Homo sapiens reconocimiento de la proteína peptidoglicano 2 (PGLYRP2), ARNm	5.05 UP	3.95E05
25	BX459043	BX459043 Homo sapiens sapiens PLACENTA Homo clon de ADNc CSODEO11YN1O 3PRIME, secuencia de ARNm	5.03 UP	2.88E- 05
30	NM_032857	Homo sapiens lactamasa beta (LACTB), proteína mitocondrial gen que codifica nuclear, transcripción variante 1, ARNm	5.02 UP	1.76E- 05
35	NM_022746	Homo sapiens proteína hipotética FLJ22390 (FLJ22390), ARNm	5.02 UP	4.49E- 04
40	AK025909	ADNc Homo sapiens: FLJ22256 fis, clon HRC02860	5.02 UP	4.54E- 04
45	NM_002247	Homo sapiens canales de potasio activados por calcio de gran conductancia, subfamilia M, miembro de la alfa 1 (KCNMA1), ARNm	5.02 UP	1.33E- 03
50	AI434849	hasta 3b01 .x1 NCLCGAP_KId1 1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2130313 3 similar a contiene MER37.bl MER37 MER37 repetitivo elemento ;, secuencia de ARNm	5.01 UP	2.82E- 04
55	AK091933	ADNc Homo sapiens FLJ34614 fis, clon KIDNE2014268	5.01 UP	2.18E- 05
60	NM_004331	Homo sapiens BCL2 / adenovirus E1 B I9kDa interacción de proteínas 3-como (BNIP3L), ARNm	5 UP	3.53E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

5	AL119769	DKFZp761E1224r1 761 (sinónimo: hamy2) Homo sapiens clon de ADNc DKFZp761 E1 224 5, secuencia de ARNm	5 UP	1.92E- 03
10	NM_001451	Homo sapiens caja de cabeza de horquilla FI (FOXF1), ARNm	465.04 Abajo	2.67E- 05
15	NM_I44594	Homo sapiens hipotética proteína FLJ32942 (FLJ32942), ARNm	379.94 Abajo	1.12E- 05
20	NM_002421	Homo sapiens matriz metaloproteinasas 1 (Colagenasa intersticial) (MMP1), ARNm	365.32 Abajo	2.43E- 05
25	AK026784	ADNc Homo sapiens: FLJ23131 fis, clon LNG08502	331.17 Abajo	8.46E- 06
30	NM_016307	Homo sapiens emparejado homeobox relacionado 2 (PRRX2), ARNm	309.99 Abajo	8.39E- 06
35	NM_006350	Homo sapiens follistatina (FST), transcripción variante FST317, ARNm	232.51 Abajo	8.39E- 06
35	NM_000089	Homo sapiens colágeno, tipo I, alfa 2 (COL1A2), ARNm	220.95 Abajo	2.96E- 05
35	NM_007036	Homo sapiens endotelial de células específicas molécula 1 (ESM1), ARNm	217.57 Abajo	2.01E- 05
40	AKO21543	ADNc Homo sapiens FLJ11481 fis, clon BA1HEM001803	215.51 Abajo	2.31E- 05
45	NM_004460	Homo sapiens proteína de activación uibroblast, alfa (FAP), ARNm	205.38 Abajo	1.15E- 05
45	AK122739	ADNc Homo sapiens FLJ16260 nosotros, clon 1MR322006947, muy similar a Rattus norvegicus ARNm para la proteína Dhand	190.76 Abajo	1.15E- 05
50	NM_000474	Homo sapiens homólogo de giro 1 (Acrocefalosindactilia 3; síndrome de Saethre-Chotzen) (Drosophila) (TWIST1), ARNm	151.94 Abajo	5.23E- 06
55	NM_152270	Homo sapiens hipotética proteína FLJ34922 (FLJ34922), ARNm	144.24 Abajo	1.73E- 05
55	NM_001884	Homo sapiens proteína de unión de hialuronano y proteoglicanos 1 (HAPLN1), ARNm	134.45 Abajo	2.18E- 05
60	NM_000710	Homo sapiens bradicinina receptor de B1 (BDKRB1), ARNm	132.74 Abajo	1.18E- 05
65	NM_021637	Homo sapiens proteína transmembrana de 35 (TMEM35), ARNm	126.76 Abajo	8.39E- 06

ES 2 569 421 T3

	NM_006350	Homo sapiens follistatina (FST), variante de transcripción FST317, ARNm	106.55 Abajo	2.28E- 05
5				
	NM_000362	Homo sapiens tejido inhibidor de loproteínasa de metal 3 (Sorsby distrofia del fondo de ojo, pseudoinflamatoria) (TIM P3), ARNm	102.59 Abajo	1.76E- 05
10				
	NM_002091	Homo sapiens péptido liberador de gastrina (GRP), ARNm	101.58 Abajo	2.46E- 05
	NM_000609	Homo sapiens quimiocina (C-X-C con motivos) ligando 12 (estroma factor derivado de células-1) (CXCL1 2), ARNm	97.42 Abajo	3.48E- 05
15				
	NM_032638	Homo sapiens proteínas GATA 2 (GATA2), ARNm	84.58 Abajo	1.37E- 05
20				
	NM_198148	Homo sapiens carboxipeptidasa X unión (M14 familia), miembro 2 (CPXM2), ARNm	77.44 Abajo	9.50E- 05
25				
	W38393	zb15c07.rl Soares_fetaljung_NbHL1 9W Homo sapiens ADNc clon IMAGE-0.302124 5, secuencia de ARNm	77.37 Abajo	1.26E- 05
30				
	AL831863	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp761J2O17 (A partir del clon DKFZp761J2O17)	77.09 Abajo	2.65E- 05
35				
	AB067499	ARNm Homo sapiens para la proteína KIAA1912, cds parcial	76.12 Abajo	3.65E- 05
40				
	BX089019	BX089019 Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998K243513; IMAGEN: 1391375, secuencia de ARNm	72.98 Abajo	1.25E- 05
45				
	A1962169	wq45c1O.xi NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2474226 3, secuencia de ARNm	65.52 Abajo	4.53E- 05
50				
	NM_139211	Homo sapiens proteínas homeodominio de sólo (HOP), variante de transcripción 2, ARNm	64.01 Abajo	1.72E- 05
55				
	CD677332	ho1SfO6.yl malla trabecular humano ADNc: hohphq Homo sapiens clon de ADNc hoi5fO6 5, secuencia de ARNm	63.91 Abajo	2.35E- 05
60				
	NM_001442	Homo sapiens proteína de unión de ácidos grasos 4, adipocito (FABP4), ARNm	63.47 Abajo	1.37E- 05
65				
	NM_205855	Homo sapiens HWKM194O (UN01940), ARNm	58.05 Abajo	1.89E- 05

ES 2 569 421 T3

5	W03013	zaO2cO4.rl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-291366 5 similar a que contiene THR.t3 THR elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	53.58 Abajo	2.67E- 06
10				
15	NM_002852	Homo sapiens gen relacionado pentaxin-, rápidamente inducida por IL-1 beta (PTX3), ARNm	53.13 Abajo	8.15E- 04
20	NM_024633	Homo sapiens cromosoma 14 marco de lectura abierto fotograma 139 (Cl 4orf1 39), ARNm	51.58 Abajo	3.58E- 05
25	AK021543	ADNc Homo sapiens FLJ11481 fis, clon BA1 HEM001803	51.28 Abajo	1.09E- 04
30	NM_002593	Homo sapiens procolágeno C-endopeptidasa potenciador (PCOLCE), ARNm	48.32 Abajo	2.03E- 05
35	A1422199	tf58d04.x 1 NCI_CGAP_Brn23 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.2103463 3, secuencia de ARNm	48.23 Abajo	4.98E- 05
40	NM_014459	Homo sapiens protocadherin 17 (PCDH17), ARNm	45.53 Abajo	2.11E- 05
45	NM_016588	Homo sapiens Neuritina 1 (NRN1), ARNm	44.52 Abajo	1.78E- 05
50	NM_012242	Homo sapiens Dickkopf homólogo 1 (Xenopus laevis) (DKK1), ARNm	43.26 Abajo	7.16E- 06
55	NM_000685	Homo sapiens receptor de la angiotensina II, tipo 1 (AGTR1), variante de transcripción 1, ARNm	42.51 Abajo	2.57E- 04
60	AK056725	ADNc Homo sapiens FLJ32163 fis, clon PLACE6000371	42.21 Abajo	2.67E- 06
65	A1124557	am58g02.xl Homo sapiens corteza frontal Johnston ADNc clon IMAGE: 1539794 3, secuencia de ARNm	41.42 Abajo	8.25E- 03
	NM_020404	Homo sapiens CD164 tipo sialomucina 1 (CD164L1), ARNm	39.82 Abajo	2.32E- 05
	NM_015170	Homo sapiensulfatasa 1 (SULF1), ARNm	38.91 Abajo	2.36E- 05

ES 2 569 421 T3

5	CA843592	ir49c12.xl HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6548544 3, secuencia de ARNm	37.67 Abajo	1.25E-05
10	AY335938	Homo sapiens proteínas de homeodominio IRXA1 (Irx1) ARNm, cds completos	36.92 Abajo	3.15E-05
15	NM_002961	Homo sapiens proteína de unión de calcio (S100A4) (Proteína de calcio, calvasculina, metastasina, murino homólogo de la placenta) (SIOOA4), variante de transcripción 1, ARNm	35.31 Abajo	6.57E-05
20	AK091731	ADNc Homo sapiens FLJ3441 2 fis, clon HEART2002432	34.47 Abajo	2.83E-05
25	NM_006329	Homo sapiens fibulin 5 (FBLN5), ARNm	34.03 Abajo	4.55E-05
30	B0020357	UI-H-EDO-axk-p-07-0-ULs1 NCI_CGAP_EDO Homo sapiens ADNc clon IMAGE-.5830134 3, secuencia de ARNm	33.2 Abajo	1.82E-05
35	NM_018013	Homo sapiens proteína hipotética FLJ10159 (FLJ10159), ARNm	32.86 Abajo	1.15E-05
40	NM_002402	Homo sapiens mesodermo transcripción específica homólogo (ratón) (MEST), variante de transcripción 1, ARNm	32.83 Abajo	2.14E-05
45	B0001571	UI-H-DH1-awr-i-1 8-0-UI.sl NCI_CGAP_DH1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5893337 3, secuencia de ARNm	32.34 Abajo	8.96E-06
50	NM_032777	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado a 124 (GPR124), ARNm	31.96 Abajo	1.18E-04
55	AK124396	ADNc Homo sapiens FLJ42405 fis, clon ASTRO3000474	31.36 Abajo	2.24E-05
60	NM_002448	Homo sapiens msh homeoboc homólogo 1 (Drosophila) (MSX1), ARNm	31.23 Abajo	2.03E-05
65	NM_000090	Homo sapiens colágeno, tipo III, alfa 1 (Ehlers-Danlos tipo IV, autosómica dominante) (COL3A1), ARNm	29.77 Abajo	3.23E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM-001147	Homo sapiens angiopoietin 2 (ANGPT2), ARNm	29.68 Abajo	2.51E- 05
	NM-001146	Homo sapiens angiopoyetina 1 (ANGPT1), variante de transcripción 1, ARNm	29.26 Abajo	6.83E- 05
10	NM_000576	Homo sapiens interleucina 1, beta (IL1B), ARNm	29.06 Abajo	1.15E- 05
	AF052115	Homo sapiens clon secuencia de ARNm 23688	26.15 Abajo	1.15E- 05
15	NM_006439	Homo sapiens MAB-21-como 2 (C. elegans) (MAB21L2), ARNm	25.51 Abajo	1.20E- 04
20	NM_016192	Homo sapiens proteína transmembrana con folistatinas dominios similares a EGF-like y dos 2 (TMEFF2), ARNm	25.46 Abajo	2.55E- 05
25	NM_002575	Homo sapiens serina (o cisteína) proteinasa inhibidor, Dade B (ovoalbúmina), miembro 2 (SERPINB2), ARNm	24.67 Abajo	5.40E- 05
30	NM_007361	Homo sapiens nidogen 2 (osteonidogen) (NID2), ARNm	23.56 Abajo	2.64E- 05
35	NM_152399	Homo sapiens proteína hipotética FLJ30834 (FLJ30834), ARNm	23.42 Abajo	6.51E- 05
40	NM_203370	Homo sapiens similar a RIKEN ADNc 65304181-21 (LOC389119), ARNm	22.99 Abajo	1.43E- 05
45	NM_001002295	Homo sapiens GATA proteínas de unión a 3 (GATA3), variante de transcripción 1, ARNm	22.51 Abajo	1.41E- 04
	AK093256	ADNc Homo sapiens FLJ35937 fis, clon TEST12011480	22.26 Abajo	3.04E- 05
50	U83115	Proteína beta gamma cristalina no lente humana (1) AIM ARNm, cds parcial	22.18 Abajo	3.77E- 05
55	NM_006475	Homo sapiens periostina, factor de osteoblasto específico (POSTN), ARNm	21.99 Abajo	7.38E- 05
60	NM_014178	Homo sapiens proteína de unión syntaxina 6 (amisina) (STXBP6), ARNm	21.69 Abajo	3.36E- 05
	NM_005127	Homo sapiens tipo C (dependiente de calcio, dominio de hidratos de carbono de reconocimiento) lectina, miembro de la superfamilia 2 (con la activación inducida) (CLECSF2), ΔRNm	21.46 Abajo	3.71E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_022475	Homo sapiens interacción de proteínas hedgehog (Hhip), mRNA	21.42 Abajo	4.57E-05
10	BX112628	BX112628 Soares_fetaljung_NbHLI 9W Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998A09669 IMAGEN: 299024, secuencia de ARNm	20.99 Abajo	4.47E-05
15	NM_000810	Homo sapiens ácido gamma-aminobutírico (GABA) receptor A, alfa 5 (GABRA5), ARNm	20.84 Abajo	5.50E-05
20	BQ934941	Agencourt 8810373 NIH_MGC_101 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN-.6429485 5, secuencia de ARNm	20.45 Abajo	2.55E-05
25	BC071787	Homo sapiens IMAGE clon de ADNc-0,4610527, cds parcial	20.44 Abajo	1.25E-05
30	NM_033292	Homo sapiens caspasa 1, apoptosis relacionada cisteína proteasa (interleucina 1, beta, convertasa) (CASP1), variante de transcripción alfa, ARNm	19.88 Abajo	6.18E-05
35	NM_020809	Homo sapiens proteína activadora de Rho GTPasa 20 (ARHGAP20), ARNm	19.54 Abajo	5.26E-05
40	BE866150	601679068F1 NIH_MGC_53 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3961 768 5, secuencia de ARNm	19.3 Abajo	2.38E-05
45	AWO21686	df26hl l.yl Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2484717 5, secuencia de ARNm	18.86 Abajo	2.59E-05
50	BX109483	BX109483 NCI CGAP_0v23 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998C165481 IMAGE: 2216391, secuencia de ARNm	18.74 Abajo	9.84E-05
55	NM_001463	Homo sapiens proteína relacionada con frizzled (FRZB), ARNm	18.63 Abajo	2.05E-04
60	AK128325	ADNc Homo sapiens FLJ46467fis, clonTHYMU3022668	18.11 Abajo	1.78E-05
65	AK096661	ADNc Homo sapiens FLJ39342 fis, clon OCBBF2O18873	17.95 Abajo	5.14E-05

ES 2 569 421 T3

	NM_002531	Homo sapiens receptor de neurotensina 1 (alta afinidad) (NTR1), ARNm	17.64 Abajo	5.02E-05
5	NM_031908	Homo sapiens Clq y el factor de necrosis tumoral proteína relacionada 2 (C1QTNF2), ARNm	17.61 Abajo	1.23E-04
10	A1085016	ow88e06.s1 Homo SoaresfetaLliverspleen1 NF1L1_S1 sapiens ADNc clon IMAGE: 1653922 3, secuencia de ARNm	17.36 Abajo	4.39E-05
15	AK095791	ADNc Homo sapiens FLJ38472 nosotros, clon FEBRA2O22148	17.31 Abajo	2.76E-04
20	NM_020927	Homo sapiens proteína K1AA1576 (K1AA1576), ARNm	17 Abajo	2.13E-05
25	NM_024600	Homo sapiens cromosoma 16 marco de lectura abierto 30 (C16orf30), ARNm	16.96 Abajo	6.00E-04
30	NM_012449	Homo sapiens seis transmembrana epitelial antígeno de la próstata (STEAP), ARNm	16.92 Abajo	5.06E-05
35	NM_004787	Homo sapiens raja homólogo 2 (Drosophila) (SLIT2), ARNm	16.69 Abajo	1.78E-05
40	N95448	zb81ell.sl Soares_senescent_fibroblastsNbHSF Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 310028 3, secuencia de ARNm	16.55 Abajo	1.72E-05
45	NM_004657	Homo sapiens suero respuesta privación (Proteína de unión a fosfatidilserina) (SDPR), ARNm	16.4 Abajo	1.60E-05
50	BC046364	Homo sapiens flavoproteínas oxidoreductasa MICAL3, ARNm (clon de ADNc IMAGE: 57371 21), con el intrón retenido aparente	16.35 Abajo	1.15E-05
55	NM_053044	Homo sapiens HTRA3 serina proteasa (HTRA3), ARNm	16.29 Abajo	3.77E-05
60	BQ011545	UI-1-BC1p-asi-a-02-0-UI.sl NCI_CGAP_P13 ADNc Homo sapiens clon de IU-1BC1 p-ASI-a-020-UI 3, secuencia de ARNm	16.22 Abajo	5.21E-04
65	BC017939	Homo sapiens, clon de la imagen: 427571 1, ARNm, cds parcial	15.98 Abajo	5.83E-05
	NM_007289	Homo sapiens membrana metaloendopeptidasa (endopeptidasa neutra, encefalinasa, CALLA, CD10) (MME), transcripción variante 2b, ARNm	15.83 Abajo	3.04E-05

ES 2 569 421 T3

5	CA437861	UI-H-DHO-aur-k-12-0-UI.s1 NCICGAP_DHO ADNc Homo sapiens clon UI-H-DHO-aur-k-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	15.77 Abajo	2.56E-04
10	NM_006182	Homo sapiens discoidina familia de receptores de dominio, miembro 2 (DDR2), ARNm	15.71 Abajo	4.79E-05
	NM_145239	Homo sapiens similar a la de los linfocitos antígeno 6 compleja, locus G5B; G5b proteína; marco de lectura abierto 31 (LOC112476), ARNm	15.64 Abajo	3.37E-05
15	H15096	ym29ei 1.0 Soares cerebro infantil 1 NIB ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 49250 5, secuencia de ARNm	15.58 Abajo	2.20E-04
20	NM_002851	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, de tipo receptor, polipéptido Z 1 (PTPRZ1), ARNm	15.57 Abajo	1.90E-04
25	NM_014217	Homo sapiens canal de potasio, K subfamilia, miembro 2 (KCNK2), ARNm	15.13 Abajo	1.31E-04
	NM_000963	Homo sapiens ptgs2 (prostaglandina G / H sintasa y ciclooxigenasa) (PTGS2), ARNm	14.94 Abajo	1.88E-05
30	BX115659	BX115659 Soares_total_fetus Nb2H F8_9w Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998C2041 19 IMAGE: 1623883, secuencia de ARNm	14.81 Abajo	2.66E-04
35				
40	NM_002729	Homo sapiens expresaron hematopoyéticamente homeobox (HHEX), ARNm	14.78 Abajo	1.09E-03
45	A1082087	oz52h09.xl Homo SoaresnescentfibroblastsNbHSF sapiens clon de ADNc IMAGE-.1679009 3, secuencia de ARNm	14.73 Abajo	3.66E-05
50	NM_018431	Homo sapiens proteína de acoplamiento 5 (DOK5), variante transcripción 1, ARNm	14.67 Abajo	8.15E-04
55	NM_004791	Homo sapiens integrina, beta tipo 1 (con EGF igual que los dominios de repetición) (ITGBLI), ARNm	14.42 Abajo	2.18E-05
60	AK021531	ADNc Homo sapiens FLJ11469fis, clon HEMBA1001658	14.36 Abajo	5.21E-04
65	NM_057179	Homo sapiens giro homólogo 2 (Drosophila) (TWIST2), ARNm	14.27 Abajo	1.25E-05
	NM_003619	Homo sapiens proteasa, serina 12 (Neurotripsina, motopsin) (PRSS12), ARNm	14.1 Abajo	1.78E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_002518	Homo sapiens neuronal proteína del dominio PAS 2 (NPAS2), ARNm	14.05 Abajo	5.49E-05
10	NM_000396	Homo sapiens catepsina K (pyonodysostosis) (CTSK), ARNm	13.81 Abajo	2.31E-04
15	NM_016206	Homo sapiens carcinoma de colon relacionados con la proteína (FLJ38507), ARNm	13.76 Abajo	1.81E-04
20	NM_021643	Homo sapiens tribbles homólogo 2 (Drosophila) (Trib2), ARNm	13.62 Abajo	8.39E-06
25	NM_000955	Homo sapiens receptor E de la prostaglandina 1 (Subtipo EP1), 42 kDa (PTGER1), ARNm,	13.52 Abajo	1.70E-05
30	NM_058187	Homo sapiens cromosoma 21 marco de lectura abierto fotograma 63 (C21orf63), ARNm	13.44 Abajo	1.53E-04
35	CN479391	IU-H-DF1 -aug-f-02-0-D I .s9 NCI_CGAP_DF 1 Homo sapiens clon de ADNc UI-H-DF1-ago-f-02-0-UI 3, secuencia de ARNm	13.26 Abajo	8.65E-05
40	NM_006209	Homo sapiens ectonucleotide pirofosfatasa / fosfodiesterasa 2 (Autotaxina) (ENPP2), ARNm	13.21 Abajo	3.28E-04
45	NM_005584	Homo sapiens MAB-21 tipo 1 (C. elegans) (MAB21L1), ARNm	12.73 Abajo	1.01E-04
50	BM468332	AGENCOURT_6432296 NIH_MGC_71 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5535773 5, secuencia de ARNm	12.64 Abajo	2.13E-05
55	NM_020353	Homo sapiens escramblasa fosfolípido 4 (PLSCR4), ARNm	12.39 Abajo	2.08E-04
60	NM_031302	Homo sapiens glicosiltransferasa (L0C83468), ARNm	12.39 Abajo	1.88E-03
65	NM_005308	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado a 5-quinasa (GRK5), ARNm	12.28 Abajo	1.18E-04
	NM_032883	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 100 (C20orf100), ARN	12.17 Abajo	1.78E-05
	NM_000110	Homo sapiens dihidropirimidina deshidrogenasa (DPYD), ARNm	12.16 Abajo	2.75E-05
	B1J536871	Agencourt 10224340 NIH MGC_141 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 6565454 5, secuencia de ARNm	12.05 Abajo	4.21E-05
	NM_016270	Homo sapiens Kruppel como factor de 2 (pulmón) (KLF2), ARNm	11.98 Abajo	1.94E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_005110	Homo sapiens glutamina-fructosa-6-fosfato transaminasa 2 (GFPT2), ARNm	11.92 Abajo	2.93E-05
	AK130711	ADNc Homo sapiens FLJ27201 fis, clonSYNO3133	11.81 Abajo	5.02E-05
10	BM991890	UI-H-DF1 -auk-h-02-0-UI.sl NCICGAPDF1 Homo sapiens cDNA clon IMAGEN: 5870641 3, secuencia de ARNm	11.78 Abajo	2.03E-05
15	NM_000304	Homo sapiens proteína mielina periférica 22 (PMP22), variante de transcripción 1, ARNm	11.77 Abajo	1.04E-03
20	BM926469	Agencourt 6644776 NIH_MGC_122 Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 5766855 5, secuencia de ARNm	11.53 Abajo	7.16E-06
25				
30	NM_001424	Homo sapiens proteína de membrana epitelial 2 (EMP2), ARNm	11.39 Abajo	5.12E-04
	AK093762	ADNc Homo sapiens FLJ3644311s, clon THYMU201289	11.18 Abajo	1.34E-04
35	NM_006288	Homo sapiens superficie celular de antígeno Thy-1 (Thy1), ARNm	11.17 Abajo	4.26E-04
40	NM_006183	Homo sapiens neurotensina (NTS), ARNm	11.14 Abajo	8.52E-04
	NM_002522	Homo sapiens pentraxina neuronal I (NPTX1), ARNm	11.08 Abajo	3.03E-04
45	NM-016428	Homo sapiens ABI familia de genes, miembro 3 (ABI3), ARNm	11.03 Abajo	2.83E-05
50	NM-001769	Homo sapiens antígeno CD9 (p24) (CD9), ARNm	11.03 Abajo	2.45E-04
	AL833655	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp66700320 (A partir del clon DKFZp66700320)	10.8 Abajo	1.73E-05
55	R56121	yg94d04.sl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 41388 3, secuencia de ARNm	10.64 Abajo	1.04E-04
60	NM_012445	Homo sapiens espondina 2, proteína matriz extracelular (SPON2), ARNm	10.63 Abajo	1.36E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_004811	Homo sapiens leupaxin (LPXN), ARNm	10.6 Abajo	2.09E- 05
	NM_002977	Homo sapiens canal de sodio, dependiente de voltaje, tipo IX, alfa (SCN9A), ARNm	10.51 Abajo	2.09E- 05
10	B1598031	603248155F1 NIH_MGC_96 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5300149 5, secuencia de ARNm	10.5 Abajo	3.34E- 05
15	NM_173553	Homo sapiens hipotética proteína FLJ25801 (FLJ25801), ARNm	10.49 Abajo	2.32E- 05
20	NM-001311	Homo sapiens proteína rica en cisteína 1 (Intestinal) (CRIP1), ARNm	10.31 Abajo	2.73E- 05
25	NM_015916	Homo sapiens familia con similitud de secuencias 26, el miembro B (FAM26B), ARNm	10.28 Abajo	1.59E- 04
	NM_005595	Homo sapiens factor nuclear de E / A (NFIA), ARNm	10.12 Abajo	7.43E- 04
30	NM_182728	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 7 (catiónico transportador de aminoácidos, y sistema +), miembro 8 (TUGURIOS), transcripción variante 2, ARNm	9.98 Abajo	6.78E- 05
35				
40	NM_152996	Homo sapiens sialiltransferasa 7 ((alfa-N-acetil neuraminyl-2,3-beta-galactosil-1,3)N-acetil galactosaminida alfa-2,6-sialiltransferasa) C (SIAT7C), ARNm	9.95 Abajo	1.25E- 05
45				
50	AK091713	ADNc Homo sapiens FLJ34394 fis, clon HCH0N2000676	9.92 Abajo	2.31E- 05
	AK022877	ADNc Homo sapiens FLJ12815 fis, clon NT2RP2002546	9.89 Abajo	3.15E- 05
55	NM_194250	Homo sapiens similar a C630007C17R1k proteína (LOC91752), ARNm	9.84 Abajo	7.08E- 05
60	BC039450	Homo sapiens, clon IMAGE: 5311619, ARNm	9.77 Abajo	2.60E- 04
	NM_031894	Homo sapiens ferritina, similar a polipéptido pesado 17 (FTHL17), ARNm	9.76 Abajo	5.99E- 04

65

ES 2 569 421 T3

5	B1561641	603256058F1 NIH_MGC_97 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 5298374 5, secuencia de ARNm	9.68 Abajo	1.96E-03
10	BC028245	Homo sapiens, similar al gen hipotético LOC1 30797, clon IMAGE: 5395354, ARNm	9.68 Abajo	1.88E-05
15	NM_031957	Homo sapiens queratina proteína asociada 1-5 (KRTAP1-5), ARNm	9.66 Abajo	2.31E-05
20	AA947461	ok2OfO3.sl Soares_NSF_F8_9W_OTPA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1508381 3, secuencia de ARNm	9.56 Abajo	4.34E-05
25	AK127309	ADNc Homo sapiens FLJ45377 fis, clon BRHIP3019956	9.55 Abajo	1.17E-04
30	NM_016247	Homo sapiens matriz interfotorreceptora proteoglicano 2 (IMPG2), ARNm	9.51 Abajo	2.09E-05
35	NM_005574	Homo sapiens sólo dominio LIM 2 (similar a rombotina 1) (LMO2), ARNm	9.46 Abajo	4.10E-05
40	NM_004369	Homo sapiens colágeno, tipo VI, alfa 3 (COL6A3), variante de transcripción 1, ARNm	9.36 Abajo	2.14E-05
45	NM_003973	Homo sapiens proteína ribosomal L14 (RPL14), ARNm	9.3 Abajo	6.77E-05
50	NM_000459	Homo sapiens TEK tirosina quinasa, endotelial (Malformaciones venosas, cutánea múltiple y mucosa) (TEK), ARNm	9.25 Abajo	3.10E-04
55	NM_005397	Homo sapiens Podocalyxin similar (Podxl), ARNm	9.06 Abajo	6.52E-04
60	BU675964	UI-CF-DU1-aaf-b-24-0-UI.sl UI-CF-DU1 Homo sapiens ADNc clon de IU-CF-DU1-aaf-b-24-0-UI 3, secuencia de ARNm	9 Abajo	6.82E-05
65	A1640484	wa27fOI.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-2299321 3, secuencia de ARNm	8.92 Abajo	8.54E-05
	NM_030781	Homo sapiens colectina miembro de sub-familia 12 (COLEC12), variante de transcripción II, ARNm	8.54 Abajo	8.65E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_001998	Homo sapiens fibulin 2 (FBLN2), variante de transcripción 2, ARNm	8.53 Abajo	4.60E- 04
10	BC039369	Homo sapiens, clon IMAGE: 5271073, ARNm, cds parcial	8.51 Abajo	4.85E- 04
15	AA436084	zuO3aO2.rl Soares testis NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 730730 5 similar aContiene el elemento PTR5 PTR5 elemento repetitivo;, secuencia de ARNm	8.51 Abajo	8.23E- 05
20	NM_015192	Homo sapiens fosfolipasa C, beta 1 (Fosfoinositida-específico) (plcb1), variante de transcripción 1, ARNm	8.48 Abajo	2.34E- 04
25	NM_024420	Homo sapiens fosfolipasa A2, grupo IVA (Citosólica, dependiente de calcio) (PLA2G4A), ARNm	8.48 Abajo	2.23E- 03
30	BX095887	BX095887 Soares feto total de Nb2HF8 9w Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998G124121 IMAGE: 1624739, secuencia de ARNm	8.42 Abajo	7.38E- 05
35				
40	NM_006417	Homo sapiens interferón inducido por la proteína 44 (117144), ARNm	8.37 Abajo	2.46E- 04
45	AK022033	ADNc Homo sapiens FLJ11971 fis, clon HEMBB1001208	8.35 Abajo	2.06E- 04
50	N69782	yz6ObOTsl Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 287413 3, secuencia ARNm	8.02 Abajo	2.78E- 04
55	NM_023003	Homo sapiens membrana 6 superfamilia 1 miembro (TM6SF1), ARNm	7.93 Abajo	1.20E- 04
60	BC036034	Homo sapiens endotelial la diferenciación, ácido lisofosfatídico proteína G acoplada receptor, 2, variante de transcripción 2, ARNm (ADNc clon MGC: 33157 IMAGEN: 5272431), cds completo	7.86 Abajo	2.31E- 05
65	NM_005602	Homo sapiens claudina 11 (oligodendrocitos proteína transmembrana) (CLDN11), ARNm	7.84 Abajo	2.43E- 02

ES 2 569 421 T3

5	BC039676	Homo sapiens, clon IMAGE: 5173389, ARNm	7.74 Abajo	3.04E- 05
10	BC030692	Homo sapiens ELAV (embriones letal, visión anormal, Drosophila) -al igual que 2 (antígeno HuB), ARNm (ADNc clon MGC: 26319 IMAGEN: 4826082), cds completo	7.72 Abajo	3.59E- 05
15	NM-015278	Homo sapiens SAM y el dominio SH3 que contiene 1 (SASH1), ARNm	7.58 Abajo	1.38E- 04
20	NM_031283	Homo sapiens similar a factor de transcripción 7 1 (1-célula específica, HMG-box) (TCF7L1), ARNm	7.57 Abajo	4.12E- 05
25	BC042378	Homo sapiens, clon IMAGE-5277693, ARNm	7.56 Abajo	9.91E- 04
30	NM_013363	Homo sapiens procolágeno C-endopeptidasa potenciador 2 (PCOLCE2), ARNm	7.49 Abajo	5.18E- 03
35	NM_005923	Homo sapiens activada por mitógenos proteína quinasa quinasa quinasa 5 (MAP3K5), ARNm	7.48 Abajo	2.05E- 04
40	R53688	yg84hO4rl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 40175 5, secuencia de ARNm	7.43 Abajo	2.31E- 05
45	A1216469	qhO7hIO.xl Soares_NFLjj3BCS1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1844035 3, secuencia de ARNm	7.28 Abajo	4.92E- 05
50	NM_014331	Homo sapiens soluto transportista familia 7, (transportador catiónico de aminoácidos, y sistema +) miembro 11 (SLC7A11), ARNm	7.27 Abajo	2.76E- 03
55	NM_1138801	Homo sapiens galactosa mutarrotasa (aldosa 1-epimerasa) (GALM), ARNm	7.24 Abajo	5.50E- 05
60	AL049443	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp586N2O2O (A partir del clon DKFZp586N2O2O)	7.22 Abajo	2.83E- 04
65	NM_005328	Homo sapiens sintasa de hialuronano 2 (HAS2), ARNm	7.17 Abajo	3.96E- 03
	NM_006072	Homo sapiens quimiocina (motivo C-C) ligando 26 (CCL26), ARNm	7.12 Abajo	6.86E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_020987	Homo sapiens anquirina 3, nódulo de Ranvier (Anquirina C) (ANK3), variante de transcripción 1, ARNm	7.09 Abajo	7.31E- 05
10	BX647541	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686P0492 (A partir del clon DKFZp686P0492)	7.08 Abajo	4.47E- 05
15	A1417595	tg79h09.xl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2115041 3, secuencia de ARNm	7.07 Abajo	7.52E- 04
20	AA158235	zo76b02.sl Etratagene páncreas (# 937208) Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 592779 3, secuencia de ARNm	7.06 Abajo	1.52E- 04
25	NM_005583	Homo sapiens secuencia derivada leucemia linfoblástica 1 (LYL1), ARNm	7.03 Abajo	4.69E- 05
30	BU570253	AGENCOURTiO4O1698 NIH_MGC_82 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 661 8451 5, secuencia de ARN	7 Abajo	2.35E- 04
35	BM675371	UI-E-EJO-aht-a-07-0-UI.sl UI-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc de IU-E-EJO-AHT-a-07-0-UI 3, secuencia de ARNm	6.95 Abajo	4.53E- 05
40	AK024653	ADNc Homo sapiens: FLJ21 000 fis, clon CAE03359	6.93 Abajo	6.77E- 05
45	W31037	zb86c06.rl Soares_senescent_fibroblasts_NbHSF Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 310474 5, secuencia de ARNm	6.91 Abajo	4.95E- 05
50	AL831835	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp547AO515 (A partir del clon DKFZp547AO515)	6.9 Abajo	1.53E- 03
55	NM_001849	Homo sapiens colágeno, tipo VP, alfa 2 (COL6A2), variante de transcripción 2C2, ARNm	6.85 Abajo	3.34E- 05
60	NM_007084	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) - la casilla 21 (Sox21), ARNm	6.85 Abajo	3.88E- 02
65	NM_025107	Homo sapiens myc objetivo 1 (MYCT1), ARNm	6.82 Abajo	6.89E05
	AA393981	zt58a03.rl Soares testis NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 726508 5, secuencia de ARNm	6.82 Abajo	4.58E- 03

ES 2 569 421 T3

	NM-170744	Homo sapiens UNC-5 homólogo B (C. elegans) (Unc5B), ARNm	6.82 Abajo	9.92E- 04
5	ALI33118	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp586NO121 (A partir del clon DKFZp586NO121)	6.78 Abajo	1.42E- 03
10	AK090603	ADNc Homo sapiens FLJ33284 fis, clon ASTR02009458	6.76 Abajo	1.36E- 04
15	NM_002203	Homo sapiens integrina alfa 2 (CD49B, alfa 2 de la subunidad de receptor VLA-2) (ITGA2), ARNm	6.74 Abajo	4.93E- 05
20	NM_003713	Homo sapiens fosfatasa ácido fosfatídico tipo 2B (PPAP2B), variante de transcripción 1, ARNm	6.73 Abajo	1.06E- 04
25	NM_001401	Homo sapiens diferenciación endotelial, ácido lisofosfatídico proteína G acoplada receptor, 2 (EDG2), variante de transcripción 1, ARNm	6.69 Abajo	9.75E- 04
30	NM_020226	Homo sapiens dominio PR que contiene 8 (PRDM8), ARNm	6.68 Abajo	2.31E- 04
35	N71963	yz95e03.sl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 290812 3 similar a contiene elemento repetitivo Alu;, secuencia de ARNm	6.63 Abajo	2.47E- 04
40				
45	AK127536	ADNc Homo sapiens FLJ45629 fis, clon CHONS2000797, muy similar a la caja T factor de transcripción TBX15	6.6 Abajo	1.09E- 04
50	NM_006206	Homo sapiens factor de crecimiento derivado de plaquetas receptor, polipéptido alfa (PDGFRA), ARNm	6.55 Abajo	6.30E- 04
55	NM_016559	Homo sapiens factor de la biogénesis peroxisomal 5-similar a (PEX5L), ARNm	6.55 Abajo	6.77E- 04
60	NM_012307	Homo sapiens proteína de membrana de los eritrocitos banda de 4,1 similar a 3 (EPB41L3), ARNm	6.51 Abajo	9.62E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	R34294	yh84bOI.sl Soares placenta Nb2HP Homo sapiens ADNc clon 3 IMAGE: 136393, secuencia de ARNm	6.49 Abajo	2.78E-05
10	N36786	yy34e08.sl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 273158 3 similar a que contiene el elemento MSR1 elemento repetitivo secuencia de ARNm	6.49 Abajo	6.12E-05
15				
20	BX113851	BX113851 Soares_total_fetus_Nb2HF8_9wHomo sapiens ADNc clon 16 IMAGp998G0541IMAGE: 1622812, secuencia de ARNm	6.44 Abajo	8.41E-05
25				
30	BG484952	60250396QF1 NIH_MGC_77 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 461 7278 5, secuencia de ARNm	6.43 Abajo	9.06E-05
35	NM_005434	Homo sapiens proteína BENE (BENE), ARNm	6.4 Abajo	1.64E-05
40	BX106577	BX106577 Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998H131854; IMAGE: 754236, secuencia de ARNm	6.39 Abajo	4.12E-05
45	NM144617	Homo sapiens proteína de choque térmico, relacionado alfa-cristalina, B6 (HSPB6), ARNm	6.37 Abajo	2.83E-05
50	AK093529	ADNc Homo sapiens FLJ36210 fis, clon THYMU2000155	6.29 Abajo	1.52E-04
55	NM_022731	Homo sapiens quinasa de caseína ubicua nuclear y el sustrato de la quinasa dependiente de ciclina (Nucks), ARNm	6.27 Abajo	9.06E-05
60	NM_018286	Homo sapiens proteína hipotética FLJ10970 (FLJ10970), ARNm	6.26 Abajo	1.08E-03
65	NM_002290	Homo sapiens laminina, alfa 4 (LAMA4), ARNm	6.19 Abajo	6.97E-04
	NM_015184	Homo sapiens fosfolipasa C-2 como (PLCL2), ARNm	6.18 Abajo	5.91E-04
	NM-017577	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp434C0328 (DKFZp434C0328), ARNm	6.17 Abajo	3.60E-05

ES 2 569 421 T3

5	BQ350534	RC1-HT0256-120400-019-d06 H10256 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	6.17 Abajo	2.04E-04
	NM_004934	Homo sapiens cadherina 18, tipo 2 (CDH18), ARNm	6.17 Abajo	3.03E-05
10	NM_024769	Homo sapiens adherencia específicos de adipocitos molécula (ASAM), ARNm	6.15 Abajo	2.41E-04
15	NM_197941	Homo sapiens similar a ADAMTS-10 precursor (A desintegrina y metaloproteinasa con trombospondina motivos 10) (ADAM TS-10) (ADAM-TS10) (L0C345667), ARNm	6.14 Abajo	1.06E-04
20				
25	BG118019	602351269F1 NIH_MGC_90 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4446065 5, secuencia de ARNm	6.14 Abajo	5.02E-05
30	NM_005531	Homo sapiens interferón, proteína gamma-inducible 16 (IFI16), ARNm	6.13 Abajo	4.46E-04
35	NM_005613	Homo sapiens regulador de proteína de señalización G 4 (RGS4), ARNm	6.08 Abajo	1.04E-04
40	NM_002166	Homo sapiens inhibidor de la unión al ADN 2, proteína de hélice-bucle-hélice dominante negativo (1D2), ARNm	6.07 Abajo	1.16E-03
45	BC015720	Homo sapiens, clon IMAGE.-3909165, ARNm	6.04 Abajo	1.15E-05
	BF508005	IU-H-1314-apw-e-06-0-D I SI NCI_CGAP_Sub8 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-3088978 3, secuencia de ARNm	6.03 Abajo	1.15E-05
50				
	NM_007101	Homo sapiens sarcosina deshidrogenasa (SARDH), ARNm	6.01 Abajo	4.54E-03
55	BG025371	602276295F1 NIH_MGC_85 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-4364351 5, secuencia ARNm	5.99 Abajo	6.94E-05
60	NM_152666	Homo sapiens proteína hipotética FLJ40773 (FLJ40773), ARNm	5.99 Abajo	4.55E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	BM542398	Agencourt_6436663 NIH_MGC_72 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5539574 5, secuencia ARNm	5.97 Abajo	3.34E- 05
10	AK054783	ADNc Homo sapiens FLJ30221 fis, clon BRACE2001742	5.97 Abajo	2.40E- 04
15	A1651524	wbO6g07.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2304924 3, secuencia de ARNm	5.93 Abajo	3.22E- 04
20	NM_005905	Homo sapiens SMAD, madres contra DPP homólogo 9 (Drosophila) (SMAD9), ARNm	5.87 Abajo	4.76E- 04
25	BG818762	602779092F2 NCI_CGAP Brn67 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-4914502 5, secuencia ARNm	5.84 Abajo	1.07E- 04
30	NM_002487	Homo sapiens homólogo Necdin (ratón) (NDN), ARNm	5.83 Abajo	2.72E- 05
35	NM_000167	Homo sapiens quinasa de glicerol (GK), variante de transcripción 2, ARNm	5.8 Abajo	5.10E- 03
40	BC070147	Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 4672631, contiene errores de cambio de marco	5.74 Abajo	7.92E- 04
45	NM-001711	Homo sapiens biglicano (BGN), ARNm	5.71 Abajo	4.13E- 05
50	NM_000407	Homo sapiens lb glicoproteína (plaquetas), beta polipéptido (GP1BB), ARNm	5.69 Abajo	3.03E- 05
55	N28431	yx35c03.rl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 263716 5 similar a SP: PIR: S32603 S32603 colágeno alfa 1 (VI) cadena - ratón ;, secuencia de ARNm	5.69 Abajo	6.03E- 04
60	NM_002615	Homo sapiens serina (o cisteína) proteinasa inhibidor, Dade F (alfa-2 antiplasmina, pigmento factor derivado del epitelio), miembro 1 (SERPINF1), ARNm	5.66 Abajo	2.02E- 03
65				

ES 2 569 421 T3

5	H18367	yn49d06.rl Soares cerebro adulto N2b5HB55Y Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1717553, secuencia de ARNm	5.66 Abajo	4.41E-04
10	NM_018455	Homo sapiens no caracterizado médula ósea proteína BM039 (BM039), ARNm	5.64 Abajo	3.03E-04
15	H24359	ym56b03.sl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 52294 3, secuencia de ARNm	5.61 Abajo	2.57E-04
20	BU078105	im64b02.yl HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6039866 5, secuencia de ARNm	5.58 Abajo	3.60E-04
25	NM_022576	Homo sapiens fosducina (PDC), variante de transcripción 2, ARNm	5.55 Abajo	9.39E-05
30	NM_033196	Homo sapiens proteína hipotética similar a ZNF (LOC91120), ARNm	5.54 Abajo	1.49E-04
35	BC035066	Homo sapiens, clon IMAGE: 5259543, ARNm	5.54 Abajo	1.65E-04
40	R14261	yf79d05.ri Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 28642 5, secuencia de ARNm	5.51 Abajo	2.36E-04
45	BC042140	Homo sapiens, clon IMAGE: 5932306, ARNm	5.48 Abajo	5.05E-05
50	NM_005654	Homo sapiens subfamilia de receptores nucleares 2, el grupo F, miembro 1 (NR2F1), ARNm	5.48 Abajo	1.02E-05
55	NM_182746	Homo sapiens MCM4 minichromosome mantenimiento deficiente 4 (S. cerevisiae) (MCM4), variante de transcripción 2, ARNm	5.48 Abajo	9.96E-04
60	BG573337	602595107F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4724521 5, secuencia de ARNm	5.43 Abajo	3.72E-04
65	NM-194250	Homo sapiens similar a C630007C17Rik proteína (LOC91 752), ARNm	5.43 Abajo	3.30E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_015430	Homo sapiens la regeneración muscular asociada proteasa (DKFZP586H2I 23), variante de transcripción 1, ARNm	5.43 Abajo	3.49E-03
10	NM_006868	Homo sapiens RAB31, miembro de RAS oncogén familiar (RAB31), ARNm	5.41 Abajo	2.11E-05
15	B1494495	df110f11.w1 Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2539149 3, secuencia de ARNm	5.4 Abajo	2.64E-03
20	AW025556	wu97gio.xi NCI_CGAP Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2528034 3, secuencia de ARNm	5.36 Abajo	1.89E-04
25	A1793182	qz36ai 1.x5 NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2028956 3 similar a contiene L1.t3 L1 elemento repetitivo;, secuencia de ARNm	5.34 Abajo	8.09E-04
30	NM_006208	Homo sapiens ectonucleótido pirofosfatasa / fosfodiesterasa 1 (ENPP1), ARNm	5.34 Abajo	2.36E-04
35	C02345	HUMGS0007544 Humano adulto (K.Okubo)Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	5.33 Abajo	3.45E-04
40	NM_032297	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp761D112 (DKFZp761D112), ARNm	5.32 Abajo	3.38E-04
45	BM724062	UI-E-E01-aiy-a-22-0-UI.rl UI-E-SO1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-E01-aiy-a-22-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.25 Abajo	2.96E-03
50	NM_176891	Homo sapiens interferón épsilon 1 (IFNE1), ARNm	5.22 Abajo	2.67E-04
55	8X648959	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686N2348 (A partir del clon DKFZp686N2348)	5.22 Abajo	4.12E-05
60	CA771688	io8lcO8.xl HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6132854 3, secuencia de ARNm	5.22 Abajo	3.35E-03
65	BC034315	Homo sapiens proteína hipotética LOC90529, ARNm (ADNc clon IMAGE: 4827425), contiene errores de cambio de marco	5.22 Abajo	1.90E-04

ES 2 569 421 T3

5	W88428	zh72g09.sl Soares_fetal_hígado_bazo_1NFLS_S 1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 417664 3, secuencia de ARNm	5.22 Abajo	5.95E-04
10	A1468014	tj84g05.xl Soares_NS F_F 8_9 W_OT_PA_P_S 1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-3 .2148248 similares que contiene el elemento TAR1 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	5.21 Abajo	9.55E-04
15				
20	NM_197941	Homo sapiens similar a ADAMTS-10 precursor (desintegrina A y metaloproteinasas con trombospondina motivos 10) (ADAM TS-10) (ADAM-TSIO) (LOC345667), ARNm	5.2 Abajo	8.12E-04
25				
30	U10991	ARNm proteína humana G2, cds parcial	5.19 Abajo	7.92E-05
35	A1888390	wn3OgIO.xl NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens clon ADNc IMAGE: 2447010 3 similar aContiene el elemento MER8 elemento repetitivo ;,secuencia de ARNm	5.19 Abajo	2.07E-04
40				
45	NM_012411	Homo sapiens proteína fosfatasa de tirosina, tipo no receptor 22 (linfoide) (PTPN22), variante de transcripción 2, ARNm	5.19 Abajo	3.62E-04
50				
55	NM_030806	Homo sapiens cromosoma marco de lectura abierto 21 (Clorf2l), ARNm	5.17 Abajo	1.88E-05
60				
65	NM_005654	Homo sapiens subfamilia de receptores nucleares 2, grupo F, miembro 1 (NR2F1), ARNm	5.17 Abajo	8.65E-05
70				
75	NM_153014	Homo sapiens proteína hipotética FLJ30634 (FLJ30634), ARNm	5.13 Abajo	1.32E-03
80				
85	AB020691	ARNm sapiens Homo para la proteína K1AA0884, cds parcial	5.13 Abajo	3.40E-05
90				
95	NM_02021	Homo sapiens familia de dominio RGM, miembro A (RGMA), ARNm	5.1 Abajo	1.51E-04

ES 2 569 421 T3

5	BG215747	RST35420 Athersys RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	5.1 Abajo	1.30E- 04
	NM_002317	Homo sapiens lisil oxidasa (LOX), ARNm	5.09 Abajo	1.28E- 04
10	NM_003608	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado a 65 (GPR65), ARNm	5.07 Abajo	7.41E- 04
15	NM_031305	Homo sapiens Rho GTPasa de la proteína activadora 24 (ARHGAP24), ARNm	5.05 Abajo	1.10E- 04
20	AK124391	ADNc Homo sapiens FLJ42400 fis, clon ASTR0200358 1	5.03 Abajo	9.74E- 05
	NM_005613	Homo sapiens regulador de la señalización proteína G4 (RGS4), ARNm	5.02 Abajo	7.55E- 05
25	NM_054027	Homo sapiens anquilosis, homólogo progresio (Ratón) (ABKH), ARNm	5 Abajo	2.64E- 05
30				
35				
40				
45				
50				
55				
60				
65				

5 **TABLA VII C: GENES QUE SE EXPRESARON DIFERENCIALMENTE EN AL MENOS 5 VECES EN EL EPITELIO FRENTE A LAS CÉLULAS AF-I**

Identificador de gen	Nombre de gen	Cambio de pliegue medio en células de fibroblasto versus AF	Dirección	P-valor adj.
15	AK091336	ADNc Homo sapiens FLJ3401 7 fis, clon FCBBF2002626		97.64 UP 6.01E-03
20	NM_004098	Homo sapiens espiráculos vacíos homólogo 2 (Drosophila) (EMX2), ARNm		83.49 UP 8.10E-03
25	AV702977	AV702977 ADB ADNc Homo sapiens clon ADBCVD08 5, secuencia de ARNm		82.96 UP 3.74E-03
	BE877764	601486331 F1_NIH_MGC69 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3888943 5, secuencia de ARNm		60.78 UP 2.79E-03
	AK075003	ADNc Homo sapiens FLJ90522 fis, clon NT2RP40001O8, muy similar al gen humano de la subunidad NF-neurofilamentos L		48.1 UP 1.02E-02
35	NM_014358	Homo sapiens tipo C (dependiente de calcio, el dominio de reconocimiento de carbohidratos) lectina, miembro de la superfamilia 9 (CLECSF9), ARNm		48.04 UP 1.99E-04
40	AK092401	ADNc Homo sapiens FLJ35082 fis, clon PLACE6005351		40.58 UP 1.77E-03
45	NM_007029	Homo sapiens stathmina 2 similar (STMN2), ARNm		38.31 UP 1.31E-02
50	AW300043	xs45a09.xi NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2772568 3, secuencia de ARNm		25.26 UP 1.35E-02
55	NM_006158	Homo sapiens neurofilamentos, luz polipéptido 68kDa (NEFL), ARNm		23.08 UP 1.76E-02
60	NM_003222	Homo sapiens factor de transcripción AP-2 gamma (activación de potenciador de la aglutinación proteína 2 gamma) (TFAP2C), ARNm		22.98 UP 1.59E-02

ES 2 569 421 T3

5	AK023647	ADNc Homo sapiens FLJ13585 fis, clon PLACE 1009150	22.77 UP	7.48E- 04
10	BC044843	Homo sapiens proteína hipotética LOC339535, ARNm (clon de ADNc IMAGE: 5186761), cds parcial	21.74 UP	4.67E- 03
15	BQ003501	IU-H-EI1-azd-p-06-0-UI.sl NCI_CGAP_EI1 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 5847413 3, secuencia de ARNm	20.08 UP	9.54E- 04
20	AA075748	zm89e04.rl Etratagene cáncer de ovario(#937219) Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 545118 5, secuencia de ARNm	19.94 UP	7.10E- 03
25	BF000009	7h15g04.xl NCI_CGAP_Co16 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3316086 3, secuencia de ARNm	19.92 UP	7.67E- 03
30	NM_004867	Homo sapiens integral de membrana Proteína 2A (ITM2A), ARNm	19.86 UP	2.62E- 02
35	H85497	yvB8bO7.rl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 249781 5, secuencia de ARNm	19.75 UP	7.71E- 05
40	BM713465	UI-E-EJO-aho-m-22-0-UI.rl IU-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO- aho-m-22-0-UI 5, secuencia de ARNm	18.57 UP	1.68E- 02
45	BU569937	AGENCOURT_10399817 NIH_MGC_82 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 6618011 5, secuencia de ARNm	18.3 UP	1.68E- 02
50	NM_032782	Homo sapiens virus de hepatitis A celular receptor 2 (HAVCR2), ARNm	18.05 UP	2.97E- 03
55	NM_013387	Homo sapiens ubiquinol citocromo c- complejo reductasa (7,2 kD) (HSPCO5I), variante de transcripción 1, ARNm	17.68 UP	1.30E- 04
60	BM988338	UI-H-DHO-asd-f-10-0-UI.s1 NCI_CGAP_DHO ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 5857545 3, secuencia de ARNm	17.23 UP	9.27E- 03
65	BQ025821	UI-1-13131p-aye-f-10-0-UP.sl NCI_CGAP_P16 ADNc Homo sapiens clon de UI-1-BB1p-aye-f-10-0-UI 3, secuencia de ARNm	15.46 UP	1.08E- 02

ES 2 569 421 T3

5	BF515657	UI-H-BW1-anu-e-05-0-UI.s1 NCL_CGAP_Sub7 ADNc Homo sapiens IMAGE clon-.3083601 3, secuencia de ARNm	15.17 UP	8.95E- 03
10	NM_001977	Homo sapiens glutamil aminopeptidasa (aminopeptidasa A) (ENPEP), ARNm	14.59 UP	5.24E- 05
	NM_197955	Homo sapiens mucosa normal de esófago específicos 1 (NMES1), variante de transcripción 1, ARNm	14.33 UP	2.54E- 03
15	NM_180991	Homo sapiens portador de soluto orgánico familia de transportadores de aniones, miembro de 4C1 (SLCO4C1), ARNm	13.46 UP	2.20E- 02
20	R44402	yg37a0l.sl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 34639 3 a similar contenga MER35 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	13.17 UP	1.56E- 04
25				
30	CF137545	UI-HF-BNO-ane-d-05-0-UI.rl NIH_MGC_50 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3092384 5, secuencia de ARNm	12.96 UP	6.05E- 03
35	NM016269	Homo sapiens potenciador de linfocitos - de unión al factor 1 (LEF1), ARNm	12.69 UP	7.27E- 03
40	NM_001680	Homo sapiens dominio de FXD que contiene regulador de transporte de iones 2 (FXD2), variante de transcripción a, ARNm	12.65 UP	2.38E- 03
45	NM_003063	Homo sapiens sarcolipina (SLN), ARNm	12.54 UP	3.04E- 02
50	NM_012204	Homo sapiens factor general de transcripción IIIc, polipéptido 4, 90kDa (GTF3C4), ARNm	12.51 UP	3.10E- 02
55	NM_003810	Homo sapiens tumor necrosis factor de (Ligando) superfamilia, miembro 10 (TNFSF10), ARNm	12.4 UP	9.19E- 05
60	NM_004591	Homo sapiens quimiocina (motivo C-C) ligando 20 (CCL20), ARNm	11.84 UP	3.08E- 02
65	NM_020927	Homo sapiens proteína KIAA1 de 576 (K1AA1576), ARNm	11.77 UP	6.78E- 03
	NM_014751	Homo sapiens metástasis supresor de 1 (MTSSI), ARNm	11.5 UP	6.60E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_031311	Homo sapiens carboxipeptidasa, vitelogénico similar (CPVL), variante de transcripción1, ARNm	10.36 UP	8.15E-03
	NM_005382	Homo sapiens neurofilamentos 3 (I50kDa medio) (NEF3), ARNm	10.12 UP	4.45E-02
10	NM_033554	Homo sapiens mayor de histocompatibilidad compleja, clase II, DP alfa 1 (HLADPA1), ARNm	9.84 UP	4.35E-02
15	A1632692	wa33b05.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2299857 3,secuencia de ARNm	9.7 UP	3.01E-02
20	NM_030923	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp566NO34 (DKFZP566NO34), ARNm	9.51 UP	2.72E-02
25	NM_152550	Homo sapiens dominio SH3 que contiene dedo anular 2 (SH3RF2), ARNm	9.31 UP	4.41E-02
30	AW445209	UI-H-B13-AKC-g-11-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub5 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 2733908 3, secuencia ARNm	9.27 UP	1.37E-03
35	AB011095	Homo sapiens mRNA para proteína K1AA0523, cds parcial	8.77 UP	1.82E-04
40	NM_194463	Homo sapiens proteínas dedo anular 128 (RNF128), variante de transcripción 1, ARNm	8.75 UP	2.95E-03
45	NM_013427	Homo sapiens Rho GTPasa activación de proteína 6 (ARHGAP6), variante de transcripción 1, el ARN	8.73 UP	7.38E-04
50	NM_012105	Homo sapiens sitio beta APP escisión enzima 2 (BACE2), variante de transcripción a, ARNm	8.67 UP	1.49E-04
55	NM_000640	Homo sapiens interleucina 13 receptor, alfa 2 (IL13RA2), ARNm	8.29 UP	4.39E-02
60	NM_001977	Homo sapiens glutamil aminopeptidasa (Aminopeptidasa A) (ENPEP), ARNm	8.16 UP	6.01E-03
65	T56535	yb33g07.rl Estratagene bazo fetal (#937205) Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 73020 5, secuencia de ARNm	8.08 UP	1.24E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_022440	Homo sapiens mal, la diferenciación de las células T proteínas (LMA), variante de transcripción d, ARNm	8.01 UP	4.29E- 02
10	BM711923	UI-E-CL1-afc-m-16-0-UI.rl IU-E-CL1 Homo sapiens clon de ADNc IU-E-CL1-afc-m-16-0-UI 5, secuencia de ARNm	7.87 UP	8.56E- 04
15	NM_005181	Homo sapiens anhidrasa carbónica III, músculo específica (CA3), ARNm	7.69 UP	1.46E- 02
20	NM_030781	Homo sapiens colectina subfamilia elemento 12 (COLEC12), variante de transcripción II, el ARNm	7.56 UP	8.07E- 02
25	NM_001305	Homo sapiens claudina 4 (CLDN4), ARNm	7.41 UP	3.62E- 04
30	NM_000055	Homo sapiens butirilcolinesterasa (BCHE), ARNm	7.26 UP	4.51E- 03
35	NM_153183	Homo sapiens nudix (nucleósido difosfato radical unido a X) de tipo motivo 10 (NUDT10), ARNm	7.23 UP	3.53E- 02
40	B1759570	603046987F1 NIH_MGC_116 Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 51 87285 5, secuencia de ARNm	7.11 UP	3.86E- 02
45	NM_015559	Homo sapiens unión de proteína SET 1 (SETBP1), ARNm	6.97 UP	3.67E- 02
50	NM_005562	Homo sapiens laminina, gamma 2 (LAMC2), variante de transcripción 1, ARNm	6.95 UP	2.06E- 04
55	NM-013430	Homo sapiens gamma-glutamyltransferasa 1 (GGT1), variante de transcripción 3, ARNm	6.9 UP	3.86E- 02
60	AA908815	og77h08.sl NCI_CGAP_0v8 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN-.1454367 3, secuencia de ARNm	6.8 UP	3.10E- 02
65	NM_022843	Homo sapiens protocadherina 20 (PCDH20), ARNm	6.73 UP	5.39E- 03
	NM_018076	Homo sapiens armadillo que contiene repetición 4 (ARMC4), ARNm	6.71 UP	7.53E- 04
	NM_005822	Homo sapiens gen crítico de región de síndrome de Down 1 tipo 1 (DSCR1L1), ARNm	6.67 UP	2.38E- 02

ES 2 569 421 T3

5	NM_006393	Homo sapiens nebullette (NEBL), variante de transcripción 1, ARNm	6.66 UP	4.24E-02
10	CA391258	cs13a10.xl pigmento de la retina humana epitelio / ADNc coroides (no normalizado, sin amplificar): Homo sapiens cs ADNc clon csl3a1O 3, secuencia de ARNm	6.56 UP	9.19E-05
15	AK026966	ADNc Homo sapiens: FLJ23313fis, clon HEP1191	6.31 UP	1.30E-04
20	NM_020661	Homo sapiens de activación inducida citidina deaminasa (AICDA), ARNm	6.12 UP	3.01E-02
25	NM_004840	Homo sapiens Rac / Cdc42 guanina factor de intercambio de nucleótidos (GEF) 6 (ARHGEF6), ARNm	6.09 UP	1.19E-03
30	BC021684	Homo sapiens, clon IMAGE: 3827252, ARNm	6.03 UP	4.71E-03
35	NM_032551	Homo sapiens acoplado a proteína G receptor 54 (GPR54), ARNm	5.96 UP	4.33E-02
40	NM_024726	Homo sapiens que contiene motivo IQ con dominio AAA (BOA), ARNm	5.94 UP	1.84E-04
45	NM_001657	Homo sapiens anfirregulina (Factor de crecimiento derivado de schwannoma) (AREG), ARNm	5.91 UP	1.05E-03
50	NM_006033	Homo sapiens lipasa endotelial (LIPG), ARNm	5.9 UP	1.76E-04
55	NM_002089	Homo sapiens quimiocina (motivo C-X-C) ligando 2 (CXCL2), ARNm	5.88 UP	1.13E-04
60	AK074097	Homo sapiens m ARN para proteína FLJ00168	5.87 UP	1.17E-03
65	BF509573	UI-H-B14-apf-b-11-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 3086949 3, secuencia de ARNm	5.78 UP	1.40E-04
70	H23441	ym52fl.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 51888 3, secuencia de ARNm	5.77 UP	6.87E-04
75	NM_031426	Homo sapiens cromosoma 9 marco de lectura abierto 58 (C9orf58), variante de transcripción 1, ARNm	5.63 UP	3.32E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_013410	Homo sapiens quinasa de adenilato 3 (AK3), codificación de genes nucleares mitocondrial proteína, variante de transcripción 2, ARNm	5.54 UP	1.14E- 04
10	NM_003236	Homo sapiens de crecimiento transformante factor alfa (TGFA), ARNm	5.51 UP	3.09E- 02
15	NM_152369	Homo sapiens proteína hipotética MGC45474 (MGC45474), ARNm	5.46 UP	1.02E- 04
	NM_153229	Homo sapiens proteína hipotética FLJ33318 (FLJ33318), ARNm	5.4 UP	1.92E- 03
20	NM_000216	Homo sapiens Síndrome de Kallmann secuencia 1 (KAL1), ARNm	5.23 UP	1.13E- 04
	H89526	yw28b04.rl Morton fetal cóclea ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 253519 5, secuencia de ARNm	5.15 UP	9.54E- 05
25	AL832916	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp76210915 (del clon DKFZp76210915)	5.12 UP	6.74E- 03
	NM_002899	Homo sapiens proteína de unión a retinol 1, celular (RBP1), ARNm	5.07 UP	1.11E- 03
30	CA417015	UI-H-FEO-BBP-d-21-0-UI.s1 NCI_CGAP_FEO Homo sapiens clon ADNc UI-H-FEO-bbp-d-21-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.07 UP	1.77E- 03
	AW263542	xn8OfOl.xi Soares_NFL_TGBCS1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2700793 3, secuencia de ARNm	5.07 UP	9.70E- 03
35	T47612	yb15h03.sl Estratagene placenta (#937225) ADNc Homo sapiens clon IMAGE.-71285 3, secuencia de ARNm	5.02 UP	7.57E- 03
40	NM_002402	Homo sapiens mesodermo homólogo específico de transcripción (ratón) (MEST), variante de transcripción 1, ARNm	83.38 Abajo	1.30E- 04
45				
	NM_001884	Homo sapiens hialuronano y proteoglicanos enlace de la proteína 1 (HAPLN1), ARN	71.21 Abajo	5.97E- 05
50	NM_006439	Homo sapiens MAB-21 similar a 2 (C. elegans) (MAB21L2), ARNm	70.58 Abajo	7.65E- 05
55	NM_001202	Homo sapiens proteína ósea morfogenética 4 (BMP4), variante de transcripción 1, ARNm	50.48 Abajo	3.32E- 05
60	NM_017671	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 42 (C20orf42), ARNm	50.28 Abajo	4.04E- 05
65	AK124396	ADNc Homo sapiens FLJ42405 fis, clon ASTR03000474	45.55 Abajo	6.98E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_015170	Homo sapiens sulfatasa 1 (SULF1), ARNm	38.04 Abajo	7.58E- 05
	BC037316	Homo sapiens, clon IMAGE: 5259432, ARNm	34.94 Abajo	7.08E- 05
10	NM_001562	Homo sapiens interleucina 18 (interferón gamma-factor inductor) (ILL 8), ARNm	34.48 Abajo	7.58E- 05
15	A1469032	ti70a0l xl NCI CGAP Kidi 1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-2137320 3, secuencia de ARNm	28.72 Abajo	4.44E- 05
20	NM_016307	Homo sapiens emparejado homeobox relacionado 2 (PRRX2), ARNm	28.57 Abajo	3.32E- 05
25	NM_022475	Homo sapiens erizo proteína interactuante (HHIP), ARNm	27 Abajo	7.14E- 05
30	NM_006072	Homo sapiens quimiocina (motivo C-C) ligando 26 (CCL26), ARNm	25.57 Abajo	5.83E- 05
35	NM_007361	Homo sapiens nidogen 2 (osteonidogen) (NID2), ARNm	22.81 Abajo	5.24E- 05
40	NM_006228	Homo sapiens prepronociceptin (PNOC), ARNm	21.34 Abajo	4.20E- 04
	N95448	zb8lell.sl Soares_senescent_fibroblasts_NbHSF Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 310028 3, secuencia de ARNm	20.92 Abajo	1.24E- 04
45	NM_018242	Homo sapiens proteína hipotética FLJ10847 (FL J10847), ARNm	20.83 Abajo	6.60E- 05
50	N63415	yy60dO4.sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 277927 3 similar a que contenga L1.b3 L1 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	19.2 Abajo	5.24E- 05
55				
60	B0001571	UI-H-DH1-awr-i-1 8-O-UI.sl NCI_CGAP_DH1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE.-5893337 3, secuencia de ARNm	18.75 Abajo	6.98E- 05
65	NM_022454	Homo sapiens SRY (determinante del sexo la región Y) -BOX 17 (SOX17), ARNm	18.21 Abajo	5.83E- 05

ES 2 569 421 T3

5	BE788763	6014758641 NIH_MGC_68 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.3879014 5, secuencia de ARNm	17.84 Abajo	1.13E-04
10	BU633163	UI-H-FL1-bgt-n-07-0-UI.sl NCI_CGAP_FL1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-FL1-BGT-n-07-O-UI 3, secuencia de ARNm	17.41 Abajo	7.14E-05
15	A1289329	qw28c09.xl NCI_CGAP_Ut4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1992400 3 similar a que contiene L1.b2 L1 elemento repetitivo;, secuencia de ARNm	17.1 Abajo	6.98E-05
20	AF318382	ARNm Homo sapiens pp9974, cds completao	16.45 Abajo	1.38E-04
25	NM_022350	Homo sapiens derivadas de leucocitos arginina aminopeptidasa (LRAP), ARNm	15.8 Abajo	1.10E-04
	B1561641	603256058F1 NIH_MGC_97 Homo sapiens clon ADNc IMAGE-0.5298374 5, secuencia de ARNm	14.77 Abajo	1.94E-04
30	NM_006350	Homo sapiens follistatina (FST) , variante de transcripción FST317, ARNm	14.55 Abajo	7.14E-05
35	NM_016588	Homo sapiens Neuritina I (NRN1), ARNm	14.52 Abajo	6.98E-05
40	CA437861	UI-H-DHO-aur-k-1 2-0-UI.sl NCI_CGAP_DHO ADNc Homo sapiens clon UI-H-DHO-aur-k-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	14.45 Abajo	1.21E-04
45	NM_020873	Homo sapiens repetición neuronal rica en leucina 1 (LRRN1), ARNm	13.74 Abajo	6.60E-05
50	NM_003385	Homo sapiens tipo visinina 1 (VSNL1), ARNm	13.06 Abajo	7.75E-05
	A1640484	wa27fOl.xi NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.2299321 3, secuencia de ARNm	11.92 Abajo	5.48E-04
55	AK127309	ADNc Homo sapiens FLJ45377 nosotros, clon BRHIP3019956	11.87 Abajo	2.35E-04
60	M60502	ARNm profilagrina humana, 3 fin	11.74 Abajo	7.58E-05
	NM_006475	Homo sapiens periostina, osteoblastos factor específico (POSTN), ARNm	11.74 Abajo	1.19E-04
65	NM_207482	Homo sapiens proteína FLJ44048 (FLJ44048), ARNm	11.63 Abajo	1.45E-04

ES 2 569 421 T3

	NM_000519	Homo sapiens hemoglobina, delta (HBD), ARNm	11.61 Abajo	3.27E- 04
5	BU567804	AGENCOURT_10398872 NIH_MGC_82 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.6614502 5, secuencia de ARNm	11.59 Abajo	5.24E- 05
10	AJ318805	AJ318805 Homo sapiens tejido adiposo Homo sapiens clon de ADNc de 2040, secuencia de ARNm	11.59 Abajo	1.76E- 04
15	AW451831	UI-H-B13-alk-e-12-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub5 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 2737246 3, secuencia de ARNm	11.57 Abajo	1.46E- 04
20	R99527	yq79bll.sl Soares bazo hígado fetal clon de ADNc Homo sapiens 1NFLS IMAGE: 201981 3, secuencia de ARNm	11.16 Abajo	1.13E- 04
25	NM_031894	Homo sapiens ferritina, pesado polipéptido similar 17 (FTHL17), ARNm	11.12 Abajo	4.85E- 04
30	NM_007072	Homo sapiens HERV-H-LTR asociado 2 (HHLA2), ARNm	10.94 Abajo	1.36E- 04
35	NM_005654	Homo sapiens receptor nuclear subfamilia 2, el grupo F, 1 miembro (NR2F1), ARNm	10.91 Abajo	3.32E- 05
40	NM_004574	Homo sapiens de maní 2 similar (Drosophila) (PNUTL2), variante de transcripción 1, ARNm	10.46 Abajo	3.48E- 04
45	NM_005141	Homo sapiens fibrinógeno, B beta polipéptido (FGB), ARNm	10.37 Abajo	4.85E- 04
	A1905628	CM-BT094 BT094-050299-147 Homo sapiens cDNA, secuencia de ARN	10.36 Abajo	1.49E- 04
50	BG622707	602647476F1 NIH MGC79 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 4768963 5, secuencia de ARNm	10.35 Abajo	1.73E- 04
55	W76003	zd58g07.rl Homo sapiens Soares_fetal_heart_NbHH1 9W ADNc clon IMAGE: 344892 5, secuencia de ARNm	10.32 Abajo	1.58E- 04
60	H15096	ym29ell.rl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 49250 5, secuencia de ARNm	10.23 Abajo	1.80E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	A1493349	tg7OfO4.xl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 21 14143 3, secuencia de ARNm	9.84 Abajo	7.54E- 05
10	AK093762	ADNc Homo sapiens FLJ36443 fis, clon THYMU2012891	9.76 Abajo	8.07E- 04
15	BU570253	AGENCOURT_1 0401698 NIH_MGC_82 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 6618451 5, secuencia de ARNm	9.71 Abajo	3.65E- 04
20	NM_005855	Homo sapiens receptor de (calcitonina) proteína actividad de modificación 1 (RAM P1), ARNm	9.33 Abajo	7.08E- 05
25	NM_003328	Homo sapiens TXK quinasa tirosina (TXK), ARNm	9.29 Abajo	1.19E- 04
30	NM_003004	Homo sapiens secretadas y transmembrana 1 (SECTM1), ARNm	9.23 Abajo	1.76E- 04
35	NM_005596	Homo sapiens factor nuclear I / B (NFIB), ARNm	9.23 Abajo	4.97E- 05
40	BC039450	Homo sapiens, clon IMAGE: 5311619, ARNm	9.07 Abajo	1.13E- 04
45	NM_00561	Homo sapiens regulador 3 de la proteína G señalización 4 (RGS4), ARNm	8.99 Abajo	7.65E- 05
50	NM_003973	Homo sapiens proteína ribosomal L14 (RPL14), ARNm	8.98 Abajo	6.60E- 05
55	BM675270	UI-E-EJO-ahr-j-07-0-ULsl UI-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO-ahr-j-07-0-UI 3, secuencia de ARNm	8.96 Abajo	1.34E- 03
60	NM_001311	Homo sapiens proteína rica en cisteína 1 (Intestinal) (CRIP1), ARNm	8.91 Abajo	7.14E- 05
65	NM_000087	Homo sapiens nucleótidos cíclicos cerrados canal alfa 1 (CNGA1), ARNm	8.76 Abajo	1.33E- 03
	AW021686	df26hll.yl Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2484717 5, secuencia de ARNm	8.74 Abajo	4.04E- 05
	NM_002031	Homo sapiens relacionado con la quinasa Fyn-(FRK), ARN	8.67 Abajo	1.14E- 04
	NM_005279	Homo sapiens acoplados a proteínas G receptor 1 (GPR1), ARNm	8.51 Abajo	4.16E- 04

ES 2 569 421 T3

	NM_004460	Homo sapiens proteína de activación de fibroblasto, alfa (FAP), ARN	8.51 Abajo	7.71E- 04
5	BE904671	601498784F1 NIH_MGC_70 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3900717 5, secuencia de ARNm	8.46 Abajo	1.73E- 04
10	NM_000612	Homo sapiens factor de crecimiento insulínico tipo 2 (Somatomedina A) (IGF2), ARNm	8.27 Abajo	1.19E- 04
15	AL137488	ARNm Homo sapiens ADNc DKFZp434N2O3O (a partir del clon DKFZp434N2030)	8.23 Abajo	1.13E- 04
20	NM_006288	Homo sapiens Antígeno de superficie celular Thy-1 (Thy1), ARNm	8.18 Abajo	1.43E- 03
	NM_002837	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, de tipo receptor, B (PTPRB), ARNm	8.15 Abajo	1.19E- 03
25	NM_030899	Homo sapiens proteínas con dedos de zinc 323 (ZNF323), ARNm	8.08 Abajo	9.54E- 05
30	NM_002193	Homo sapiens inhibina, beta B (activina AB polipéptido beta) (INHBB), ARNm	8.07 Abajo	1.90E- 04
35	BX537698	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686F09166 (a partir del clonDKFZp686FO9166)	8.06 Abajo	1.34E- 03
	BC033567	Homo sapiens, clon IMAGE: 4822266, ARNm	8.04 Abajo	1.88E- 04
40	NM_052997	Homo sapiens anquirina de dominio de repetición 30A (ANKRD3OA), ARNm	7.97 Abajo	1.42E- 03
45	NM_178550	Homo sapiens proteína hipotética MGC48998 (MGC48998), ARNm	7.82 Abajo	5.76E- 04
	NM_178033	Homo sapiens P450 citocromo, la familia 4, subfamilia X, polipéptido 1 (CYP4X1), ARNm	7.81 Abajo	8.00E- 04
50				
	NM_002924	Homo sapiens regulador de la proteína G de señalización 7 (RGS7), ARNm	7.8 Abajo	5.38E- 04
55				
	NM-012242	Homo sapiens homólogo dickkopf 1 (Xenopus laevis) (DKKI), ARNm	7.77 Abajo	1.24E- 04
60	AA740671	obolh05.sl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1322457 3, secuencia de ARNm	7.74 Abajo	2.22E- 03
65	NM_005712	Homo sapiens HERV-H-LTR asociado 1 (HHLA1), ARNm	7.67 Abajo	1.80E- 04

ES 2 569 421 T3

	BC040293	Homo sapiens, clon IMAGE: 4820330, ARNm	7.65 Abajo	3.10E- 04
5	NM_000089	Homo sapiens colágeno, tipo I, alfa 2 (COL1A2), ARNm	7.64 Abajo	1.17E- 03
	NM_005654	Homo sapiens receptor nuclear subfamilia 2, grupo F, miembro 1 (NR2F1), ARNm	7.63 Abajo	2.73E- 04
10				
	BE465134	hv75e11xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 3179276 3, secuencia de ARNm	7.53 Abajo	1.28E- 03
15				
	NM_002522	Homo sapiens pentraxina neuronal Me (NPTX1), ARNm	7.49 Abajo	6.53E- 04
20				
	AK093529	ADNc Homo sapiens FLJ36210 fis, clon THYMU2000155	7.47 Abajo	1.18E- 04
25				
	NM_003662	Homo sapiens Pirin (hierro-enlace nuclear proteína) (PIR), ARNm	7.29 Abajo	6.96E- 05
30				
	NM_001769	Homo sapiens antígeno CD9 (p24) (CD9), ARNm	7.23 Abajo	1.80E- 04
	AL359567	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp547D023 (a partir del clon DKFZp547D023)	7.21 Abajo	1.24E- 04
35				
	BX647313	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686N1593 (a partir del clonDKFZp686N1 593)	7.19 Abajo	1.19E- 04
40				
	NM_003979	Homo sapiens acoplado a proteína G receptor, la familia C, grupo 5, miembro a (GPCR5A), ARNm	7.18 Abajo	1.63E- 03
45				
	AI365141	qx96e07.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2010372 3, secuencia de ARNm	7.04 Abajo	3.01E- 04
50				
	CA948963	iq3OfO5.yl HR85 islote Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5, secuencia de ARNm	7.03 Abajo	8.55E- 04
55				
	NM_002977	Homo sapiens canal de sodio, por voltaje cerrado, tipo IX, alfa (SCN9A), ARNm	6.99 Abajo	5.83E- 05
60				
	BC033124	Homo sapiens, clon IMAGE: 2960615, ARNm	6.86 Abajo	6.60E- 05
65				
	NM_003385	Homo sapiens visinina tipo 1 (VSNL1), ARNm	6.73 Abajo	1.26E- 04

ES 2 569 421 T3

	NM_013262	Homo sapiens proteína de cadena interactuante de miosina reguladora de luz (MYLIP), ARNm	6.65 Abajo	1.66E- 04
5	NM_001843	Homo sapiens contactina 1 (CNTN1), variante de transcripción 1, ARNm	6.64 Abajo	3.37E- 03
10	NM_006727	Homo sapiens cadherina 10, tipo 2 (T2 cadherina) (CDH10), mRNA	6.59 Abajo	1.91E- 03
15	NM_016192	Homo sapiens proteína transmembrana con el tipo EGF y dos dominios de follistatina similar 2 (TMEFF2), ARNm	6.58 Abajo	9.19E- 05
20	NM_031847	Homo sapiens asociada a los microtúbulos proteína 2 (MAP2), variante de transcripción 4, ARNm	6.57 Abajo	1.13E- 03
25	CB115754	K-ESTO159876 L8SCKO Homo sapiens clon de ADNc L8SCKO-8-H08 5, secuencia de ARNm	6.55 Abajo	8.55E- 04
30	NM_025074	Homo sapiens síndrome Fraser 1 (FRAS1), variante de transcripción 1, ARNm	6.52 Abajo	4.97E- 05
35	NM_016206	Homo sapiens proteína de carcinoma de colon relacionado (FLJ38507), ARNm	6.45 Abajo	5.30E- 04
40	BC015159	ADNc Homo sapiens clonIMAGE: 3885734, cds parcial	6.35 Abajo	3.01E- 04
45	NM_005613	Homo sapiens regulador de la proteína G señalización 4 (RGS4), ARNm	6.33 Abajo	1.62E- 03
50	W88428	zh72g09.sl Soares_fetal_hígado_bazo_1NFLS_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-417664 3, secuencia de ARNm	6.28 Abajo	7.53E- 04
55	NM_058187	Homo sapiens cromosoma 21 marco de lectura abierto 63 (021 orf63), ARNm	6.16 Abajo	5.39E- 03
60	NM_020836	Homo sapiens proteína asociada a quinasa de guanilato enriquecido de cerebro (KIAA1446), ARNm	6.15 Abajo	3.75E- 03
65				

ES 2 569 421 T3

5	BX107838	BX107838 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens ADNc clon IMAGp998A153853 IMAGEN: 1521686, secuencia de ARNm	6.14 Abajo	1.77E-03
10	NM_004496	Homo sapiens caja de cabeza de horquilla AI (FOXA1), ARNm	6.13 Abajo	1.94E-04
15	NM_021637	Homo sapiens proteína transmembrana 35 (TMEM35), ARNm	6.1 Abajo	2.12E-03
20	NM_002521	Homo sapiens péptido natriurético B precursoras (NPPB), ARNm	6.1 Abajo	4.86E-04
	BF431041	nab3lgO2.xi Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3267627 3, secuencia de ARNm	6.08 Abajo	7.63E-05
25	NM_003713	Homo sapiens ácido fosfatídico Tipo de fosfatasa 2B (PPAP2B), variante transcripción 1 ARNM	6.05 Abajo	6.44E-04
30	AV728294	AV728294 HTC ADNc Homo sapiens clon HTCBIEO9 5, secuencia de ARNm	6.03 Abajo	7.71E-05
	NM_002148	Homo sapiens homeobox D10 (HOXD10), ARNm	6.01 Abajo	7.14E-05
35	NM-176891	Homo sapiens interferón épsilon 1 (IFNE1), ARNm	6 Abajo	7.48E-04
	NM_002317	Homo sapiens lisil oxidasa (LOX), ARNm	5.99 Abajo	3.17E-04
40	NM_016179	Homo sapiens receptor transitorio potencial canal catiónico, subfamilia C, miembro 4 (TRPC4), ARNm	5.99 Abajo	9.19E-05
45	AW134473	IU-H-BLL-ABV-a-1 1-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub3 ADNc Homo sapiensIMAGEN clon: 2712885 3, secuencia de ARNm	5.98 Abajo	7.04E-05
50	NM_005130	Homo sapiens del factor de crecimiento de fibroblastos proteína de unión 1 (FGFBP1), ARNm	5.95 Abajo	5.89E-04
55	AW512111	xx7OeO5.xl NCICGAP_Lym12 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2849024 3 similar a contiene el elemento ;, secuencia de ARNm repetitivo Alu	5.93 Abajo	4.97E-05

60

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_020349	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 2 (músculos que responden al estiramiento) (ANKRD2), ARNm	5.91 Abajo	1.18E- 04
10	NM_001083	Homo sapiens 5A fosfodiesterasa, cGMP-específica (PDE5A), transcripción variante 1, ARNm	5.88 Abajo	3.74E- 03
15	H94320	yvl8bIO.sl Soares bazo hígado fetal 1 NFLS ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 243067 3, secuencia de ARNm	5.83 Abajo	3.18E- 02
	NM_032461	Homo sapiens SPANX familia, miembro Bi (SPANXB1), ARNm	5.8 Abajo	1.08E- 03
20	BM994473	UI-H-DHO-auI-I-18-0-UI.sl NCI_CGAP_DHO ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5871137 3, secuencia de ARNm	5.79 Abajo	1.10E- 04
	BE540906	601063027F1 NIH_MGC_10 ADNc Homo sapiens clon IMAGE.- 3449455 5, secuencia de ARNm	5.79 Abajo	4.45E- 05
25	NM_033255	Homo sapiens interacción epitelial del estroma 1 (mama) (EPSTM), ARNm	5.75 Abajo	8.55E- 04
30	BU616268	UI-H-DFO-Bex-n-1 2-0-UI.sl NCI_CGAP_DFO ADNc Homo sapiens clon UI-H-DFO-Bex-n-1 2-0 3-UI, secuencia de ARNm	5.73 Abajo	6.74E- 04
	BX112170	BX112170 Soares heart_N fetal bH H 19W ADNc Homo sapiens clon IMAGp998007742; IMAGE: 327390, secuencia de ARNm	5.73 Abajo	7.32E- 04
35				
40	BC015108	Homo sapiens, similar a otoconina 90, IMAGE clon: 4044247, ARNm	5.72 Abajo	2.40E- 03
	NM_000576	Homo sapiens interleucina 1, beta (IL1B), ARNm	5.7 Abajo	2.97E- 03
45	AW470868	ha34h03.xl NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens cDNA clon IMAGE: 2875637 3, secuencia de ARNm	5.7 Abajo	2.31E- 03
50	AK093069	ADNc Homo sapiens FLJ35750 fis, clonTEST12004539, débilmente similar a Homo sapiens ARNm adlican	5.7 Abajo	1.11E- 03
55	NM_032330	Homo sapiens calpaína, pequeña subunidad 2 (CAPNS2), ARNm	5.68 Abajo	4.44E- 03
60	U51694	HSU51694 ADNc Homo sapiens humano normal de la encía, secuencia de ARNm	5.62 Abajo	1.02E- 04
65	NM_004335	Homo sapiens médula ósea de células stromal antígeno 2 (BST2), ARNm	5.61 Abajo	2.84E- 03

ES 2 569 421 T3

5	BF431460	7o14b05xl NCI CGAPKid11 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3573849 3, secuencia de ARNm	5.59 Abajo	7.53E- 04
10	BC046362	Homo sapiens proteína dependiente de la tensión de canales de calcio de subunidad similar a gamma, ARNm (ADNc clon MGC: 50757 IMAGE: 5221 396), cds completos	5.59 Abajo	8.07E- 04
15	NM_000961	Homo sapiens prostaglandina 12 (Prostaciclina) sintasa (PTGIS), ARNm	5.57 Abajo	1.01E- 03
20	AK022877	ADNc Homo sapiens FLJ12815 nosotros, clon NT2RP2002546	5.56 Abajo	4.04E- 05
25	NM_002277	Homo sapiens queratina, pelo, ácido, 1 (KRTHA1), ARNm	5.51 Abajo	3.04E- 04
30	AK092245	ADNc Homo sapiens FLJ34926 fis, clon NT2RP7003319, muy similares a Mus ARNm neuralina musculus	5.49 Abajo	1.40E- 03
35	NM_002427	Homo sapiens matriz metaloproteinasas 13 (colagenasa 3) (MMP1 3), ARNm	5.47 Abajo	4.45E- 04
40	BM991890	UI-H-DF1-auk-h-02-0-UI.sl NCI_CGAP_DF1 ADNc Homo sapiens IMAGEN clon-.5870641 3, secuencia de ARNm	5.39 Abajo	7.53E- 04
45	NM_002575	Homo sapiens serina (o cisteína) inhibidor de proteinasa, clade B (ovoalbúmina), miembro 2 (SERPINB2), ARNm	5.39 Abajo	9.60E- 03
50	NM_000782	Homo sapiens citocromo P450, la familia24, subfamilia A, polipéptido 1(CYP24A1), codificación de genes nuclearesproteína mitocondrial, ARNm	5.36 Abajo	1.31E- 02
55	NM_016276	Homo sapiens suero / glucocorticoides quinasa regulada 2 (SGK2), variante de transcripción 2, ARNm	5.34 Abajo	6.73E- 04
60	AK024689	ADNc Homo sapiens: FLJ21036 fis, clon CAE09578	5.32 Abajo	1.36E- 04
65	N78829	zbl7aO5.sl Homo Soares_fetal_lung_NbHL19W sapiens clon de ADNc IMAGE-302288 3, secuencia de ARNm	5.31 Abajo	6.00E- 03

ES 2 569 421 T3

5	AL080103	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp564N2216 (a partir del clon DKFZp564N2216)	5.26 Abajo	1.61E- 04
	BC035400	Homo sapiens, clon IMAGE: 4822830, ARNm	5.17 Abajo	1.13E- 02
10	AK056725	ADNc Homo sapiens FLJ32163fis, el clon PLACE6000371	5.13 Abajo	3.72E- 04
15	AK025595	ADNc Homo sapiens: FLJ21942fis, clon HEP04527	5.12 Abajo	1.56E- 02
	NM_015236	Homo sapiens latrophilina 3 (LPHN3), ARNm	5.11 Abajo	3.14E- 04
20	NM_012411	Homo sapiens proteína tirosina, fosfatasa, tipo no receptor 22 (Linfoide) (PTPN22), variante de transcripción 2, ARNm	5.1 Abajo	2.78E- 03
25	A1190760	qd6lcO5.xl Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1733960 3, secuencia de ARNm	5.08 Abajo	2.24E- 03
30	NM_139241	Homo sapiens FYVE, RhoGEF y PH dominio que contiene 4 (FGD4), ARNm	5.04 Abajo	6.92E- 03
35	NM_033066	Homo sapiens proteína de membrana, palmitoilato 4 (p55 subfamilia MAGUK miembro 4) (MPP4), ARNm	5.04 Abajo	7.11E- 03
40	BG573337	602595107F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 4724521 5, secuencia de ARNm	5.03 Abajo	5.60E- 03
45	AA158235	zo76b02.sl Stratagene páncreas(#937208) Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-592779 3, secuencia de ARNm	5.01 Abajo	7.10E- 03
50				
	BX092004	BX092004 NCI CGAP Kidi 1 Homo sapiens ADNc clon 95924 IMAGp998B1 IMAGE-.2385330, secuencia de ARNm	5.01 Abajo	1.69E- 02
55				
	AK058040	ADNc Homo sapiens FLJ2531 1 fis, clon SYNO1066	5 Abajo	1.76E- 03
60				
65				

TABLA VII D: GENES QUE SE EXPRESARON DIFERENCIALMENTE EN AL MENOS 5 VECES EN AF-I FRENTE A LAS CÉLULAS A PLAZO AF-I

5	Identificador gen	de	Nombre de gen	Cambio de pliegue medio en células de fibroblasto versus AF	Dirección	P-valor adj.
10	NM_006228		Homo sapiens prepronociceptin (PNOC), ARNm			64.08 UP 1.14E-04
15	NM_006439		Homo sapiens mab-21 similar a 2 (C. elegans) (MAB2IL2), ARNm			47.74 UP 1.03E-04
20	AK092245		ADNc Homo sapiens FLJ34926 fis, clon NT2RP7003319, muy similares a Mus musculus neuralina ARNm			44.83 UP 8.97E-05
	AK056431		ADNc Homo sapiens FLJ31 869 fis, clon NT2RP7002151			35.22 UP 5.97E-05
	NM_015170		Homo sapiens sulfatasa 1 (SULF1), ARNm			30.43 UP 1.53E-04
25	NM_0018		Homo sapiens proteína de unión de hialuronano y proteoglicanos 1 (HAPLN1), ARNm			27.82 UP 3.92E-05
30	NM_002487		Homo sapiens homólogo de necdina (ratón) (NDN), ARN			25.93 UP 2.07E-04
	BC037316		Homo sapiens, clon IMAGE.-5259432, ARNm			25.16 UP 5.97E-05
35	NM_020873		Homo sapiens repeticiones ricas en leucina neuronal 1 (LRRN1), ARNm			24.74 UP 6.46E-05
40	H89053		yw24c06.rl Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 253162 5, secuencia ARNm			23.95 UP 6.63E-05
45	NM_002148		Homo sapiens homeobox D10 (HOXD10), ARNm			20.48 UP 8.97E-05
	NM_014421		Homo sapiens Dickkopf homólogo 2 (Xenopus laevis) (DKK2), ARNm			20.41 UP 6.46E-05
50	NM_016212		Homo sapiens proteína TP53TG3 (TP53TG3), ARNm			20.08 UP 5.97E-05
55	NM_080743		Homo sapiens proteína represora de serina-arginina (35 kDa) (SRrp35), ARNm			19.58 UP 6.46E-05
60	NM_000170		Homo sapiens glicina deshidrogenasa (descarboxilación; descarboxilasa glicina, proteína de glicina del sistema de escisión P) (GLDC), ARNm			18.22 UP 9.61E-05
65						

ES 2 569 421 T3

5	BX647313	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686N1593 (de hecho DKFZp686N1593)	17.47 UP	6.46E- 05
10	NM_007361	Homo sapiens nidogen 2 (osteonidogen) (NID2), ARNm	17.41 UP	9.75E- 05
15	NM_007072	Homo sapiens HERV-H LTR-2 asociado (HHLA2), ARNm	16.06 UP	9.61E- 05
20	NM_152359	Homo sapiens carnitina palma itoiltransferasa IC (CPT1c), ARNm	15.65 UP	2.26E- 04
25	NM_002899	Homo sapiens unión de proteína retinol 1, celular (RBP1), ARNm	15.47 UP	1.40E- 04
30	NM_005531	Homo sapiens interferón, proteína de gamma-inducible 16 (1F116), ARNm	15.18 UP	1.67E- 04
35	NM_021192	Homo sapiens homeobox D11 (HOXD11), ARNm	15.05 UP	1.11E- 04
40	NM_016307	Homo sapiens emparejados homeobox relacionado 2 (PRRX2), ARNm	14.33 UP	5.97E- 05
45	AA738254	nxl3bO2.sl NCI_CGAP_GC3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1255947 3, secuencia de ARNm	14.27 UP	1.64E- 05
50	BE788763	601475864F1 NIH_MGC_68 Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 3879014 5, secuencia de ARNm	14.17 UP	1.40E- 04
55	NM_030627	Homo sapiens poliadecilación citoplasmática elemento de unión de proteína 4 (CPEB4), ARNm	14.01 UP	1.40E- 04
60	BX113319	BX113319 NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998G205398; IMAGE: 218461 9, secuencia de ARNm	13.62 UP	5.09E- 05
65	NM_025074	Homo sapiens síndrome de Fraser 1 (FRAS1), variante de transcripción 1, el ARNm	13.55 UP	5.09E- 05
	NM-001311	Homo sapiens proteínas ricas en cisteína 1 (intestinal) (CRIP1), ARNm	13 UP	8.97E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_138394	Homo sapiens proteína hipotética B0008217 (LOC92906), ARNm	12.64 UP	2.09E-04
10	BF431313 NM_133504	7o11d09.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3573928 3, secuencia de ARNm Homo sapiens decorina (DCN), variante de transcripción B, ARNm	12.04 UP 11.74 UP	1.10E-04 2.01E-04
15	BU567804	Agencourt_10398872 NIH MGC82 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 6614502 5, secuencia de ARNm	11.67 UP	5.09E-05
20	CA437861	UI-H-DHO-aur-k-1-UI 2-0.sl NCI_CGAP_DHO ADNc Homo sapiens clon UI-H-DHO-aur-k-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	10.89 UP	4.99E-05
25	BF431041	nab3lgO2.xl Soares_NS F_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3267627 3, secuencia de ARNm	10.78 UP	3.92E-05
30	NM_138966	Homo sapiens neuropilina (PNR) y Tolloid (TLL) similar a 1 (Neto1), variante de transcripción 3, ARNm	10.4 UP	8.97E-05
35	BU633163	IU-H-FL1-bgt-n-07-0-D I .SI NC_CGAP_FL1 ADNc Homo sapiens clon de IU-H-FL1-BGT-n-07-0-UI 3, secuencia de ARNm	10.32 UP	6.63E-05
40	M60502	ARNm profilagrina humana, 3 fin	10.26 UP	1.40E-04
45	NM_177949	Homo sapiens repetición armadillo que contiene, X-vinculado 2 (ARMCX2), ARNm	9.9 UP	1.62E-04
50	BG622707	602647476F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNc de IMAGE: 4768963 5, secuencia ARNm	9.78 UP	1.24E-04
55	AL834140	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp434A2029 (a partir del clon DKFZp434A2029)	9.75 UP	1-34E-04
60	NM_020353	Homo sapiens escramblasa fosfolípido 4 (PLSCR4), ARNm	9.71 UP	8.97E-05
65	AI905628	CM-BT094 BT094-050299-147 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	9.65 UP	1.03E-04

ES 2 569 421 T3

5	NM_005712	Homo sapiens HERV-H LTR-1 asociado (HHLA1), ARNm	9.52 UP	1.10E- 04
	NM_003328	Homo sapiens TXK tirosina quinasa (TXK), ARNm	9.49 UP	2.35E- 04
10	AK095573	ADNc Homo sapiens FLJ38254 fis, clon FCBBF3000847	9.39 UP	3.92E- 05
	NM_003973	Homo sapiens proteína ribosomal L14 (RPL14), ARNm	9.37 UP	9.74E- 05
15	AL137698	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp434C1915 (de clon DKFZp434C1 915); cds parcial	9.32 UP	1.48E- 03
	NM_033480	Homo sapiens ARNm proteínas F-box 9 (FBXO9), variante de transcripción 2	9.29 UP	1.40E- 04
20				
	NM_016588	Homo sapiens Neuritina 1 (NRN1), ARNm	9.16 UP	4.09E- 04
25	AK127309	ADNc Homo sapiens FLJ45377 fis, clon BRH1P3019956	9 UP	4.86E- 04
	NM_207482	Homo sapiens proteína FLJ44048 (FLJ44048) ARNm	8.93 UP	4.37E- 04
30	BE464407	hx89g05.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-3195032 3, ARNm	8.92 UP	6.16E- 04
35	NM_178033	Homo sapiens secuencia de citocromo P450, la familia 4, subfamilia X, polipéptido 1 (CYP4X1), ARNm	8.59 UP	1.35E- 04
40				
	NM_001854	Homo sapiens colágeno, tipo XI, alfa 1 (col1 1 A1), variante de transcripción A, ARNm	8.58 UP	4.86E- 04
45				
	NM_005141	Homo sapiens fibrinógeno, B polipéptido beta (FGB), ARNm	8.52 UP	5.39E- 04
50	NM_022454	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) - caja 17 (SOX17), ARNm	8.52 UP	6.46E- 05
55	A1651524	wbO6gO7.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2304924 3, secuencia ARNm	8.5 UP	3.47E- 04
60	AI288404	qv89bOI xl NCI_CGAPUt2 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.1988713 3, secuencia de ARNm	8.22 UP	3.47E- 04
65	AL359058	Homo sapiens ARNm de longitud completa de ADNc inserte clon EUROIMAGE 592473	8.12 UP	1.82E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_002427	Homo sapiens metaloproteinasas de matriz 13 (colagenasa 3) (MMP1 3), el ARNm	7.92 UP	2.93E- 04
10	AJ318805	Homo sapiens AJ318805 adiposo tejido Homo sapiens clon de ADNc de 2040, secuencia de ARNm	7.91 UP	1.03E- 04
15	BC033124	Homo sapiens, clon IMAGE: 2960615, ARNm	7.83 UP	6.63E- 05
20	B1561641	603256058F1 NIH_MGC_97 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.5298374 5, secuencia de ARNm	7.82 UP	1.18E- 03
25	AK054960	ADNc Homo sapiens FLJ3O398fis, clon BRACE20084O2, muy similar a Homo sapiens receptor de esteroides ARN activador isoforma 3 ARNm	7.67 UP	1.12E- 03
30	NM_174900	Homo sapiens proteínas dedo de zinc 42 (ZFP42), ARNm	7.64 UP	1.40E- 04
35	NM_007099	Homo sapiens fosfatasa ácida 1, soluble en (ACP1), variante de transcripción 2, ARNm	7.6 UP	1.36E- 03
40	BC015108	Homo sapiens, similar a otoconina 90, el clon IMAGE: 4044247, ARNm	7.54 UP	6.63E- 05
45	A1640484	wa27fOi.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2299321 3, secuencia de ARNm	7.49 UP	1.03E- 03
50	AK001099	ADNc Homo sapiens FLJ10237 fis, clon HEMBB1000438	7.49 UP	9.13E- 04
55	AB033037	ARNm Homo sapiens para la proteína KIAA1211, cds parcial	7.34 UP	7.16E- 05
60	BC033567	Homo sapiens, clon IMAGE: 4822266, ARNm	7.29 UP	1.67E- 04
65	NM-001144	Homo sapiens motilidad autócrina receptora del factor de (AMFR), variante de transcripción 1, ARNm	7.23 UP	3.06E- 04
	A1792194	ovO3cO2.y5 NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1636226 5, secuencia de ARNm	7.23 UP	4.37E- 04
	A1939297	oy5OgO8.x5 NCI_CGAP_Brn23 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1669310 3, secuencia de ARNm	7.21 UP	1.87E- 04
	BF512544	UI-H-BW1-amf-c-08-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub7 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3069687 3, secuencia de ARNm	7.17 UP	8.19E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_005654	Homo sapiens subfamilia de receptores nucleares 2, el grupo F, miembro 1 (NR2F1), ARNm	7.09 UP	6.63E- 05
10	H94320	yvl8bIO.si Soares bazo hígado fetal 1NFLS Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 243067 3	6.65 UP	2.20E- 03
15	NM_000557	Homo sapiens secuencia de ARNm de factor de diferenciación de crecimiento 5 (derivada de cartilago proteína morfogenética-1) (GDF5), ARNm	6.5 UP	1.74E- 03
20				
25	H15096	ym29e11.r1 Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 49250 5, secuencia de ARNm	6.48 UP	5.09E- 05
30	NM_002515	Homo sapiens neuro-oncológica ventral antígeno 1 (Nova1), variante de transcripción 1, ARNm	6.25 UP	5.77E- 05
35	NM_005130	Homo sapiens factor de crecimiento de fibroblastos unión de proteína 1 (FGFBPI), ARNm	6.13 UP	1.03E- 04
40				
45	BM675270 AW268540	UI-E-EJO-ahr-j-07-0-UI.sl UI-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc de IU-E-EJO-ahr-j-07-0-UI 3, secuencia de ARNm xv5lelO.xl NCI_CGAP_Lu28 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2816682 3, secuencia de ARNm	6.1 UP 6.09 UP	1.23E- 03 1.09E- 04
50	NM_004390 BM468332	Homo sapiens catepsina H (CSP), variante de transcripción 1, ARNm Agencourt_6432296 NIH MGC 71 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5535773 5, secuencia ARNm	6.03 UP 5.97 UP	1.03E- 04 7.63E- 05
55	NM_052997	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 30A (ANKRD30A), ARNm	5.87 UP	3.09E- 03
60	AK123319	ADNc Homo sapiens FLJ41325 fis, clon BRAMY2046871	5.81 UP	3.81E- 04
65	NM_004235	Homo sapiens factor similar a Kruppel 4 (intestino) (KLF4), ARNm	1.81 UP	5.77E- 04

ES 2 569 421 T3

5	BC042976	Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5295023, cds parciales	5.76 UP	2.39E- 03
	AA740671	obolh05.sl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1322457 3, secuencia de ARNm	5.61 UP	3.06E- 03
10				
15	NM_000087	Homo sapiens nucleótidos cíclicos cerrados canal de alfa 1 (CNGA1), ARNm	5.53 UP	2.39E- 03
20	NM_018476	Homo sapiens cerebro expresado, ligado al cromosoma X 1 (BEX1), ARNm	5.52 UP	1.07E- 03
25	BX107838	BX107838 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998A153853; IMAGE: 1521686, secuencia de ARN	5.41 UP	2.69E- 03
	NM_145201	Homo sapiens similar al producto del gen CG3714 (PP3856), ARNm	5.36 UP	5.77E- 05
30	NM_005069	Homo sapiens homólogo de una sola mente 2 (DrosophUa) (SIM2), variante de transcripción SIM2, ARNm	5.34 UP	7.88E- 05
	NM_004753	Homo sapiens deshidrogenasa / reductasa (DEG familia) miembro 3 (DHRS3), ARNm	5.32 UP	4.71E- 04
35				
	NM_002338	Homo sapiens sistema asociado límbico, proteína de membrana (LSAMP), ARNm	5.32 UP	6.88E- 04
40	NM_0335518	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 38, miembro 6 (SLC38A5), ARNm	5.28 UP	3.14E- 03
45	BX117317	NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens BX117317 clon de ADNc 1MAGp998E242234; IMAGE: 900095, secuencia de ARNm	5.22 UP	1.36E- 03
50	CB115754	K-ESTO159876 L8SCKO ADNc Homo sapiens clon L8SCKO- 8-H08 5, secuencia de ARNm	5.21 UP	1.22E- 03
55	AL359567	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp547D023 (a partir del clon DKFZp5470023)	5.18 UP	5.41E- 04
60	NM_020353	Homo sapiens scramblasa 4 fosfolípido (PLSCR4), ARNm	5.13 UP	1.36E- 03
	NM_002515	Homo sapiens antígeno ventral neuro-oncológico 1 (Nova1), variante de transcripción 1, ARNm	5.12 UP	9.13E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	U51694	HSU51694 Encía normal humana Homo sapiens de ADNc, secuencia de ARNm	5.11 UP	1.10E- 04
10	NM_006546	Homo sapiens IGF-II ARNm proteína de unión 1 (IMP-1), ARNm	5.1 UP	2.50E- 03
15	BG573337	602595107F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4724521 5, secuencia de ARNm	5.1 UP	5.54E- 03
20	NM_006727	Homo sapiens cadherina 10, tipo 2 (T2-cadherina) (CDH10), ARNm	5.01 UP	3.47E- 03
25	NM_014358	Homo sapiens de tipo C (dependiente de calcio, dominio de reconocimiento de carbono) de la lectina de hidratos, miembro de la superfamilia 9 (CLECSF9), ARNm	36.05 Abajo	3.68E- 04
30				
35	NM-021013	Homo sapiens queratina, pelo, ácida, 4 (KRTHA4), ARNm	33.84 Abajo	9.33E- 04
40	BM988338	UI-H-DH0-asd-f-10-0-UI.s1 NCI_CGAP_DH0 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5857545 3, secuencia de ARNm	31.23 Abajo	4.43E- 03
45	BC039369	Homo sapiens, clon IMAGE-.5271073, ARNm, cds parciales	25.01 Abajo	1.51E- 03
50	BE877764	601486331FI NIH_MGC_69 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3888943 5, secuencia de ARNm	24.69 Abajo	5.74E- 03
55	AW300043	xs45a09.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2772568 3, secuencia ARNm	21.86 Abajo	1.45E- 02
	BQ025821	IU-I-BB1 p-aye-f-10-0-UI.s1 NCI_CGAP_P16 ADNc Homo sapiens clon UI-1-BB1p-aye-f-10-0-UI 3, secuencia de ARNm	20.35 Abajo	7.39E- 03
60	BQ003501	IU-H-EI1-azd-p-06-0-UI.s1 NCI_CGAP_EI1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5847413 3, secuencia de ARNm	19.16 Abajo	9.49E- 04

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_013387	Homo sapiens ubiquinol-citocromo c complejo de reductasa (7,2 kD) (HSPCO51), variante de transcripción 1, ARNm	18.22 Abajo	1.43E-04
10	CA391258	csl3aiO.xl Pigmento Retinal Humano epitelio / ADNc coroides (no normalizado, sin amplificar): clon de ADNc Homo sapiens cs csl3a10 3, secuencia de ARNm	17.83 Abajo	3.92E-05
15				
20	AV702977	AV702977 ADB clon ADNc Homo sapiensADBCVDO8 5, secuencia de ARNm	17.04 Abajo	1.41E-02
25	NM_015714	Homo sapiens G0/G1 linfocitos putativo gen interruptor (GOS2), ARNm	15.4 Abajo	9.27E-03
30	H85497	yv88b07.rl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-249781 5, secuencia de ARNm	14.88 Abajo	1.03E-04
35	NM_014226	Homo sapiens antígeno renal tumoral (RAGE), ARNm	14.77 Abajo	2.43E-03
40	AK023647	ADNc Homo sapiens FLJ13585 fis, clon PLACE1009150	14.09 Abajo	1.22E-03
45	AK128288	ADNc Homo sapiens FLJ46426 fis, clon THYMU301 3897	12.83 Abajo	2.34E-02
50	NM017852	Homo sapiens NACHT, con repeticiones ricas en leucina y la PYD que contiene 2 (NALP2), ARNm	12.69 Abajo	1.36E-03
55	NM_024336	Homo sapiens proteína iroquois homeobox 3 (Irx3), ARNm	12.29 Abajo	1.29E-02
60	NM_004591	Homo sapiens quimiocina (motivo C-C) 20 ligando (CCL2O), ARNm	11.11 Abajo	3.13E-02
65	BF515657	UI-H-BW1-anu-e-05-0-UI.sl NCICGAPSub7 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3083601 3, secuencia de ARNm	11.02 Abajo	1.26E-02
	W69644	zd45fl Ori Soares cardíaca fetal NbHH 19W Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 343627 5, secuencia de ARNm	10.54 Abajo	8.66E-03

ES 2 569 421 T3

5	AL832916	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp76210915 (a partir del clon DKFZp762IO915)	9.98 Abajo	1.94E-03
10	NM_005739	RAS Homo sapiens ciclase liberación de la proteína 1 (calcio y regulado por el DAG) (RASGRP1), ARNm	9.82 Abajo	3.85E-03
15	BF000009	7h15g04xl NCI_CGAP_Co16 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3316086 3, secuencia de ARNm	9.64 Abajo	1.78E-02
20	NM_012105	Homo sapiens Enzima sitio beta APP de escisión 2 (BACE2), variante de transcripción a, ARNm	9.3 Abajo	1.50E-04
25	BU569937	Agencourt_NIH MGC82 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 6618011 5, secuencia de ARNm	9.27 Abajo	3.61E-02
30	NM_032782	Homo sapiens virus de hepatitis A receptor celular 2 (HAVCR2), ARNm	8.92 Abajo	6.61E-03
35	NM_1979	Homo sapiens mucosa normal del esófago específico 1 (NMES1), variante de transcripción 1, ARNm	8.82 Abajo	4.10E-03
40	NM_003810	Homo sapiens factor de necrosis tumoral (ligando) superfamilia, miembro 10 (TNFSF10), ARNm	8.08 Abajo	2.84E-04
45	NM_014222	Homo sapiens NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplex alfa 1, 8, 19kDa (NDUFA8), codificación de genes nucleares proteína mitocondrial, ARNm	7.99 Abajo	1.59E-02
50				
55	NM_019119	Homo sapiens protocadherina beta 9 (PCDHB9), ARNm	7.85 Abajo	7.39E-03
	NM_014867	Homo sapiens KIAAO71 producto de gen (KIAAO711), ARNm	6.89 Abajo	9.61E-05
60	BF509573	UI-H-B14-apf-b-11-0-UI.sl NC_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3086949 3, secuencia de ARNm	6.85 Abajo	8.97E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	B001277	IU-1-BC1p-auz-h-01-0-UI.sl NCI_CGAP.P13 Homo sapiens clon de ADNc IU-1--BC1p-auz-h-01-0-U13, secuencia de ARNm	6.44 Abajo	5.30E-02
10	NM_018836	Homo sapiens proteína transmembrana SHREW1 (SHREW1), ARNm	6.32 Abajo	2.36E-02
15	AW13906	IU-H-BI1-adz-d-02-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGEN: 2718387 3, de secuencia de ARNm	6.28 Abajo	1.03E-04
20	NM_018076	Homo sapiens repetición armadillo que contiene 4 (ARMC4), ARNm	6.17 Abajo	2.20E-03
25	B1759570	603046987F1 NIHMG1 16 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5187285 5, secuencia ARNm	6.03 Abajo	5.06E-02
30	NM_004496	Homo sapiens caja de cabeza de horquilla AI (FOXA1), ARNm	5.79 Abajo	1.03E-04
35	NM_004473	Homo sapiens caja forkhead EI (tiroides factor de transcripción 2) (FOXE1), ARNm	5.48 Abajo	6.27E-05
40	NM_182920	Homo sapiens desintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 motivo, 9 (ADAMTS9), variante de transcripción 1, ARNm	5.35 Abajo	1.87E-04
	AI830524	wh52c02.xl NCI_CGAP_KID11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-2384354 3, secuencia de ARNm	5.34 Abajo	3.42E-02
45	NM_004840	Homo sapiens Rac / Cdc42 nucleótido guanina factor de intercambio (GEF) 6 (ARHGEF6), ARNm	5.18 Abajo	1.41E-03
50	AK026966	ADNc Homo sapiens: FLJ2331 3 fis, clon HEP11919	5.09 Abajo	1.49E-04
	BC044843	Homo sapiens proteína hipotética LOC339535, ARNm (clon de cDNA IMAGEN-0,5186761), cds parcial	5.03 Abajo	3.36E-02
55	X02851	ARNm humano para la interleucina-1 precursora (pre IL-1)	5.03 Abajo	8.60E-03
60				
65				

TABLA VII E: GENES QUE SE EXPRESARON DIFERENCIALMENTE EN AL MENOS 5 VECES EN AF-I FRENTE A CÉLULAS AF-11

5
10
15
20
25
30
35
40
45
50
55
60
65

Identificador de gen	Nombre de gen	Cambio de pliegue medio en células de fibroblasto versus AF	Dirección	P-valor adj.
D52654	HUMO84DO2B Clontech cerebro fetal humano ARNm poliA+ (#6535) ADNc Homo sapiens clon GEN-084D02 5, secuencia de ARNm			398.37 UP 8.54E-05
NM_000090	Homo sapiens colágeno, tipo III, alfa 1, (síndrome de Ehlers-Danlos tipo IV, autosómica dominante) (COL3A1), ARNm			228.59 UP 5.20E-05
NM_007084	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) - cuadro 21 (Sox21), ARNm			144.06 UP 2.10E-04
AK026784	ADNc Homo sapiens: FLJ23131 fis, clonLNG08502			88.3 UP 7.11E-05
BC014344	Homo sapiens, similar a arilacetamida deacetilasa, clon IMAGE: 3934567, ARNm			52.67 UP 1.31E-05
B0003501	IU-H-EII-AZD-p-06-O-ULsl NCI_CGAP_EI1 ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 5847413 3, secuencia de ARNm			52.33 UP 6.55E-05
BQ025821	UI-1-BB1p-aye-f-10-0-UI.sl NCICGAP_P16 ADNc Homo sapiens clon de IU-1-BB1 p-aye-f-bi-0-UI 3, secuencia de ARNm			45.25 UP 5.46E-05
NM_017805	Homo sapiens que interactúan las proteínas Ras 1 (RASIP1), ARNm			43.27 UP 2.20E-04
BF515657	UI-H-BW1-anu-e-05-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub7 ADNc Homo sapiens clon IMAGE:3083601 3, secuencia de ARNm			42.11 UP 1.69E-05
NM_138961	Homo sapiens adhesión de células endoteliales molécula (ESAM), ARNm			41.23 UP 7.66E-05
BC046364	Homo sapiens flavoproteínas oxidorreductasa, MICAL3, ARNm (clon de ADNc IMAGE: 5737121), con intrón retenido aparente			39.24 UP 1.47E-04
AK021531	ADNc Homo sapiens FLJ1 1469 fis, clon HEMBA1001658			36.94 UP 5.91E-04

ES 2 569 421 T3

	NM_001432	Homo sapiens epirregulina (EREG), ARNm	36.88 UP	7.51E- 04
5	NM_000474	Homo sapiens giro homólogo 1 de (Acrocefalosindactilia 3; Saetbre-Chotzen síndrome) (Drosophila) (TWIST1), ARNm	36.39 UP	1.01E- 04
10	NM_053281	Homo sapiens dachshund homólogo 2 (Drosophila) (DACH2), ARNm	34.9 UP	7.97E- 06
15	H85497	yv88b07.rl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 249781 5, Secuencia de ARNm	32.03 UP	1.81E- 04
20	NM_033050	Homo sapiens succinato receptor 1 (SUCNR1), ARNm	29.47 UP	2.29E- 04
25	BX093329	BX093329 Soares_parathyroid_tumor_NbHPA ADNc Homo sapiens IMAGp998A124183 clon 241839; IMAGE-.1648403, secuencia de ARNm	28.85 UP	6.94E- 04
30				
35	NM_012204	Homo sapiens factor de transcripción general IIIc, polipéptido 4, 90kDa (GTF3C4), ARNm	28.2 UP	1.29E- 04
40	AI124557	am58g02.xl Johnston corteza frontal Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-1539794 3, Secuencia de ARNm	27.99 UP	4.43E- 05
45	NM_014178	Homo sapiens syntaxina proteína de unión a 6 (amisina) (STXBP6), ARNm	26.38 UP	9.11E- 05
50	U83115	Beta no lente de gamma-cristalina humana como proteínas (AIMI) ARNm, cds parcial	26.15 UP	3.63E- 05
55	NM_020927	Homo sapiens KIAA1 576 proteínas (KIAA1 576), mRNA	25.98 UP	2.56E- 05
60	NM_001442	Ácidos grasos Homo sapiens proteína de unión 4, adipocito (FABP4), ARNm	25.37 UP	4.39E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	BC045666	Homo sapiens proteína tumoral p53 inducible proteína 11, ARNm (clon de ADNc IMAGE: 5298525), que contienen errores de cambio de marco	25.36 UP	1.84E- 04
10	NM_013387	Homo sapiens ubiquinol citocromo c-complejo reductasa (7,2 kD) (HSPCO51), variante transcripción 1, ARNm	24.64 UP	1.47E- 04
15	AK125453	ADNc Homo sapiens FLJ43464 fis, clon OCBBF2036225	23.47 UP	3.90E- 03
20	NM_170744	Homo sapiens UNC-5 homólogo B (C. elegans) (Unc5B), ARNm	22.66 UP	9.44E- 05
25	AB067499	Homo sapiens ARNm para la proteína KIAA1912, cds parcial	22.2 UP	2.69E- 05
30	NM_005110	Homo sapiens glutamina-fructosa-6-fosfato transaminasa 2 (GFPT2), ARNm	22 UP	9.53E- 06
35	CD677332	hol5fO6.yl trabecular humano malla ADNc: hohphq Homo sapiens clon de ADNc hol5fO6 5, secuencia de ARNm	21.26 UP	7.83E- 05
40	NM_005525	Homo sapiens hidroxesteroide (11-beta) deshidrogenasa 1 (HSD1 181), variante de transcripción 1, ARNm	20.9 UP	4.93E- 05
45	NM_006475	Homo sapiens periostina, osteoblastos específica de los factores (POSTN), ARNm	20.5 UP	6.66E- 04
50	AK027128	ADNc Homo sapiens: FLJ23475 fis, clon HS113659	20.14 UP	1.00E- 04
55	A1962169	wq45cIO.xl NCL_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-2474226 3, Secuencia de ARNm	19.91 UP	6.86E- 05
60	BM713465	UI-E-EJO-aho-m-22-0-UI.rl IU-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc de IU-E-EJO-aho-m-22-0-UI 5, secuencia de ARNm	19.86 UP	4.55E- 05
65	NM_014802	Homo sapiens KIAA0528 producto génico (K1AA0528), ARNm	19.34 UP	2.92E- 03

ES 2 569 421 T3

	NM_024336	Homo sapiens Iroquois proteína homeobox 3 (Irx3), ARNm	19.2 UP	4.93E-05
5	NM_000867	Homo sapiens 5-hidroxitriptamina (serotonina) receptor 2B (HTR2B), ARNm	18.89 UP	5.39E-05
10	AF052115	Homo sapiens clon secuencia de ARNm 23688	17.49 UP	8.17E-05
15	BC016722	Homo sapiens IMAGE clon de ADNc: 4075924, cds parcial	16.82 UP	2.28E-03
20	NM_018013	Homo sapiens proteína hipotética FLJ1O159 (FLJ1O159), ARNm	16.78 UP	5.98E-06
25	N33310	yy39gIO.sl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 273666 3, Secuencia de ARNm	16.64 UP	1.30E-04
	W38393	ZBL 5c07.rl Soares_fetal_lung_NbHL1 9W Homo sapiens ADNc clon IMAGE-0.302124 5, secuencia de ARNm	16.52 UP	1.05E-04
30	R44402	yg37aOI.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 34639 3 similar a contiene MER35 elemento repetitivo ;, Secuencia de ARNm	16.02 UP	4.93E-05
35	NM_020226	Homo sapiens PR dominio que contiene 8 (PRDM8), ARNm	15.99 UP	3.92E-04
40	BU677169	UI-CF-DU1-aaj-c-16-O-UI.sl UI-CF-DU1 Homo sapiens clon de ADNc D I-CF-DU1 -aaj c-1-6-0 UI 3, secuencia de ARNm	15.75 UP	3.92E-04
45	NM_001146	Homo sapiens angiopoletin 1 (ANGPT1), transcripción variante 1, ARNm	15.5 UP	5.07E-04
50	AK123875	ADNc Homo sapiens FLJ41 881 fis, clon OCBBF2021833	15.42 UP	1.03E-04
55	NM_000735	Homo sapiens glicoproteína hormonas, alfa polipéptido (CGA), ARNm	15.42 UP	2.19E-04
60	AW445209	IU-H-B13-AKC-g-1 I -0-UI.sl NCI_CGAP_Sub5 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2733908 3, secuencia de ARNm	15.03 UP	2.89E-05
65	BC040678	Homo sapiens, clon IMAGE: 4817707, ARNm	14.85 UP	1.69E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_052846	Homo sapiens microfibrillas elastina interfacer 3 (EMILIN3), ARNm	14.55 UP	5.78E- 05
10	NM_005320	Homo sapiens histona 1, Hid (hist1 Hola D), ARNm	14.49 UP	9.77E- 03
15	U79271	Clones humanos 23920 y 23921 de secuencia de ARNm	13.86 UP	7.54E- 04
20	BQ186389	UI-E-IPE-AJR-c-19-0-UI.rl ul-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc IU-E-IPE-AJR-c-1 9-0 5-UI, secuencia de ARNm	13.7 UP	5.94E- 04
25	NM_032638	Homo sapiens GATA proteína de unión 2 (GATA2), ARNm	13.42 UP	1.67E- 04
30	NM_000089	Homo sapiens colágeno tipo I, alfa 2 (COL1A2), ARNm	13.37 UP	1.89E- 03
35	NM_139211	Homo sapiens -homeodominio única proteína (HOP), transcripción variante 2, ARNm	13.15 UP	1.03E- 04
40	BM663928	UI-E-Cl1 -afw-p-01 -0-UI.sl IU-E-Cl1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CL1-AFW-p-01-0-UI 3, secuencia de ARNm	13.08 UP	3.22E- 04
45	NM_021643	Homo sapiens tribbles homólogo 2 (Drosophila) (Trib2), ARNm	12.66 UP	2.40E- 04
50	NM_004411	Homo sapiens dineína, citoplasmática, polipéptido intermedio 1 (DNCl1), ARNm	12.59 UP	1.43E- 05
55	AK128288	ADNc Homo sapiens FLJ46426 fis, clon THYMU3013897	12.51 UP	8.11E- 04
60	ALI33118	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp586NO1 21 (a partir del clon DKFZp586NO1 21)	12.28 UP	2.54E- 04
65	BQ02798	UI-H-COO-arg-e-03-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub9 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 3106611 3, secuencia de ARNm 4	12.2 UP	8.14E- 05
	NM_001175	Homo sapiens Rho PIB disociación inhibidor (CDI) beta (ARHGDIB), ARNm	11.91 UP	5.05E- 05
	NM_005595	Homo sapiens factor nuclear de E / A (NFIA), ARNm	11.71 UP	6.19E- 04

ES 2 569 421 T3

5	AK055518	ADNc Homo sapiens FLJ30956 fis, clon HCASM2000202	11.56 UP	2.92E- 03
	NM_000407	Homo sapiens glicoproteína Ib (plaquetas), beta polipéptido (GP1BB), ARNm	11.29 UP	1.18E- 03
10	AK130306	ADNc Homo sapiens FLJ26796fis, clon PRS05079	11.1 UP	1.24E- 03
15	NM_012310	Homo sapiens quinesina miembro de la familia 4A (KIF4A), ARNm	11.08 UP	1.59E- 02
20	NM_058187	Homo sapiens cromosoma 21 de marco de lectura abierto 63 (C21orf63), ARNm	10.78 UP	5.06E- 04
25	NM_016206	El carcinoma de colon Homo sapiens proteína relacionada con (FLJ38507), ARNm	10.71 UP	3.40E- 04
30	NM_032918	Homo sapiens RAS-como, regulados por estrógenos, inhibidor del crecimiento (RERG), ARNm	10.69 UP	1.36E- 04
	NM_053044	Homo sapiens serina proteasa HTRA3 (HTRA3), ARNm	10.65 UP	2.39E- 04
35	NM_153355	Homo sapiens 1-células de linfoma de punto de interrupción asociado a la diana 1 (TCBA1), ARNm	10.47 UP	8.32E- 03
40	NM_152665	Homo sapiens hipotética proteína FLJ40873 (FLJ40873), ARNm	10.42 UP	2.20E- 04
45	NM_004460	Homo sapiens proteínas activación de los fibroblastos, alfa (FAP), ARNm	10.39 UP	5.27E- 05
50	NM_152550	Homo sapiens dominio SH3 que contiene un anillo dedo 2 (SH3RF2), ARNm	10.29 UP	6.33E- 04
55	BF674238	602136969F1 NIH_MGC_83 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 4273624 5, secuencia ARNm	10.27 UP	4.87E- 02
	NM_005325	Homo sapiens histona 1, H1a (HIST1H1A), ARNm	9.97 UP	1.19E- 03
60	AV702977	AV702977 ADB ADNc Homo sapiens clon ADBCVDO8 5, secuencia de ARNm	9.96 UP	4.43E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_024600	Homo sapiens cromosoma 16 de marco de lectura abierto 30 (Cl6orf30), ARNm	9.89 UP	2.28E- 03
10	AK023739	ADNc Homo sapiens FLJ13677 fis, clon PLACE1011982	9.82 UP	9.53E- 06
15	AK124699	ADNc Homo sapiens FLJ42709 fis, clon BRAMY3007350	9.73 UP	2.38E- 02
20	NM_005239	Homo sapiens virus de la v-ets eritroblastosis E26 oncogén homólogo 2 (aviar) (ETS2), ARNm	9.56 UP	6.20E- 03
25	AK091337	ADNc Homo sapiens FLJ34018 fis, clon FCBBF2002801	9.3 UP	6.30E- 04
30	H15096	ym29ell.rl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 49250 5, Secuencia de ARNm	9.17 UP	7.83E- 05
35	NM_018286	Homo sapiens hipotética proteína FLJ10970 (FLJ10970), ARNm	9.16 UP	2.02E- 03
40	NM_003783	Homo sapiens UDP-Gal: betaGlcNAc beta 13-actosiltransferasa gal, polipéptido 2 (B3GALT2), ARNm	9.04 UP	1.38E- 02
45	NM_032457	Homo sapiens BH-protocadherin (cerebro-corazón) (PCDH7), transcripción de la variante c, ARNm	8.94 UP	1.53E- 04
50	NM_015192	Homo sapiens fosfolipasa C, beta 1 (fosfoinositida-específico) (PLCB 1), transcripción variante 1, ARNm	8.82 UP	3.03E- 03
55	NM_003514	Homo sapiens histona 1, H2am (HIST1H2AM), ARNm	8.75 UP	5.60E- 03
60	A1082507	ox55c02.sl Soares_total_fetus_Nb2HF8_9w ADNc Homo sapiens clon IMAGE -1660226 3,	8.68 UP	2.98E- 03
65	NM_025107	ARNm secuencia de Homo sapiens myc objetivo 1 (MYCT1), ARNm Homo sapiens, clon IMAGE: 4730399, ARNm	8.61 UP	1.37E- 04
	BC036004	Homo sapiens clon de ADNc IMAGEÑ 4730399	8.56 UP	2.94E- 04

ES 2 569 421 T3

5	BF029356	601765592F1 NIH_MGC_53 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-3997510 5, secuencia de ARNm	8.47 UP	1.99E- 03
10	NM_004787	Homo sapiens hendidura homólogo 2 (Drosophila) (SLIT2), ARNm	8.47 UP	8.47E- 04
15	CA865586	ir42e09.xl HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6547889 3, secuencia de ARNm	8.46 UP	8.95E- 04
20	NM_021614	Homo sapiens canal de potasio intermedia / pequeña conductancia de calcio activados, subfamilia N, miembro 2 (KCNN2), transcripción variante 1, ARNm	8.37 UP	2.28E- 05
25				
30	NM_004791	Homo sapiens integrina, beta tipo 1 (con EGF igual que los dominios de repetición) (ITGBL1), ARNm	8.31 UP	2.21E- 04
35	NM_052954	Homo sapiens cisteína y la tirosina-rica 1(CYYR1), ARNm	8.12 UP	8.96E- 05
40	NM_032883	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 100 (C2Oorf100), ARNm	8.1 UP	4.12E- 04
45	BX106577	BX106577 Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998H131854; IMAGE: 754236, secuencia de ARNm	8.06 UP	7.14E- 05
50	AK074131	ARNm de Homo sapiens para la proteína FLJ00204	7.95 UP	2.59E- 04
55	NM_024621	Homo sapiens proteína hipotética FLJ12604	7.88 UP	4.06E- 04
	BX647541	(FLJ12604), ARNm Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686P0492 (a partir del clon DKFZp686P0492)	7.84 UP	8.97E- 05
60	NM_145016	Homo sapiens BXMAS2-10 (BXMAS2-10), ARNm	7.78 UP	5.05E- 04
	BU634363	UI-H-FL1 -bgx-o-20-0-UI .s1 NCI_CGAP_FL1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-FL1-bgx-o-20-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.7 UP	1.84E- 04
	AI939462	tf23h06.x5 NCI_CGAP_Brn23 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2097083 3, secuencia de ARNm	7.49 UP	1.21E- 04
65	NM_153183	Homo sapiens nudix (nucleósido difosfato relacionado con motivos X) de tipo fracción 10 (NUDT1 0), ARNm	7.47 UP	5.46E- 05

ES 2 569 421 T3

5	BQ011545	UI-1-BC1 p-ASI-a-02-0-UI.s1 NCI_CGAP_PI3, ADNc Homo sapiens clon de UI-1-BC1p-ASI-a-02-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.43 UP	1.38E-03
10	T47612	ybi5ho3.sl Stratagene placenta (# 937225) Homo sapiens clon de cDNA IMAGE-71285 3,	7.41 UP	4.13E-03
15	NM_020809	Homo sapiens secuencia de ARNm Rho GTPasa proteína activadora 20 (ARHGAP20), ARNm	7.36 UP	2.50E-04
20	BC042378	Homo sapiens, clon IMAGE.-5277693, ARNm	7.25 UP	3.63E-03
25	AF414442	Homo sapiens cáncer de ovario relacionado con un tumor marcador CAL 25 ARNm, cds completos	7.11 UP	2.19E-03
30	NM_006350	Homo sapiens follistatina (FST), variante de transcripción FST317, ARNm	7.1 UP	5.52E-04
35	CD723006	ojl6hO2.yl glándula lagrimal humana, sin amplificar: ADNc oj Homo sapiens clon ojl6h02 5, secuencia ARNm	7.09 UP	5.06E-04
40	BC027461	ADNc Homo sapiens IMAGE clon-.2984900, contiene errores de cambio de marco	7.02 UP	4.43E-05
45	NM_152782	Homo sapiens Sadi y UNC84 dominio que contiene 1 (SUNC1), ARNm	6.94 UP	1.34E-03
50	AK12500	ADNc Homo sapiens FLJ43011 fis, clon de BRTHA2015853	6.91 UP	3.36E-03
55	NM_152314	Homo sapiens proteína hipotética MGC34830 (MGC34830), ARNm	6.89 UP	1.08E-04
	NM_080872	Homo sapiens UNC-5 homólogo D (C. elegans) (UNC5D), ARNm	6.88 UP	3.33E-04
	NM-015714	Homo sapiens linfocitos putativo G0/G1 gen interruptor (GOS2), ARNm	6.86 UP	1.34E-03
60	NM_014548	Homo sapiens tropomodulina 2 (neuronal) (TMOD2), ARNm	6.83 UP	5.11E-03
65	NM_002771	Homo sapiens proteasa, serina, 3 (mesotripsina) (PRSS3), ARNm	6.82 UP	1.28E-03

ES 2 569 421 T3

5	NM_012081	Homo sapiens factor de elongación, RNA polimerasa U, 2 (ELL2), ARNm	6.75 UP	3.00E- 03
10	AW025556	wu97gIO.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2528034 3, secuencia de ARNm	6.7 UP	2.11E- 03
15	NM_016522	Homo sapiens neurotrimina (HNT), ARNm	6.7 UP	1.84E- 04
20	AK001279	ADNc Homo sapiens FLJ1O417 fis, clon NT2RP1000112	6.68 UP	6.41E- 04
25	NM_020993	Homo sapiens de células B de CLL / linfoma 7A (BCL7A), ARNm	6.6 UP	1.79E- 02
30	NM_032578	Homo sapiens miopalinina (FLJ14437), ARNm	6.55 UP	5.46E- 05
35	NM_024913	Homo sapiens proteína hipotética FLJ21986 (FLJ21 986), ARNm	6.47 UP	9.10E- 04
40	NM_016428	Homo sapiens ABI familia de genes, miembro de 3 (ABI3), ARNm	6.45 UP	1.07E- 02
45	NM_018371	Homo sapiens condroitina betal, 4 N- acetylgalactosam inyltransferase (ChGn), ARNm	6.44 UP	1.75E- 04
50	BM802920	AGENCOURT_6457446 NIH_MGC_88 Homo sapiensADNc clon IMAGE: 5560288 5, secuencia de ARNm	6.37 UP	1.34E- 03
55	NM_1832245	Homo sapiens inversina (INVS), variante de transcripción, ARNm	6.32 UP	6.46E- 05
60	AA908815	og77h08.sl NCI_CGAP_0v8 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1454367 3, secuencia de ARNm	6.31 UP	3.33E- 04
65	BQ021661	UI-H-DH1-axg-p-i4-0-UI.sl NCI_CGAP_DH1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5828605 3, secuencia de ARNm	6.28 UP	4.40E- 04
	NM_017527	Homo sapiens antígeno de linfocitos 6 compleja, locus K (LY6K), ARNm	6.24 UP	1.36E- 02
	NM_175887	Homo sapiens proteína hipotética LOC222171 (LOC222171), ARNm	6.23 UP	1.76E- 04

ES 2 569 421 T3

5	BM929598	IU-E-EJ1-aje-l-10-0-UI.rl UI-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJ 1 -aje-l-1 0-0 5-UI, secuencia de ARNm	6.18 UP	1.44E- 04
10	A1911163	wd24c09.xl Soares_NFL_T_GBC Si Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-2329072 3, Secuencia de ARNm	6.17 UP	9.74E- 03
	AK024653	ADNc Homo sapiens: FLJ21000 fis, clon CAE03359	6.17 UP	2.15E- 04
15	AK124907	Homo sapiens CONA FLJ42917 fis, clon BRH1P3026335	6.15 UP	2.20E- 03
20	NM_001147	Homo sapiens angiopoyetina 2 (ANGPT2), ARNm	6.14 UP	1.24E- 04
25	NM_001124	Homo sapiens adrenomedulina (ADM), ARNm	6.13 UP	1.72E- 04
30	A1733665	an3lgO4.x5 Gessler Wilms tumor Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1700310 3, Secuencia de ARNm	6.11 UP	5.78E- 05
	NM_017655	Homo sapiens proteína de dominio PDZ GIPC2 (gPC2), ARNm	6.09 UP	1.81E- 04
35	NM_003405	Homo sapiens tirosina 3-monooxigenasa / triptófano 5-monooxigenasa proteína de activación, polipéptido eta (YWHAH), ARNm	5.96 UP	5.04E- 03
40	NM_000441	Homo sapiens soluto transportista familia 26, miembro 4(SLC2GA4), ARNm	5.95 UP	2.72E- 02
45	BX648323	ARNm de Homo sapiens; UP ADNc DKFZp686K1O163 (a partir del clon DKFZp686K10163)	5.93 UP	1.86E- 03
	AW29175	UI-H-B12-AGV-h-04-0-UI.s1 NCI_CGAPSub4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2725855 3, secuencia de ARNm	5.93 UP	5.03E- 03
50				
55	NM_001546	Homo sapiens inhibidor de la unión al ADN 4, dominante negativo de proteína hélice-bucle-hélice (1D4), ARNm	5.9 UP	2.39E- 03
60	NM_152996	Homo sapiens sialiltransferasa 7 ((alfa-N-acetilneuraminil-2,3-beta-galactosil-1 3) -N acetil galactosaminida alfa-2,6sialiltransferase) C (SIAT7C), ARNm	5.88 UP	5.92E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	BM556191	AGENCOURT_6544282 NIH_MGC_88 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5550173 5, secuencia ARNm	5.8 UP	7.12E-03
10	NM_021242	Homo sapiens interacción de proteínas MID1 (gastrulación específica similar a G12 (pez cebra) (MID1IP1), ARNm	5.75 UP	3.63E-03
15	B1868709	603392040F1 NIH_MGC_90 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 5402337 5, Secuencia de ARNm	5.69 UP	3.11E-03
20	BM713114	UI-E-EJO-ahi-a-13-0-UI.rl ul-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO-ahi-a-1 3-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.68 UP	1.54E-03
25	AL049443	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp586N2O2O (a partir del clon DKFZp586N2O2O)	5.68 UP	4.15E-04
30	NM_005905	Homo sapiens SMAD, madres contra DPP homólogo 9 (Drosophila) (SMAD9), ARNm	5.65 Up	6.72E-04
35	NM_006828	Homo sapiens señal de activación cointegrator 1 complejo subunidad 3 (ASCC3), ARNm	5.63 UP	6.59E-03
40	NM_006350	Homo sapiens follistatina (FST), variante de transcripción FST317, ARNm	5.62 UP	9.70E-05
45	R22189	yh26a02.sl Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 130826 3, secuencia de ARNm	5.62 UP	1.08E-04
50	NM_020226	Homo sapiens PR dominio que contiene 8 (PRDM8), ARNm	5.57 UP	3.04E-02
55	R01937	ye85h04.sl Soares bazo hígado fetal 1NFLS Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-124567 3 similar a GB: L13923 fibrillin 1 PRECURSOR (HUMAN);, secuencia de ARNm	5.56 UP	1.87E-03
60	BM724062	UI-E-SO1-aiy-a-22 -0-UI.rl IU-F-EQ 1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-SO1-aiy-a-22-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.52 UP	2.40E-02

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_080671	Homo sapiens canal de voltaje de potasio, familiares relacionados con Isk, miembro 4 (KCNE4), ARNm	5.51 UP	1.35E- 02
10	AL558097	AL558097 Homo sapiens CÉLULAS T (JURKAT Línea celular) COT 10 normalizada Homo sapiens clon de ADNc CSODJOO2YD14 5-PRIME, secuencia de ARNm	5.5 UP	2.82E- 02
15	A1090760	qa65e08.xl Soares_fetal_heart_NbHH 19W Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-1691654 3, secuencia de ARNm	5.49 UP	7.59E- 03
20	NM_030756	Homo sapiens factor de transcripción 7-al igual que 2 (1-celular, inhibidores de la HMG-box específico) (TCF7L2), ARNm	5.48 UP	4.57E- 04
25				
30	AL832916	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp76210915 (del clon DKFZp76210915)	5.47 UP	1.84E- 04
35	NM_001870	Homo sapiens carboxipeptidasa A3 (mastocitos) (CPA3), ARNm	5.46 UP	6.04E- 04
40	BM998303	IU-H-DT1-awc-h-03-0-UI.sl NCICGAPDT1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5887538 3, secuencia de ARNm	5.45 UP	2.71E- 04
45	NM_004298	Homo sapiens nucleoporin I55kDa (NUP155), variante de transcripción 2, ARNm	5.45 UP	4.65E- 02
50	NM_138970	Homo sapiens neurexin 3 (NRXN3), variante de transcripción beta, ARNm	5.44 UP	1.15E- 04
55	NM_005654	Homo sapiens subfamilia de receptores nucleares 2, el grupo F, miembro 1 (NR2F1), ARNm	5.43 UP	1.74E- 04
60	NM_012388	Homo sapiens pallidina homólogo (ratón) (PLON), ARNm	5.38 UP	1.17E- 02
65	NM_033284	Homo sapiens (TBL1Y) ligada a transducina (beta) similar a 1Y, variante de transcripción 1, ARNm	5.38 UP	4.42E- 02

ES 2 569 421 T3

5	AK097648	ADNc Homo sapiens FLJ40329 fis, clon TEST12031418, débilmente similares a la TRYPSIN I-P1 PRECURSOR (EC 3.4.21.4)	5.38 UP	1.83E-04
10	AK124563	ADNc Homo sapiens FLJ42572 fis, clon BRACE3008092	5.35 UP	4.57E-04
15	NM_002185	Homo sapiens receptor de interleucina 7 (IL7R), ARNm	5.31 UP	8.90E-04
20	BU661543	c173d12.zl Hembasa; Las células precursoras de eritroides (LCB: biblioteca cl) Homo sapiens clon de ADNc	5.27 UP	6.26E-04
25	AK092371	cl73d12 5, secuencia de ARNm ADNc Homo sapiens FLJ35052 fis, clon 0CBBF2018234, muy similares a la guanina PROTEÍNA DE UNIÓN NUCLEOTIDICA G (I) / G (S) / G (O) GAMMA-2 subunidad (G GAMMA-I)	5.26 UP	4.82E-03
30				
35	NM_033554	Homo sapiens mayor de histocompatibilidad compleja, clase II, OP alfa 1 (HLA-DPA1), ARNm	5.24 UP	5.25E-04
40	NM_153014	Homo sapiens proteína hipotética FLJ30634 (FLJ30634), ARNm	5.23 UP	2.64E-02
45	AA455071	aaO4dO3.sl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 812261 3, ARNm	5.21 UP	7.36E-04
50	NM_005630	Homo sapiens secuencia de portador de soluto de aniones orgánicos transportador de familia, miembro 2A1 (SLCO2A1), ARNm	5.2 UP	1.46E-04
55	NM_002619	Homo sapiens factor plaquetario 4 (quimiocina (C-X-C con motivos) ligando 4) (PF4), ARNm	5.19 UP	3.64E-04
60	AA232643	Clon de ADNc IMAGE-0.666570 5, Secuencia de ARNm	5.17 UP	1.91E-04
65	NM_005398	Homo sapiens proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) subunidad 3C (PPP1 IRK), ARNm	5.14 UP	1.29E-04

ES 2 569 421 T3

5	CA843592	ir49c12.xl HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6548544 3, secuencia de ARNm	5.13 UP	1.89E- 04
10	BM677978 NM_016196	UI-E-EJO-aig-o-17-0-UI.sl IU-E-EJO clon Homo sapiens ADNc IU-E-EJO-AIG-o-1 7-0 3-UI , secuencia de ARNm Homo sapiens ARN proteína de unión al motivo 19 (RBM19), ARNm	5.11 UP 5.1 UP	3.39E- 03 1.84E- 04
15	BX105152 NM_006329	Soares_testis NHT Homo sapiens BX105152 ADNclon IMAGp998J212575; IMAGE: 1031156, Secuencia de ARNm Homo sapiens fibulina 5 (FBLN5), ARNm	5.1 UP 5.06 UP	3.96E- 05 1.18E- 03
20	NM_001765	Homo sapiens antígeno CD1c, polipéptido c (CD1c), ARNm	5.06 UP	1.54E- 04
25	NM_022768	Homo sapiens ARN motivo de unión a proteínas 15 (RBM15), ARNm	5.06 UP	2.82E- 04
30	N49730 AK124856	yz06a12.sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 282238 3 similar a Alu contiene elemento repetitivo; contiene el elemento repetitivo PTR5 elemento ; , secuencia de ARNm ADNc Homo sapiens FLJ42866 fis, clon BRH1P2020622	5.03 UP 5.02 UP	9.95E- 05 1.25E- 03
35	NM_001008	Homo sapiens proteína ribosomal S4, Y-1 ligada Y (RPS4Y1), ARNm	456.26 Abajo	7.09E- 06
40	NM_138963	Homo sapiens proteína ribosomal S4, Y-2 ligado (RPS4Y2), ARNm	423.01 Abajo	1.53E- 06
45	NM_022454	Homo sapiens SPY (región determinante del sexo Y) - cuadro 17 (SOX17), ARNm	404.8 Abajo	3.71E- 06
50	BG219729	RST39494 Athersys RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	264.66 Abajo	2.05E- 06
55	H70730	H70730 yu69eIO.rl Weizmann olfativa del epitelio Homo sapiens ADNc clon IMAGE-0.239082 5, secuencia de ARNm	256.95 Abajo	1.53E- 06
60	NM_004653	Homo sapiens SMCY homólogo, Y-vinculada (ratón) (SMCY), ARNm	252.16 Abajo	7.51 E-07
65	AB032980	Homo sapiens ARNm de la proteína KIAAi 154, cds parcial	227.36 Abajo	4.39E- 05

ES 2 569 421 T3

5	A1765021	wh56c02.xl NCI_CGAP_KId1 1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2384738 3, Secuencia de ARNm	212.62 Abajo	1.69E- 05
10	NM_012307	Homo sapiens proteína de membrana de los eritrocitos banda de 4.1-similar a 3 (EPB41L3), ARNm	192.31 Abajo	2.12E- 06
15	NM_004660	Homo sapiens DEAD caja (Asp-Glu-Ala-Asp) polipéptido 3, Y- ligado (DDX3Y), ARNm	184.34 Abajo	1.69E- 05
20	NM_013230	Homo sapiens antígeno CD24 (pulmón de células pequeñas clúster carcinoma 4 antígeno) (CD24), ARNm	171.2 Abajo	3.78E- 07
25	NM_184087	Homo sapiens tripartito motivo que contienen 55 (TRIM55), variante de transcripción 4, ARNm	166.79 Abajo	7.27E- 06
30	AK023631	ADNc Homo sapiens FLJ13569 fis, clon PLACE 1008369	163.75 Abajo	2.77E- 07
35	BX102632	BX102632 NC_CGAP Co3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998J052307; IMAGE: 928228, secuencia de ARNm	157.63 Abajo	1.88E- 06
40	NM_006228	Homo sapiens prepronociceptina (PNOC), ARNm	144.89 Abajo	2.50E- 05
45	NM-018658	Homo sapiens de potasio hacia el interior rectificar canal, subfamilia J, miembro 16 (KCNJ16), variante de transcripción 1, ARNm	139.61 Abajo	4.43E- 05
50	NM_003411	Homo sapiens proteína con dedos de zinc Y-vinculada (ZFY), ARNm	130.35 Abajo	2.77E- 07
55	NM_007038	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasas (reprolisina tipo) con trombospondina tipo 1 con motivos, 5 (aggrecanasa 2) (ADAMTS5), ARNm	126.24 Abajo	7.83E- 05
60	NM_184087	Homo sapiens tripartito motivo que contienen 55 (TRIM55), variante de transcripción 4, ARNm	112.25 Abajo	1.92E- 05
65	NM_003385	Homo sapiens visinina tipo 1 (VSNL1), ARNm	105.15 Abajo	2.05E- 06
	NM_153634	Homo sapiens copina VIII (CPNE8), ARNm	101.79 Abajo	9.53E- 06
	NM_000927	Homo sapiens ATP-vinculada cassette, subfamilia B (MDRITAP), miembro 1 (ABCB1), ARNm	94.49 Abajo	5.20E- 05

ES 2 569 421 T3

5	BG197054	RST16291 Homo sapiens Atersis Biblioteca RAGE ADNc, secuencia de ARNm	92.27 Abajo	2.05E- 06
10	NM_0046417	Homo sapiens transmembrana 4 superfamilia, miembro (TM4SF4), ARNm	69.46 Abajo	5.88E- 05
15	NM_000990	Homo sapiens proteína ribosomal L27a (RPL27A), ARNm	63.45 Abajo	2.03E- 04
20	NM_014893	Homo sapiens neuroiligina 4, Y-vinculado (NLGN4Y), ARNm	59.4 Abajo	2.05E- 06
25	A1249696	qj64a03.xi NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1864204 3, Secuencia de ARNm	58.18 Abajo	1.92E- 05
	AK092245	ADNc Homo sapiens FLJ34926 fis, clon NT2RP700331 9, muy similar a Mus musculus ARNm neuralina	57.12 Abajo	2.50E- 05
30	AI335277	tb29h06.xi NCI_CGAP Kid12 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2055803 3, Secuencia de ARNm	56.89 Abajo	1.80E- 05
	NM_016356	Homo sapiens dominio doble cortina que contiene 2 (DCDC2), ARNm	49.57 Abajo	3.24E- 05
35	NM_138966	Homo sapiens neuropilina (PNR) y Toloide (TLL) -similar a 1 (Neto1), transcripción variante 3, ARNm	48.88 Abajo	1.41E- 04
40	NM_024422	Homo sapiens desmocolina 2 (DSC2), variante de transcripción Dsc2a, ARNm	48.6 Abajo	1.60E- 05
45	NM_031862	Homo sapiens componente de la membrana, cromosoma 17, marcador de superficie 2 (antígeno de ovario carcinoma de CAL 25) (MI 7S2), variante de transcripción 3, ARNm	45.75 Abajo	5.31E- 05
50	BF431030	7o18c06.xi NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-3574283 3, ARNm	45.24 Abajo	2.90E- 05
55	NM_004496	Homo sapiens caja de cabeza de horquilla AI (FOXA1), ARNm	44.97 Abajo	2.77E- 07
60	NM_020873	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina neuronal 1 (LRRN1), ARNm	42.8 Abajo	3.33E- 05
65	BF512544	UI-H-BW1-amf-c-08-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub7 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3069687 3, secuencia de ARNm	42.38 Abajo	3.24E- 05

ES 2 569 421 T3

5	CA416106	IU-H-FEO-BBS-f-1 7-O-UI.sl NCI CGAPFEO ADNc Homo sapiens clon UI-H-FEO-BBS-f-17-0-UI 3, secuencia de ARNm	41.22 Abajo	5.15E- 05
10	A1244954	qj93h05.xl NCI_CGAPKid3 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 867065I 3, Secuencia de ARNm	40.95 Abajo	9.53E- 06
15	BF798098	RC1-010045-CI0045-02I000-021-102 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	40.6 Abajo	6.53E- 05
20	NM_002423	Homo sapiens metaloproteinasas de matriz 7 (matrilisina, uterina) (MMP7), ARNm	39.36 Abajo	9.07E- 05
25	BU680661	UI-CF-DU1-aaz-f-04-0-UI.sl UI-CF-DU1 Homo sapiens clon de ADNc de UI-CF-DU1-aaz-f-04-0-UI 3, secuencia de ARNm	37.22 Abajo	6.19E- 05
30	AL080103	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp564N2216 (a partir del clon DKFZp564N2216)	37.11 Abajo	1.50E- 05
35	NM_025074	Homo sapiens síndrome de Fraser 1 (FRAS1), variante de transcripción 1, ARNm	36.19 Abajo	7.09E- 06
40	NM_004681	Homo sapiens iniciación de la traducción eucariótica factor de 1A, Y-vinculado (EIF1AY), ARNm	36.04 Abajo	1.84E- 04
45	AK096481	ADNc Homo sapiens FLJ39162 Os, clon OCBBF2002376	35.96 Abajo	4.87E- 05
50	NM_018168	Homo sapiens cromosoma 14 marco de lectura abierto 105 (CI4orf105), ARNm	34.11 Abajo	3.52E- 05
55	NM_005329	Homo sapiens hialuronano sintasa 3 (HAS3), variante de transcripción 1, ARNm	33.86 Abajo	2.25E- 06
60	NM_002527	Homo sapiens neurotrofina 3 (Ntf3), ARNm	32.19 Abajo	1.31E- 05
65	NM_001935	Homo sapiens dipeptidil peptidasa 4 (CD26, adenosina desaminasa complejante proteína 2) (DPP-4), ARNm	31.89 Abajo	1.66E- 04
65	NM_004932	Homo sapiens cadherina 6, tipo 2, K-cadherina (riñón fetal) (CDH6), ARNm	30.7 Abajo	2.59E- 05

ES 2 569 421 T3

5	BX648643	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686O17106 (a partir del clon DKFZp686O17106)	30.56 Abajo	7.09E- 06
10	NM_032576	Homo sapiens cromosoma Y marco de lectura abierto 15B (CYorf15B), ARNm	30.49 Abajo	2.05E- 06
15	NM_002276	Homo sapiens queratina 19 (KRT19), ARNm	29.34 Abajo	2.84E- 04
20	NM_152487	Homo sapiens proteína hipotética FLJ31842 (FLJ31842), ARNm	28.96 Abajo	2.08E- 04
25	NM_207446	Homo sapiens gen hipotético apoyo AK075564; BC060873 (LOC400451), ARNm	28.29 Abajo	9.53E- 06
30	NM_020349	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 2 (muscular sensible al estiramiento) (ANKRD2), ARNm	27.27 Abajo	1.17E- 05
35	NM_012198	Homo sapiens grancalcina, calcio mano EF proteína de unión (GCA), ARNm	27.06 Abajo	7.97E- 04
40	AK056882	ADNc Homo sapiens FLJ32320 fis, clon PR0ST2003537	26.58 Abajo	1.63E- 04
45	NM_019000	Homo sapiens proteína hipotética de 52 FLJ201 (FLJ20152), ARNm	25.35 Abajo	6.39E- 05
50	BG436244	602508665F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4605617 5, Secuencia de ARNm	25.2 Abajo	7.09E- 06
55	AA738254	nxl3bO2.sl NCI_CGAP GC3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1255947 3, secuencia de ARNm	25.16 Abajo	9.53E- 06
60	NM_002521	Homo sapiens precursor del péptido natriurético B (NPPB), ARNm	24.93 Abajo	8.66E- 04
65	NM_000104	Homo sapiens citocromo P450, familia 1, subfamilia B, polipéptido 1 (CYP1B1), ARNm	24.83 Abajo	3.50E- 05
	NM_016946	Homo sapiens F11 receptor (F11R), transcripción variante 1, ARNm	24.8 Abajo	4.83E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_016946	Homo sapiens FI1 receptor (F11R), transcripción variante 1, ARNm	24.38 Abajo	2.77E-05
10	NM_080743	Homo sapiens serina-arginina proteína represora (35 kDa) (SRrp35), ARNm	23.93 Abajo	1.02E-05
15	NM_175056	Homo sapiens proteína hipotética LOC131368 (LOC131368), ARNm	23.5 Abajo	4.93E-05
20	NM_000557	Homo sapiens factor de diferenciación de crecimiento 5 transcripción (derivado de cartílago proteína morfogenética-1) (GDF5), ARNm	23.37 Abajo	8.14E-05
	NM_004221	Homo sapiens de células asesinas naturales 4 (NK4), ARNm	23.12 Abajo	4.24E-04
25	BE431041	nab3lgo2.xi Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3267627 3, secuencia de ARNm	22.5 Abajo	4.93E-05
30				
	NM_178470	Homo sapiens WD repetición de dominio 40B (WDR40B), ARNm	21.85 Abajo	4.54E-05
35	A1651524	wbO6gO7.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2304924 3, Secuencia de ARNm	21.78 Abajo	4.59E-05
40	CB047092	NISC_g108f03.xl NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3253013 3, secuencia de ARNm	21.63 Abajo	5.93E-06
45				
	AA449137	zxO3dl2.rl Soares_total_fetus_Nb2HF8_9w ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 785399 5, secuencia de ARNm	21.62 Abajo	2.08E-04
50				
	H89053	yw24c06.rl Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-253162 5, Secuencia de ARNm	21.41 Abajo	4.16E-03
55				
	BX509117	DKFZp686CO928Or1 686 (sinónimo: hlcc3) Homo sapiens clon de ADNc DKFZp686CO9280 5, secuencia de ARNm	20.95 Abajo	2.31E-05
60				
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_000582	Homo sapiens fosfoproteína secretada 1 (osteopontina, sialoproteína ósea I, principios 1-la activación de linfocitos 1) (SPP1), ARNm	20.66 Abajo	6.44E-03
10	AK124873	ADNc Homo sapiens FLJ42883 nosotros, clon BRH1P3006683	20.37 Abajo	4.83E-05
	AK000075	ADNc Homo sapiens FLJ20068 fis, clon COL01755	20.18 Abajo	5.17E-04
15	NM_032471	Homo sapiens proteína quinasa (cAMP dependiente, catalítico) beta inhibidor (PKIB), la variante de transcripción 3, ARNm	20.17 Abajo	5.05E-04
20				
	AK095776	ADNc Homo sapiens FLJ38457 fis, clon FEBRA2020400	19.57 Abajo	1.69E-05
25	NM_182920	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 motivo, 9 (ADAMTS9) variante de transcripción 1, ARNm	19.13 Abajo	9.32E-05
30				
	NM_002273	Homo sapiens queratina 8 (KRT8), ARNm	18.92 Abajo	2.49E-05
35	NM_002246	Homo sapiens canal de potasio, K subfamilia, miembro de 3 (KCNK3), ARNm	18.9 Abajo	1.35E-05
40	NM_024726	Homo sapiens QI motivos que contienen MA con dominio (BOA), ARNm	18.77 Abajo	5.32E-04
45	AF055376	Homo sapiens forma corta factor de transcripción C-MAF (c-maf) ARNm, cds completos	18.38 Abajo	1.54E-03
50	AB033048	Homo sapiens ARNm de la proteína KIAA1222, cds parcial	18.16 Abajo	7.70E-05
	AW511222	hd44dl 1 xl Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 291 2373 3 similares al elemento Alu contiene ;, secuencia de ARNm	17.66 Abajo	7.79E-04
55	NM_004165	Homo sapiens repetitivo relacionadas con ras asociadas con diabetes (DARL), ARNm	17.32 Abajo	3.10E-04
60	NM_005202	Homo sapiens colágeno, tipo VIII, alfa 2 (COL8A2), ARNm	17.22 Abajo	1.48E-04

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_002515	Homo sapiens neuro-oncológica ventral antígeno 1 (Nova1), variante de transcripción 1, ARNm	17.01 Abajo	4.66E-06
10	NM_005130	Homo sapiens factor de crecimiento de fibroblastos vinculante proteína 1 (FGFBP1), ARNm	16.84 Abajo	9.53E-06
15	AK098071	ADNc Homo sapiens FLJ40752 nosotros, clon TRACH2000972	16.57 Abajo	1.90E-04
20	AK024238	ADNc Homo sapiens FLJi4I76fis, clon NT2RP2003101	16.33 Abajo	1.60E-05
25	R99527 NM_021102	yq79bll.sl Soares bazo hígado fetal 1NFLS Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 201981 3, Secuencia de ARNm Homo sapiens inhibidor de serina proteasa, Kunitz tipo, 2 (SPINT2), ARNm	16.15 Abajo 15.87 Abajo	7.97E-06 4.35E-05
30	B0003401	UI-H-Eli -azd-j-23-0-Uisl NCI_CGAP_E11 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5847286 3, secuencia de ARNm	15.77 Abajo	2.50E-04
35	BC035656	Homo sapiens proteína hipotética LOC285835, ARNm (ADNcclon IMAGE -.5588650), cds parcial	15.49 Abajo	1.53E-06
40	T56535 NM-152864	yb33g07.ri Stratagene bazo fetal (# 937205) Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 73020 5, Secuencia de ARNm Homo sapiens cromosoma 20 de marco de lectura abierto 58 (C20orf58), ARNm	15.46 Abajo 15.18 Abajo	3.03E-05 1.00E-03
45	NM_001448	Homo sapiens Glipicano 4 (GPC4), ARNm	15.04 Abajo	2.32E-04
50	NM_139161	Homo sapiens migas homólogo 3 (Drosophila) (CRB3), variante de transcripción 2, ARNm	14.99 Abajo	1.08E-04
55	BQ924832	AGENCOURT_8840265 Lupski_sciatic_nerve ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6205036 5, secuencia de ARNm	14.93 Abajo	1.30E-05
60	NM_016276	Homo sapiens suero / glucocorticoides regula quinasa 2 (SGK2), variante de transcripción 2, ARNm	14.91 Abajo	2.20E-05
65	CA437861	UI-H-DHO-aur-k-12-0-UI.sl NCI_CGAP_DHO ADNc Homo sapiens clon UI-H-DHO-aur-k-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	14.78 Abajo	9.11E-05

ES 2 569 421 T3

5	H89526 NM_000519	yw28b04.rl Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNcclon IMAGE: 253519 5, Secuencia de ARNm UI-H-FLI-bgt-n-07-0-UI.si NCI_CGAP_FL1ADNc Homo sapiens clon UI-H-FL1-BGT-n-07-0-1-11 3, secuencia de ARNm	14.74 Abajo	3.24E- 05
10	NM_000519	Homo sapiens hemoglobina, delta (HBD), ARNm	14.61 Abajo	1.34E- 05
15	NM_020962	Homo sapiens probable ortholog de ratón vecino de Punc E11 (NOPE), ARNm	14.48 Abajo	6.78E- 05
20	NM_004862	Homo sapiens lipopolisacárido inducido por TNF de los factores (LITAF), ARNm	14.37 Abajo	3.22E- 04
25	NM_002837	Homo sapiens proteína tirosina fosfatasa, tipo de receptor, B (PTPRB), ARNm	14.3 Abajo	1.61E- 05
30	NM_024831,	Homo sapiens familia con similitud de secuencia miembro de C (FAM31C), ARNm	14.27 Abajo	3.50E- 05
35	AF269162	Homo sapiens orf7c21 forma B ARNm, cds completo	14.09 Abajo	1.28E- 04
40	NM_003385	Homo sapiens visinina tipo 1 (VSNL1), ARNm	14.08 Abajo	1.92E- 05
45	BC041412	Homo sapiens choque térmico 12A proteína 70kDa, ARNm (ADNcclon IMAGE: 5285193), cds parcial	14.04 Abajo	2.40E- 04
50	AI493349	tg7OfO4.xl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens ADNcclon IMAGE: 2114143 3, Secuencia de ARNm	13.92 Abajo	1.43E- 05
55	BE295468	601174523F1 NIH_MGC 17 Homo sapiens ADNcclon IMAGE: 3529924 5, secuencia ARNm	13.86 Abajo	9.65E- 04
60	NM_014936	Homo sapiens ectonucleótido pirofosfatasa / phosphodiesterase 4 (función putativo) (ENPP4), ARNm	13.83 Abajo	6.53E- 05
65	NM_207517	Homo sapiens similar a ADAMTS-3 (ADAMTSL3), ARNm	13.79 Abajo	3.05E- 05
	NM_025245	Homo sapiens pre-leucemia de células B de factor de transcripción 4 (PBX4), ARNm	13.77 Abajo	2.73E- 04

ES 2 569 421 T3

	NM_173508	Homo sapiens soluto transportista familia 35, miembro de F3 (SLC35F3), ARNm	13.69 Abajo	3.06E-05
5	NM_0025378	Homo sapiens p21 (CDKN1A), activado por la quinasa (PAK3), ARNm	13.61 Abajo	1.46E-04
10	NM_016588	Homo sapiens Neuritina 1 (NRN1), ARNm	13.56 Abajo	6.51E-05
	NM_198389	Homo sapiens tipo I de pulmón de células a la membrana glicoproteína asociada (Ti A-2), variante de transcripción 2, ARNm	13.52 Abajo	6.51E-05
15	NM_173505	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 29 (ANKRD29), ARNm	13.38 Abajo	5.46E-05
20	NM_152573	Homo sapiens RAS y EF dominio mano que contiene (RASEF), ARNm	13.3 Abajo	4.40E-04
25	NM_020130	Homo sapiens cromosoma 8 de marco de lectura abierto 4 (C8or14), ARNm	13.11 Abajo	5.06E-04
30	N63415	yy60dO4.sl Homo sapiens Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP clon de ADNcIMAGE-277927 3 similar a contiene L1.b3 L1 elemento repetitivo, Secuencia de ARNm	13.03 Abajo	4.99E-04
35				
40	BX648207	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686E16168 (a partir del clon DKFZp686E16168)	12.84 Abajo	3.91E-04
	NM_178012	Homo sapiens tubulina, polipéptido beta paralog (MGC8685), ARNm	12.7 Abajo	2.28E-04
45	NM_152737	Homo sapiens proteína hipotética MGC33993 (MGC33993), ARNm	12.61 Abajo	9.53E-06
50	A1126888	qb95d06.xl Soares_fetal_hearl_NbHH19W ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 1707851 3, secuencia de ARNm	12.43 Abajo	4.50E-05
55	NM_005712	Homo sapiens HERV-H LTR-1 asociado a (HHLA1), ARNm	12.39 Abajo	1.42E-04
60	NM_002515	Homo sapiens neuro-oncológica ventral antígeno 1 (Nova1), variante de transcripción 1, ARNm	12.32 Abajo	2.77E-05
65	H23441	ym52fll.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 51888 3, secuencia de ARNm	12.28 Abajo	3.96E-05

ES 2 569 421 T3

	ALI37698	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp434C1915 (a partir del clon DKFZp434C1 915); cds parcial	12.24 Abajo	5.21E- 05
5				
	AB023211	ARNm de Homo sapiens para la proteína K1AA0994, cds parcial	12.15 Abajo	3.52E- 05
10				
	AL389942	Homo sapiens ARNm de longitud completa de ADNc insertar clon EUROIMAGE 2005635	12.03 Abajo	1.88E- 04
15				
	AL359058	Homo sapiens ARNm de longitud completa de ADNc insertar clon Euroimage 592473	11.96 Abajo	1.92E- 05
20				
	NM_173549	Homo sapiens proteína hipotética FLJ39553 (FLJ39553), ARNm	11.93 Abajo	4.52E- 05
25				
	NM_002031	Homo sapiens quinasa relacionada con fyn (FRK), ARNm	11.64 Abajo	4.39E- 05
30				
	AB011095	Homo sapiens ARNm de la proteína KIAA0523, cds parcial	11.59 Abajo	2.43E- 05
35				
	NM_178033	Homo sapiens citocromo P450, la familia 4, subfamilia X, polipéptido 1 (CYP4X1), ARNm	11.58 Abajo	7.70E- 05
40				
	NM_003383	Homo sapiens lipoproteínas de muy baja densidad receptor (VLDLR), ARNm	11.43 Abajo	1.30E- 04
45				
	AK125490	ADNc Homo sapiens FLJ43501 nosotros, clon PEBLM2004497	11.25 Abajo	5.37E- 04
50				
	NM_004982	Homo sapiens de potasio hacia el interior de rectificación de canal, homeobox subfamilia J, miembro 8 (KCNJ8), ARNm	11 Abajo	5.37E- 05
55				
	NM_016307	Homo sapiens emparejado relacionado 2 (PRRX2), ARNm	10.96 Abajo	9.84E- 04
60				
	NM_019644	Homo sapiens repetición de anquirina dominio 7 (ANKRD7), ARNm	10.92 Abajo	1.08E- 04
65				
	AL834140	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp434A2029 (a partir del clon DKFZp434A2029)	10.85 Abajo	3.86E- 04
70				
	NM_020944	Homo sapiens glucosidasa, beta (ácidos biliares) 2 (GBA2), ARNm	10.85 Abajo	3.37E- 04
75				
	CN478597	UI-CF-FNO-aeo-g-21-0-UI.sI UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-FNO-aeo-g-21-0-UI 3 , secuencia de ARNm	10.84 Abajo	3.83E- 05

ES 2 569 421 T3

5	AW603401	RCO-CN0025-01 0200-012-do1 CN0025 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	10.78 Abajo	6.72E- 04
10	NM_000076	Homo sapiens quinasa dependiente de ciclina inhibidor 1C (p57, Kip2) (CDKN1C), ARNm	10.73 Abajo	1.42E- 04
15	AI355761	qt94all.xl NCI_CGAP_Co14 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-1962908 3 similar a gb:X74929 queratina, TIPO II citoesqueleto 8 (HUMANO) ;, secuencia de ARNm	10.63 Abajo	1.08E- 04
20	AW172903	xjOSeO4.xl NCI_CGAP_Ut2 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2656350 3, Secuencia de ARNm	10.58 Abajo	9.44E- 05
20	AB041269	Homo sapiens ARNm de queratina 19, cds parcial, aislado: K19-141	10.55 Abajo	1.35E- 03
25	BC042028	Homo sapiens, clon IMAGE: 4794726, ARNm	10.53 Abajo	2.71E- 02
30	NM_030949	Homo sapiens proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) 14C subunidad (PPP1R14C), ARNm	10.51 Abajo	2.17E- 04
35	BX103476	BX103476 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998C053946; IMAGE: 1557436, secuencia de ARNm	10.49 Abajo	4.88E- 02
40	NM_174900	Homo sapiens proteínas dedo de zinc 42 (ZFP42), ARNm	10.38 Abajo	1.88E- 04
40	NM_152768	Homo sapiens proteína hipotética FLJ25378 (FLJ25378), ARNm	10.35 Abajo	8.16E- 04
45	NM_021977	Homo sapiens la familia portador de soluto 22 (transportador de monoamina extraneuronal), miembros 3 (SLC22A3), ARNm	10.27 Abajo	1.97E- 04
50	BF509573	UI-H-B14-APF-b-11-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub8 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3086949 3, secuencia de ARNm	10.23 Abajo	1.43E- 05
55	BX648964	Homo sapiens ARNm; ADNcDKFZp686JO156 (a partir del clon DKFZp686JO1 56)	10.19 Abajo	6.44E- 03
60	NM_002338	Homo sapiens sistema límbico-asociado proteína de membrana (LSAMP), ARNm	10.15 Abajo	7.21E- 05
65	NM_006561	Homo sapiens CUG repetición de triplete, ARN vinculante proteína 2 (CUGBP2), ARNm	10.13 Abajo	1.75E- 03

ES 2 569 421 T3

	AM23319	ADNc Homo sapiens FLJ41 325 fis, clon BRAMY2046871	10.08 Abajo	3.96E- 05
5	NM_004753	Homo sapiens deshidrogenasa / reductasa (DEG familia) miembro 3 (DHRS3), ARNm	9.91 Abajo	1.59E- 03
10	BE788763	601475864F1 NIH_MGC_68 Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 3879014 5 Secuencia de ARNm	9.88 Abajo	3.14E- 04
	NM_030594	Homo sapiens citoplasmática de poliadenilación elemento , unión de proteína 1 (CPEB1), ARNm	9.86 Abajo	1.93E- 03
15	NM_002462	Homo sapiens mixovirus (virus influenza) resistencia 1, proteína inducible por interferón p78 (ratón) (MX1), ARNm	9.8 Abajo	3.75E- 04
	S69208	troponina T [humano, músculo esquelético y cardíaco, ARNm, 932 nt]	9.79 Abajo	1.10E- 03
20	NM_005360	Homo sapiens v-maf músculo-oncogén fibrosarcoma homólogo (aviaria) (MAF)ARNm	9.76 Abajo	9.46E- 04
25	NM_030583	Homo sapiens matrilina 2 (MATN2), variante de transcripción 2, ARNm	9.67 Abajo	1.92E- 05
30	NM_012464	Homo sapiens tolloide tipo 1 (TLL1), el ARNm	9.66 Abajo	1.76E- 02
	NM_004490	Homo sapiens factor de crecimiento de unida al receptor proteína 14 (GRB14), ARNm	9.65 Abajo	8.22E- 04
35				
	NM_015236	Homo sapiens latrophilina 3 (LPHN3), ARNm	9.65 Abajo	3.96E- 05
40	AK024261	ADNc Homo sapiens FLJI4I99 fis, el clon N12RP3002713	9.62 Abajo	1.63E- 04
45	NM_207482	Homo sapiens FLJ44048 proteína (FLJ44048), ARNm	9.49 Abajo	6.53E- 05
	BM969191	UI-CF-ENO-acp-e-22-0-UI.sl UI-CF-ENO Homo sapiens clon de ADNc de UI-CF-ENO-acp-e-22-0-UI 3 , secuencia de ARNm	9.4 Abajo	2.21E- 04
	M60502	ARNm profilagrina humana, 3 fin Homo sapiens factor B, properdina (BF), ARNm	9.34 Abajo	5.78E- 05
50	NM_001710	Homo sapiens factor b, properdina (BF), ARNm	9.32 Abajo	8.70E- 05
55	NM_005114	Homo sapiens heparana sulfato (glucosamina) 3-O-sulfotransferasa 1 (HS3ST1), ARNm	9.3 Abajo	1.05E- 04
60	NM003985	Homo sapiens tirosina quinasa, no receptor, 1 (TNK1), ARNm	9.3 Abajo	1.00E- 04
	NM_001874	Homo sapiens carboxipeptidasa H (CPM), variante de transcripción 1, ARNm	9.24 Abajo	5.54E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

	AJ697972	Homo sapiens cromosoma 3 ADNc	9.15 Abajo	3.55E- 04
5	BM701989	UI-E-CQ1-AEX-j-06-0-UI.ri UI-E-CQ1 Homo sapiens clon de ADNc de UI-E-CQ1 -aex-j-06-0-UI 5, secuencia de ARNm	9.09 Abajo	8.72E- 03
	BX640973	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686B15184 (a partir del clon DKFZp686B15184)	9.09 Abajo	1.29E- 04
10	NM_002313	Homo sapiens proteína de unión actina LIM 1 (ABLIM1), variante de transcripción 1, ARNm	9.05 Abajo	1.23E- 04
15	BX486208	DKFZp686JO725Or1 686 (sinónimo: hlcc3) ADNc Homo sapiens DKFZp686JO7250 clon 5, secuencia de ARNm	8.94 Abajo	9.28E- 04
20	NM_004024	Homo sapiens la activación de factores de transcripción 3 (ATF3), ARNm	8.93 Abajo	9.73E- 04
25	S70348	Homo sapiens integrina beta 3 ARNm, cds parcial, alternativamente empalmados	8.92 Abajo	6.01E- 05
30	NM_198495	Homo sapiens familia CTAGE, miembro 4 hacia (CTAGE4), ARNm	8.89 Abajo	1.28E- 04
35	D86975	Homo sapiens ARNm de gen K1AA0222, cds parcial	8.88 Abajo	3.55E- 04
40	NM_001854	Homo sapiens colágeno, tipo XI, alfa 1 (COL11A1), variante de transcripción A, ARNm	8.87 Abajo	6.78E- 05
45	NM_000212	Homo sapiens integrina beta 3 (plaquetas glicoproteína lila, el antígeno CD61) (ITGB3), ARNm	8.84 Abajo	7.53E- 05
	ALI17578	Homo sapiens ARNm; ADNcDKFZp434C128 (a partir del clon DKFZp434C128)	8.8 Abajo	3.22E- 04
50	NM_198174	Homo sapiens factor de transcripción CP2-similar a 4 (TFCP2L4), variante de transcripción 3, ARNm	8.75 Abajo	8.93E- 05
55	BU727096	UI-E-CRO-ach-e-12-0-UI.sl UI-E-CRO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CRO-ada-e-1 2-0 3-UI, secuencia ARNm	8.71 Abajo	5.91E- 04
60	NM_005949	Homo sapiens metalotioneína 1 F (funcional) (MT1F), ARNm	8.67 Abajo	3.29E- 03
65	BX537613	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686E11117 (a partir del clon 3 DKFZp686E11117)	8.65 Abajo	7.70E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_014358	Homo sapiens de tipo C (dependiente de calcio, dominio de reconocimiento de carbono de hidratos) de la lectina de, miembro de la superfamilia 9 (CLECSF9), ARNm	8.57 Abajo	7.11E- 05
10				
15	NM_000817	Homo sapiens glutamato descarboxilasa 1 (cerebro, 67 kDa) (GAD1), variante de transcripción GAD67, ARNm	8.55 Abajo	2.77E- 05
20	NM_005450	Homo sapiens noggin (NOG), ARNm	8.49 Abajo	2.75E- 03
25	NM_144707	Homo sapiens prominina 2 (PROM2), ARNm	8.49 Abajo	2.72E- 04
25	AK074181	ARNm Homo sapiens para la proteína FLJ00254	8.46 Abajo	7.83E- 05
30	NM_032882	Homo sapiens similar a antígeno paraneoplásico 6A (PNMA6A), ARNm	8.44 Abajo	2.57E- 05
35	NM_004479	Homo sapiens fucosiltransferasa 7 (alfa (1,3) fucosiltransferasa) (Fut7), ARNm	8.39 Abajo	1.73E- 05
40	NM_000856	Homo sapiens ciclasa 1, soluble guanilato, alfa 3 (GUCY1A3), ARNm	8.31 Abajo	1.63E- 04
45	NM_016542	Homo sapiens MST3 y SOK1 -relacionados quinasa (MST4), ARNm	8.26 Abajo	6.03E- 04
50	NM_021044	Homo sapiens desierto homólogo erizo (Drosophila) (DHH), ARNm	8.23 Abajo	6.01E- 04
55	NM_000313	Homo sapiens proteínas S (alfa) (PROS1), ARNm	8.23 Abajo	4.08E- 04
55	NM_000227	Homo sapiens laminina, alfa 3 (Lama3-), variante de transcripción 2, ARNm	8.15 Abajo	2.89E- 05
60	AA010611	ziO9fO9.sl Soares_fetal_liver_spleen_1NFLS_S1 Homo sapiens clon de ADNCIMAGE: 430313 3, secuencia de ARNm	8.13 Abajo	4.99E- 04
60	NM_004433	Homo sapiens E74-similar a factor de 3 (dominio ets factor de transcripción, epitelio-específica) (ELF3), ARNm	8.07 Abajo	6.84E- 05

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_000860	Homo sapiens hidroxiprostaglandina deshidrogenasa 15- (NAD) (HPGD), ARNm	8.02 Abajo	1.49E- 04
	BG208475	RST27977 Athersys RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	8 Abajo	2.90E- 03
10	N75271	yz74h12.ri Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 288839 5, secuencia de ARNm	8 Abajo	3.67E- 03
15				
20	NM_022912	Homo sapiens cromosoma 2 marco de lectura abierto 23 (C2orf23), ARNm	8 Abajo	9.93E- 05
25	AL706653	DKFZp686E1543_ri 686 (sinónimo: hlcc3) ADNc Homo sapiens clon DKFZp686E1543 5, secuencia de ARNm	7.98 Abajo	9.86E- 05
30	AA411988	zt65gl 1.s1 Soares_testis_NHT Homo sapiens ADNclon IMAGE: 727268 3, secuencia de ARNm	7.95 Abajo	9.11E- 05
35	NM_020152	Homo sapiens cromosoma 21 marco de lectura abierto 7 (C21orf17), ARNm	7.95 Abajo	4.35E- 05
40	AK125608	ADNc Homo sapiens FLJ43620 fis, clon SPLEN2O217O1, muy similar a la de HLA de clase I HISTOCOMPATIBILIDAD antígeno, A-2 ALFA CADENA DE PRECURSORES	7.93 Abajo	1.87E- 03
45				
50	CA306881	UI-H-FT 1 -bht-n-22-0-T I.s 1 NCLCGAP_FT1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-FT1-BHT-N-221-0 UI 3, secuencia de ARNm	7.9 Abajo	7.95E- 04
55	A1640484	wa27fOI.xi NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens ADNclon IMAGE: 2299321 3, secuencia de ARNm	7.87 Abajo	3.33E- 04
60	A1819863	wj45h05.xl NCI_CGAP_Lu19 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2405817 3, secuencia de ARNm	7.86 Abajo	5.42E- 05
	AK124702	ADNc Homo sapiens FLJ42712 fis, el clon BRAMY3008O44	7.86 Abajo	2.13E- 04
65	NM_014333	Homo sapiens superfamilia de inmunoglobulinas, miembro 4 (IGSF4), ARNm	7.8 Abajo	5.41E- 03

ES 2 569 421 T3

5	H94320	yv18b10.sl Soares fetal bazo hígado 1NFLS Homo sapiens ADNc clon IMAGE-0.243067 3, Secuencia de ARNm	7.8 Abajo	4.43E- 05
10	NM_022103	Homo sapiens proteínas hipotéticas dedo de zinc FLJ14O11 (FLJ14O11), ARNm	7.77 Abajo	3.50E- 04
	NM_016179	Homo sapiens receptor de potencial transitorio canal catiónico, subfamilia C, 4 miembro (TRPC4), ARNm	7.75 Abajo	6.04E- 04
	AF108093	Homo sapiens gen IA-2, intron 18	7.74 Abajo	1.92E- 05
15	NM_001332	Homo sapiens catenina (asociada a cadherina proteína), delta 2 (proteína relacionada con placofilina neuronal-ARM repetición) (CTNND2), ARNm	7.73 Abajo	5.06E- 04
20				
25	NM_002206	Homo sapiens integrina alfa 7 (ITGA7), ARNm	7.73 Abajo	2.33E- 03
30	BF510493	UI-H-B14-apa-b-08-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3086558 3, secuencia de ARNm	7.68 Abajo	2.89E- 05
35	BU951469	in6OaOS.x3 HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6126249 3, secuencia de ARNm	7.63 Abajo	1.74E- 04
40	AI819186	wj32diO.xl NCI_CGAP_KidI2 Homo sapiens clon de ADNclIMAGE: 2404531 3, secuencia de ARNm	7.62 Abajo	5.86E- 04
45	NM_013259	Homo sapiens transgelin 3 (TAGLN3), variante de transcripción1, el ARNm	7.61 Abajo	3.22E- 04
50	Alf942360	wo8OcOG.xl NCI CGAP Kid11 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-2461642 3, secuencia de ARNm	7.57 Abajo	6.84E- 05
55	BX098521	BX098521 Soares bazo hígado fetal 1NFLS ADNc Homo sapiens MAGp998LO5118 clon IMAGE-123412, Secuencia de ARNm	7.55 Abajo	1.31E- 05
60	NM_152495	Homo sapiens Cornichon homólogo 3 (Drosophila) (CNIH3), ARNm	7.55 Abajo	5.20E- 05
65	NM_018728	Homo sapiens miosina VC (MYO5C), el ARNm	7.54 Abajo	1.30E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_004086	Homo sapiens coagulación factor de C homólogo, Cochlin (Limulus polyphemus) (COCH), ARNm	7.51 Abajo	5.92E-04
10	BM683698	U-E-EJ1-ajh-k-08-0-UI.s1 UI-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc de UI-E-EJ1-ajh-k-080-UI 3, secuencia de ARNm	7.48 Abajo	6.46E-05
15	NM_000593	Homo sapiens transportador 1, de unión a ATP de cassette, subfamilia B (MDRITAP) (TAP1), ARNm	7.47 Abajo	1.05E-04
20	AK094292	ADNc Homo sapiens FLJ36973 fis, clonar BRACE2006249	7.44 Abajo	5.42E-05
25	NM_031442	Homo sapiens transmembrana 4 superfamilia miembro 10 (TM4SF10), ARNm	7.42 Abajo	1.87E-03
30	AK074097	Homo sapiens ARNm para la proteína FLJOO168	7.41 Abajo	4.15E-04
35	NM_005302	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado 37 (endotelina tipo B receptor-like) (GPR37), ARNm	7.33 Abajo	1.15E-03
	NM_018349	Homo sapiens múltiples dominios-02 con dos regiones transmembrana 2 (MCTP2) , ARNm	7.3 Abajo	5.46E-05
40	NM_014399	Homo sapiens transmembrana 4 superfamilia miembro 13 (TM4SF13), ARNm	7.28 Abajo	7.73E-03
45	NM_002899	Homo sapiens proteína de unión a retinol 1, celular (RBP1), ARNm	7.28 Abajo	1.79E-03
50	NM_015441	Homo sapiens olfactomedina similar 2B (OLFML2B), ARNm	7.24 Abajo	5.84E-04
55	NM_206808	Homo sapiens beta similar a citrato liasa (CLYBL), variante de transcripción 2, ARNm	7.22 Abajo	9.35E-05
60	NM_207380	Homo sapiens FLJ43339 proteína (FLJ43339), ARNm	7.19 Abajo	1.69E-03
	NM_000147	Homo sapiens fucosidasa, alfa-L-1, tejido (fucA1), ARNm	7.17 Abajo	4.23E-02
65	NM_002670	Homo sapiens Plastina 1 (1 isoforma) (PLS1), ARNm	7.16 Abajo	2.28E-02

ES 2 569 421 T3

5	NM_000620	Homo sapiens óxido nítrico sintasa 1 (neuronal) (NOS1), ARNm	7.15 Abajo	1.46E- 04
10	NM_018242	Homo sapiens proteína hipotética FLJ10S47 (FLJ10847), ARNm	7.14 Abajo	1.48E- 03
15	N78460 NM_001001430	yz76h06.rl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 289019 5, secuencia de ARNm Homo sapiens troponina T2, cardíacas (TNNT2), variante de transcripción 2, ARNm	7.11 Abajo 7.04 Abajo	2.28E- 02 9.11E- 05
20	NM_003979	Homo sapiens C receptor acoplado a proteína, familia C, grupo 5, el miembro A (GPCR5A), ARNm	6.95 Abajo	4.47E- 05
25	NM_003328	Homo sapiens TXK tirosina quinasa (TXK), ARNm	6.94 Abajo	1.44E- 04
30	AK128715	ADNc Homo sapiens FLJ46882 fis, clon UTERU3015844	6.94 Abajo	3.34E- 03
35	NM_000961	Homo sapiens prostaglandina 12 (prostaciclina) sintasa (PTGIS), ARNm	6.91 Abajo	5.88E- 04
40	NM_052839	Homo sapiens pannexina 2 (PANX2), el ARNm	6.9 Abajo	7.48E- 05
45	AF119903	Homo sapiens PR02834 ARNm, cds completos	6.89 Abajo	2.43E- 05
50	NM_001505	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado 30 (GPR30), ARNm	6.84 Abajo	1.15E- 03
55	AW137116	UI-H-BII-acp-f-03-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub3 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2715029 3, secuencia de ARNm	6.83 Abajo	3.08E- 05
60	NM_052960	Homo sapiens ret unión a proteínas INOL 7, celular (RBP7), ARNm	6.79 Abajo	3.15E- 03
65	NM_003107	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) - cuadro 4 (SOX4), ARNm	6.77 Abajo	3.33E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_004170	Homo sapiens soluto transportista familia 1 (sistema neuronal Xag / epitelial alta afinidad glutamato transportador,), miembro 1 (SLC1A1), ARNm	6.77 Abajo	3.33E-04
10	CB115754	K-59876 ESTO1 L8SCKO ADNc Homo sapiens clon L8SCKO-8-H08 5, secuencia de ARNm	6.75 Abajo	1.69E-05
15	AK026740	ADNc Homo sapiens: FLJ23087 fis, clon LNG06994, muy similar a AF161368 Homo sapiens HSPC1O5 ARNm	6.75 Abajo	1.05E-04
20	NM_002487	Homo sapiens homólogo Necdina (ratón) (NDN), ARNm	6.75 Abajo	6.29E-04
25	M27161	Clase MHC humana I CD8 cadena alfa (Leu 2118) de genes, cds completos	6.73 Abajo	4.96E-03
30	AK025003	ADNc Homo sapiens: FLJ21350 fis, clon de C0L02751	6.7 Abajo	4.15E-04
35	NM_000693	Homo sapiens aldehído deshidrogenasa 1 familia, miembro de A3 (ALDH1A3), ARNm	6.69 Abajo	1.41E-02
40	NM_014900	Homo sapiens COBL tipo 1 (COBLL1), ARNm	6.67 Abajo	1.17E-02
45	BG545305	602572521FI NIH_MGC_77 Homo sapiens BG545305 Edna clon IMAGE: 4700644 5, Secuencia de ARNm	6.66 Abajo	8.24E-04
	NM_014421	Homo sapiens Dickkopf homólogo 2 (Xenopus laevis) (DKK2), ARNm	6.66 Abajo	2.17E-02
50	NM_005139	Homo sapiens anexina A3 (ANXA3), ARNm	6.64 Abajo	2.04E-04
55	BX111520	BX111520 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens ADNc IMAGp998L1 clon de 5208; IMAGE: I41470, secuencia de ARNm	6.64 Abajo	7.70E-05
60	AK090808	ADNc Homo sapiens FLJ33489 fis, clon BRAMY2003585	6.63 Abajo	1.08E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	D62831	HUM33OB1 2B Clontech aorta humana poliA+ ARNm (# 6572) Homo sapiens clon de ADNc GEN-330B12 5, secuencia de ARNm	6.58 Abajo	1.02E-03
10	HI8652	ym45e04.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens ADNclon IMAGE: 50948 3, Secuencia de ARNm	6.57 Abajo	1.00E-03
	B0002165	UI-H-Eli -ayu-m-09-0-UI.sl NCI_CGAP_E11 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5843888 3, secuencia de ARNm	6.56 Abajo	1.26E-04
15				
20	NM_018076	Homo sapiens repetición armadillo que contiene 4 (ARMC4), ARNm	6.54 Abajo	1.72E-04
25	H41942	yo60a08.rl mama Soares 3NbHBst Homo sapiens clon de ADNclIMAGE: 182294 5 contiene similar al elemento repetitivo Alu; contiene LTR9 repetitivo elemento ;, secuencia de ARNm	6.53 Abajo	3.48E-03
	AJ318805	AJ318805 Homo sapiens tejido adiposo hacia sapiens clon de ADNc de 2040, secuencia de ARNm	6.5 Abajo	1.54E-04
30				
	NM_032866	Homo sapiens Cingulina tipo 1 (CGNL1), ARNm	6.46 Abajo	1.84E-03
35	CA434164	UI-H-DHO-arv-a-17-0-UI.sl NCICGAPDHO ADNc Homo sapiens clon UI-H-DHO-arv-a-17-0-UI 3, secuencia de ARNm	6.44 Abajo	2.82E-04
	AW006864	wsl5dO4.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNclIMAGE: 2497255 3, Secuencia de ARNm	6.39 Abajo	2.77E-05
40	NM_014932	Homo sapiens neurologina 1 (NLGN1), ARNm	6.39 Abajo	2.59E-05
	BX538226	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686E1944 (del clon DKFZp686E1944)	6.38 Abajo	1.74E-04
45				
	NM_016651	Homo sapiens homólogo pulcro 1, antagonista de beta-catenina (Xenopus) (DACT1), ARNm	6.38 Abajo	5.05E-04
50				
	NM_015678	Homo sapiens neurobeaquina (NBEA), ARNm	6.34 Abajo	4.17E-03
55				
	NM_022842	Homo sapiens CUB contiene el dominio de la proteína 1 (CDCP1), variante de transcripción 1, ARNm	6.32 Abajo	1.12E-03
60				
	AF130079	Homo sapiens clon FLC0578 PR02852 ARNm, cds completos	6.32 Abajo	1.74E-02
65				
	AL117425	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp566L2O3 (a partir del clon DKFZp566L2O3)	6.29 Abajo	8.54E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_005141	Homo sapiens fibrinógeno, B polipéptido beta (FGB), ARNm	6.28 Abajo	3.43E- 04
	AW590139	hg33d12.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2947415 3, Secuencia de ARNm	6.27 Abajo	1.29E- 04
10	BE968596	601649770F1 NIH_MGC_74 Homo sapiens clon de ADNcIMAGE-0.3933472 5, secuencia de ARNm	6.26 Abajo	6.39E- 05
	AF220263	Homo sapiens MOST2 ARNm, cds completos	6.5 Abajo	1.10E- 03
15	NM_000876	Homo sapiens similar a la insulina factor de crecimiento 2 receptor (IGF2R), ARNm	6.25 Abajo	1.08E- 03
20	NM_006681	Homo sapiens neuromedina U (NMU), ARNm	6.25 Abajo	1.07E- 04
	AK024865	ADNc Homo sapiens: FLJ21 212 fis, clon C0L00502	6.24 Abajo	1.05E- 04
25	NM_024508	dedo de zinc de Homo sapiens, dominio CAMA que contiene 2 (ZBED2), ARNm	6.22 Abajo	8.82E- 04
30	NM_177949	Homo sapiens repetición armadillo que contiene, X vinculado 2 (ARMCX2), ARNm	6.18 Abajo	1.20E- 02
35	NM_001257	Homo sapiens cadherina 13, H-cadherina (corazón) (CDH13), ARNm	6.17 Abajo	8.46E- 03
40	NM_001200	Homo sapiens proteína morfogenética ósea 2 (BMP2), ARNm	6.15 Abajo	3.33E- 04
45	AK125695	ADNc Homo sapiens FLJ43707 nosotros, clon TESOP2001865	6.15 Abajo	6.53E- 05
	BC033567	Homo sapiens, clon IMAGE: 4822266, ARNm	6.14 Abajo	3.14E- 04
50	AB011539	ARNm de Homo sapiens para la proteína MEGF6 (KIAAO81 5), cds parciales	6.14 Abajo	1.49E- 03
55	NM_024697	Homo sapiens proteína hipotética FLJ22419 (FLJ22419), ARNm	6.13 Abajo	2.72E- 04
60	BC040701	Homo sapiens IMAGE clon de ADNc: 5736259, cds parcial	6.13 Abajo	1.89E- 03
65	NM_001889	Homo sapiens cristalina, zeta (quinona reductasa) (CRYZ), ARNm	6.12 Abajo	1.97E- 02

ES 2 569 421 T3

5	BX108092	Soares_testis_NHT Homo sapiens BX108092 ADNclon 1MAGp9981164460; IMAGE:1754967, secuencia de ARNm	6.08 Abajo	1.01E- 04
10	T65315	yc79h02.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 22228 3, Secuencia de ARNm	6.08 Abajo	1.52E- 04
15	BX095811	BX095811 Soares testis NHT Homo sapiens ADNclon 1MAGp998E084494; IMAGE: 1837423, secuencia de ARNm	6.07 Abajo	1.68E- 04
20	NM_012413	Homo sapiens glutaminil-péptido ciclotransferasa (glutaminil ciclasa) (QPCT), ARNm	6.07 Abajo	4.25E- 02
25	A1311296	ta48dIO.x2 NCI_CGAP_Lu25 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2047315 3, Secuencia de ARNm	6.07 Abajo	4.15E- 04
30	NM_138811	Homo sapiens cromosoma 7 marco de lectura abierto 31 (C7orf3), ARNm	6.06 Abajo	1.54E- 04
35	BM988642	UI-H-DHO-arx-p-21-0-UI.sl NCI_CGAP_DH0 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5855492 3, secuencia ARNm	6.05 Abajo	1.28E- 04
40	NM_016613	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp434L142 (DKFZp434L142), ARNm	6.04 Abajo	1.25E- 02
45	W20132	zb4Ocl En Soares_parathyroid_tumor_NbHPAHomo sapiens ADNc clon 306066 IMAGE.-5,secuencia de ARNm	6.01 Abajo	7.83E- 05
50	NM_001785	Homo sapiens citidina deaminasa (CDA), ARNm	6.01 Abajo	1.16E- 04
55	NM_025151	Homo sapiens RAB11 interacción de proteínas de la familia 1 (clase I) (RAB1 1 FIP1), variante de transcripción 1, ARNm	6 Abajo	1.76 E-02
	AF519622	Homo sapiens secuencia de ARNm codificante	5.98 Abajo	1.26E- 04
60	NM_152284	Homo sapiens Snf7 homólogo asociado con Alix 3 (Shax3), ARNm	5.97 Abajo	7.70E- 05
65	D29453	HUMNK566 de queratinocitos epidérmicos humanos Homo sapiens ADNc clon 566, secuencia de ARNm	5.97 Abajo	3.58E- 04

ES 2 569 421 T3

	AI220066	qg84dOI xl Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1841857 3, secuencia de ARNm	5.96 Abajo	9.78E- 04
5				
	AK026235	ADNc Homo sapiens: FLJ22582 fis, clon HS102576	5.94 Abajo	1.10E- 03
10				
	BX102869	BX102869 Soares bazo hígado fetal 1NFLS Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998P17421 IMAGE: 214528, secuencia de ARNm	5.92 Abajo	2.81E- 04
15				
	NM_002354	Homo sapiens señal de calcio asociado a un tumor transductor 1 (TACSTD1), ARNm	5.92 Abajo	6.65E- 04
20				
	CA31309	Ut-CF-FNO-aex-f-01-0-UI.sl UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc de UI-CF-FNO-AEX-f-01-0 5-UI 3, secuencia de ARNm	5.91 Abajo	1.51E- 04
25				
	BX641086	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686G2469 (del clon DKFZp686G2469)	5.9 Abajo	1.07E- 04
30				
	AK021493	ADNc Homo sapiens FLJ11431 fis, clon HEMBA1001094	5.88 Abajo	2.79E- 04
35				
	NM_152369	Homo sapiens proteína hipotética MGC45474 (MGC45474), ARNm	5.87 Abajo	4.40E- 04
40				
	L07615	Receptor humano neuropéptido V Vi (NPYY1) ARNm, el exón 2-3 y cds completos	5.87 Abajo	3.91E- 04
	BX503694	DKFZp686MO2112_sl 686 (sinónimo: hlcc3) Homo sapiens clon de ADNc DKFZp686MO21 12 3, secuencia de ARNm	5.84 Abajo	2.17E- 04
45				
	NM_021101	Homo sapiens claudina 1 (CLDN1), ARNm	5.82 Abajo	1.24E- 04
50				
	NM_005737	Homo sapiens similar al factor de ADP-ribosilación 7 (ARL7), ARNm	5.8 Abajo	3.58E- 04
55				
	NM_005264	Homo sapiens GDNF receptor de la familia de alfa 1 (GFRA1), variante de transcripción 1, ARNm	5.8 Abajo	4.54E- 05
60				
	AB020640	ARNm de Homo sapiens para la proteína K1AA0833, cds parcial	5.79 Abajo	7.11E- 05
65				
	AK022598	ADNc Homo sapiens FLJ12536 fis, clon NT2RM4000265	5.78 Abajo	2.20E- 04

ES 2 569 421 T3

	NM_173660	Homo sapiens proteína hipotética FLJ33718 (FLJ33718), ARNm	5.76 Abajo	2.95E- 04
5	NM_052923	Homo sapiens proteína con dedo de zinc 452 (ZNF452), ARNm	5.71 Abajo	3.90E- 03
	NM_000797	Homo sapiens receptor de dopamina D4 (DRD4), ARNm	5.71 Abajo	4.44E- 03
10	NM_014917	Homo sapiens netrina G1 (NTNG1), ARNm	5.7 Abajo	2.50E- 04
15	NM_053039	Homo sapiens UDP familia glicosiltransferasa 2, B28 polipéptido (UGT2B28), ARNm	5.7 Abajo	9.11E- 05
20	NM_006266	Homo sapiens ral nucleótido guanina estimulador de disociación (RalGDS), ARNm	5.68 Abajo	9.21E- 03
25	NM_003264	Homo sapiens receptor similar a toll 2 (TLR2), ARNm	5.67 Abajo	1.51E- 04
	AA017035	ze37cIO.sl Soares retina N2b4HR Homo sapiens ADNclon IMAGE: 361170 3 similar a contiene Alu elemento repetitivo; contiene el elemento MER37 elemento repetitivo; secuencia de ARNm	5.66 Abajo	1.17E- 04
30	NM_005901	Homo sapiens SMAD, madres contra DPP homólogo 2 (Drosophila) (SMAD2), variante de transcripción 1, ARNm	5.65 Abajo	3.84E- 02
35				
	NM_000576	Homo sapiens interleucina 1, beta (IL1B), ARNm	5.64 Abajo	6.69E- 05
40	NM_013322	Homo sapiens clasificación nexina 10 (SNX1O), ARNm	5.63 Abajo	4.81E- 04
	AJ406941	Homo sapiens ARNm parcial para la queratina proteína asociada 4,9 (gen KRTAP4.9)	5.62 Abajo	5.80E- 05
45				
	NM_001562	Homo sapiens interleucina 18 (interferón-factor de inducción de gamma) (IL18), ARNm	5.61 Abajo	5.82E- 03
50				
	NM_173567	Homo sapiens abhidrolasa dominio que contiene 7 (ABHD7), ARNm	5.59 Abajo	1.18E- 04
55	F36108	HSPD33448 HM3 ADNc Homo sapiens clonar sH4-000003-1/E09, secuencia de ARNm	5.57 Abajo	7.05E- 04
60	NM_145804	Homo sapiens repetición de anquirina y BTB (POZ) dominio que contiene 2 (ABTB2), ARNm	5.56 Abajo	1.76E- 03
	B0002466	UI-H-EI1-ayw-k-24-0-UI.sl NCI_CGAP_EI1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5844623 3, secuencia de ARNm	5.56 Abajo	1.46E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_173662	Homo sapiens proteína hipotética LOC285533 (LOC285533), ARNm	5.56 Abajo	3.01E- 04
10	NM_000129	Homo sapiens factor de coagulación XIII, AI polipéptido (F13AI), ARNm	5.53 Abajo	1.05E- 04
15	NM_000584	Homo sapiens interleucina 8 (1L8), ARNm	5.51 Abajo	1.82E- 03
20	BM664445	UI-E-CL1-AFA-p-05-0-UI.s1 UI-E-CL1 Homo sapiens clon de ADNc de UI-E-CL1-AFA-p-05-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.5 Abajo	6.13E- 04
25	NM_006863	Homo sapiens leucocitos similar a receptor de inmunoglobulina, de la subfamilia A (con dominio TM), miembro de 1 (LILRA1), ARNm	5.48 Abajo	3.09E- 03
30	NM_006722	Homo sapiens microftalmia asociada a factor de transcripción (MITF), variante de transcripción 3, ARNm	5.46 Abajo	5.71E- 03
	BC033124	Homo sapiens, clon IMAGE: 2960615, ARNm	5.46 Abajo	3.64E- 04
35	NM_014978	Homo sapiens dominio VPS10 relacionados sortilina que contiene el receptor 3 (SORCS3), ARNm	5,46 Abajo	1.26E- 04
40	AF007143	Homo sapiens clon 23738 secuencia de ARNm	5.46 Abajo	2.05E- 04
45	NM_001089	Homo sapiens cassette vinculador de ATP, subfamilia A (ABC1), miembro 3 (ABCA3), ARNm	5.46 Abajo	4.75E- 05
50	NM_004524	Homo sapiens gigante letal larvas de homólogos 2 (Drosophila) (LLGL2), ARNm	5.46 Abajo	2.73E- 04
55	AW591461	xl92h06.xl NCI_CGAP_Ut1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2682203 3, Secuencia de ARNm	5.45 Abajo	1.29E- 04
60	NM_007072	Homo sapiens HERV-H LTR-2 asociado a (HHLA2), ARNm	5.45 Abajo	1.18E- 03
65	NM_181718	Homo sapiens proteína hipotética LOC253982 (LOC253982), ARNm	5.44 Abajo	6.64E- 03

ES 2 569 421 T3

5	A1559193	tq42hOI xl NCI_CGAP_Ut1 Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 2211505 3, secuencia de ARNm	5.44 Abajo	2.64E- 03
10	BF058471	7k31b04.xl NCI_CGAP_0v18 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3477054 3 similar a contiene elemento MER17 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	5.43 Abajo	4.72E- 03
15	AK130181	ADNc Homo sapiens FLJ26671 fis, clon MPG03325	5.42 Abajo	4.50E- 05
20	NM_178039	Homo sapiens proteínas que interactúan Rab6-2 (ELKS), variante de transcripción delta, ARNm	5.41 Abajo	9.73E- 04
25	NM_019025	Homo sapiens espermina oxidasa (SMOX), variante de transcripción 5, ARNm	5.4 Abajo	1.11E- 02
30	BX108809	BX108809 Soares bazo hígado fetal 1NFLS ADNc Homo sapiens clon IMAGp998LO5373; IMAGE: 195988, secuencia de ARNm	5.4 Abajo	4.43E- 02
35	NM_019607	Homo sapiens proteína hipotética FLJ11267 (FLJ11267), ARNm	5.4 Abajo	1.76E- 02
40	NM_001343	Homo sapiens discapacitados de homólogos, 2, mitógeno fosfoproteína sensible (Drosophila) (DAB2), ARNm	5.39 Abajo	3.11E- 03
45	NM_000087	Homo sapiens nucleótidos cíclicos cerrada canal alfa 1 (CNGA1), ARNm	5.34 Abajo	6.52E- 04
50	NM_031894	Homo sapiens ferritina, pesado polipéptido similar 17 (FTHL17), ARNm	5.34 Abajo	4.47E- 03
55	NM_031419	Homo sapiens factor nuclear kappa luz promotor de gen del polipéptido en las células B inhibidor, zeta (NFKBIZ), variante de transcripción 1, ARNm	5.33 Abajo	7.27E- 03
60				
65	BG199496	RST18780 Atersis RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	5.3 Abajo	4.14E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_001958	Homo sapiens elongación de la traducción eucariótica factor I Alfa 2 (EEF1A2), ARNm	5.29 Abajo	1.97E- 04
10	NM_0018278	Homo sapiens ácido retinoico celular de unión a proteína (CRABP2), ARNm	5.29 Abajo	5.17E- 04
15	AW014126	UI-H-blo-AAJ-a-05-O-UI.sl NCI_CGAP_Subl ADNc Homo sapiens IMAGE clon 2709393 3, secuencia de ARNm	5.29 Abajo	9.98E- 04
20	NM_006072	Homo sapiens quimiocina (motivo C-C) ligando 26 (CCL26), ARNm	5.28 Abajo	5.45E- 03
25	X70287	H.sapiens de genes para la tioredoxina, los exones 2 y 3	5.27 Abajo	2.75E- 02
30	NM_014867	Homo sapiens KIAAO71 producto 1 gen (KIAAO711), ARNm	5.27 Abajo	1.44E- 03
35	BX100098	BX100098 Soares_pregnant_uterus_NbHPU Homo sapiens ADNc clon IMAGp998CO21198; IMAGE: 502201, secuencia de ARNm	5.26 Abajo	2.59E- 04
40	AK055334	ADNc Homo sapiens FLJ30772 fis, clon FEBRA2000757, moderadamente similar al Homo sapiens BM-009 de ARNm	5.24 Abajo	8.92E- 04
45	BU567804	AGENCOURT_10398872 NIH_MGC_82 Homo sapiens ADNclon IMAGE: 6614502 5, secuencia de ARNm	5.24 Abajo	2.28E- 02
50	NM_006332	Homo sapiens interferón, gamma-inducible proteína 30 (1F130), ARNm	5.24 Abajo	1.75E- 03
55	BF111903	7138d07.xl Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-0.3523644 3, Secuencia de ARNm	5.23 Abajo	4.43E- 05
60	NM_006727	Homo sapiens cadherina 10, tipo 2 (T2 cadherina) (CDH10), ARNm	5.2 Abajo	1.84E- 04
65	NM_003810	Homo sapiens factor de necrosis tumoral (ligando) superfamilia, miembro 10 (TNFSF10), ARNm	5.19 Abajo	2.91E- 03

ES 2 569 421 T3

5	AK127421	ADNc Homo sapiens FLJ45513fis, clon BRTHA2021450	5.18 Abajo	8.00E- 05
10	NM_024897	Homo sapiens progestina y el receptor de adipoQ miembro de la familia VI (PAQR6), variante de transcripción 1, ARNm	5.18 Abajo	2.69E- 05
15	BU729783	UI-E-CK1-afh-h-18-0-UI.sl UI-E-CK1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CK1 -afh-h-1 8-0 3-UI, secuencia de ARNm	5.17 Abajo	1.52E- 04
20	BX107838	BX107838 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens ADNc clon IMAGp998A1 53853; IMAGE: 1521686, secuencia de ARNm	5.16 Abajo	4.26E- 04
25	NM_004335	Homo sapiens médula ósea células del estroma antígeno 2 (BST2), ARNm	5.16 Abajo	7.11E- 05
30	AK021637	ADNc Homo sapiens FLJ1 1575 fis, clon HEMBA1003531	5.15 Abajo	6.53E- 05
35	NM_0148190	Homo sapiens regulados a la baja en el cáncer de ovario (DOD), variante de transcripción 2, ARNm	5.15 Abajo	9.70E- 05
40	NM_003597	Homo sapiens TGFB inducible crecimiento temprano respuesta 2 (TIEG2), ARNm	5.14 Abajo	1.19E- 03
45	AI684824	wa86a12.xl Soares_NFL_T_GBC Si Homo sapiens clon de ADNc (MAGE: 2303038 3, Secuencia de ARNm	5.13 Abajo	9.14E- 04
	NM_002522	Homo sapiens pentraxina neuronal I (NPTX1), ARNm	5.12 Abajo	1.52E- 03
50	NM_002250	Homo sapiens potasio intermedia / pequeña conductancia de los canales de calcio activados, subfamilia N, miembro 4 (KCNN4), ARNm	5.12 Abajo	1.28E- 04
	NM_001305	Homo sapiens claudina 4 (CLDN4), ARNm	5.11 Abajo	3.26E- 03
55	BC015108	Homo sapiens, similar a otoconina 90, clon IMAGE-4044247, ARNm	5.1 Abajo	2.17E- 04
60	N51335	yzl5eO8.sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens IMAGE clon 283142 3, secuencia de ARNm	5.1 Abajo	2.89E- 05
	NM_001002295	Homo sapiens GATA proteína de unión 3 (GATA3), variante de transcripción 1, ARNm	5.06 Abajo	3.85E- 03

65

5	NM_013281	Homo sapiens fibronectina ricos en leucina proteína transmembrana 3 (FLRT3), transcripción variante 1, ARNm	5.05 Abajo	5.04E-03
10	A1623139	tu89b07.xl NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2258197 3, secuencia de ARNm	5.04 Abajo	4.25E-03
15	NM_022168	Homo sapiens interferón helicasa inducida con C dominio 1 (IFIH1), ARNm	5.04 Abajo	2.48E-03
20	BC051727	Homo sapiens IMAGE clon de ADNc: 5265929, cds parcial	5.02 Abajo	5.42E-04

25 **TABLA VII F: GENES QUE FUERON EXPRESADOS DIFERENCIALMENTE AL MENOS 5 VECES EN AF-1 FRENTE A LAS CÉLULAS AF-III**

30	Identificador gen	de	Nombre de gen	Cambio de pliegue medio en células de fibroblasto versus AF	Dirección	P-valor adj.
35	NM_080872		Homo sapiens UNC-5 homólogo D (C. elegans) (UNC5D), ARNm			331.21 UP 5.22E-06
40	NM_000090		Homo sapiens colágeno, tipo III, alfa 1 (síndrome de Ehlers-Danlos tipo IV, autosómica dominante) (COL3A1), ARNm			310.82 UP 3.56E-06
45	NM_138961		Homo sapiens adhesión celular endotelial molécula (ESAM), ARNm			262 UP 6.27E-06
50	AK021531		ADNc Homo sapiens FLJ11469 fis, clon HEMBA1001658			205.55 UP 3.10E-06
55	NM_000474		Homo sapiens giro homólogo 1 de (acrocefalosindactilia 3; síndrome Saethre-Chotzen) (Drosophila) (TWIST1), ARNm			116.12 UP 2.29E-05
60	BX089554		BX089554 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens ADNc clon IMAGp998PO72IO; 4 IMAGE: 142326, secuencia de ARNm			97.02 UP 3.10E-06
65	NM_018013		Homo sapiens proteína hipotética FLJ1O159 (FLJ1O159), ARNm			88.82 UP 3.10E-06

ES 2 569 421 T3

5	NM_182798	Homo sapiens proteína hipotética FLJ39155 (FLJ39155), variante de transcripción 2, ARNm	86.73 UP	3.10E-06
	NM_052954	Homo sapiens cisteína y la tirosina-rica 1 (CYR1), ARNm	85.9 UP	3.10E-06
	NM_000867	Homo sapiens 5-hidroxitriptamina (serotonina) receptor 2B (HTR2B), ARNm	74.02 UP	3.19E-06
10				
	NM_014178	Homo sapiens proteínas syntaxina vinculante 6 (amisyn) (STXBP6), ARNm	71.46 UP	8.25E-06
15				
	U83115	humana beta no lente de gamma-cristalina similar a proteínas (AIM1) ARNm, cds parcial	66.41 UP	8.66E-06
20				
	CA429135	UI-H-FH1-bfh-k-22-0-UI.sl NCI_CGAP_FH1 ADNc clon Homo sapiens UI-H-FH1-BFH-k-22-0-UI 3, secuencia de ARNm	66.03 UP	2.19E-06
25				
	BQ003501	UI-H-E11-azd-p-06-0-UI.sl NCI_CGAP_H1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE.-5847413 3, secuencia ARNm	54.48 UP	1.35E-05
30				
	BX105152	BX105152 Soares_testis_NHT Homo sapiens ADNclon 1MAGp998J212575; IMAGE: 1031156, secuencia de ARNm	50.41 UP	5.63E-06
35				
	NM_006393	Homo sapiens nebulette (NEBL), variante de transcripción 1, el ARNm	50.35 UP	1.43E-05
40				
	NM_001432	Homo sapiens epirregulina (EREG), ARNm	49.79 UP	6.21E-06
45				
	A124557	am58g02.xl Johnston corteza frontal Homo Sapiens clon de ADNc IMAGE: 1539794 3, secuencia de ARNm	45.53 UP	3.19E-06
50				
	NM_018286	Homo sapiens proteína hipotética FLJ10970 (FLJ10970), ARNm	44.54 UP	1.84E-05
55				
	A1962169	wq45clO.xi NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2474226 3, Secuencia de ARNm	44.13 UP	3.20E-05
60	NM_003381	Homo sapiens péptido intestinal vasoactivo (VIP), variante de transcripción 1, ARNm	42.63 UP	1.22E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_018371	Homo sapiens condroitina betal, 4 N-acetilgalactosaminiltransferasa (ChGn), ARNm	42.53 UP	2.67E-05
10	NM_181481	Homo sapiens cromosoma 18 marco de lectura abierto 1 (Cl8orf1), variante de transcripción I, ARNm	41.33 UP	6.27E-06
15	BQ025821	UI-1-BB1p-aye-f-10-0-UI.si NCI_CGAP_P16 ADNc Homo sapiens clon de UI-1-BB1p-aye-f-10-0-UI 3, secuencia de ARNm	39.96 UP	3.10E-06
20	NM_152754	Homo sapiens sema dominio de inmunoglobulina dominio (LG), base de dominio corto, secretada, (semaforina) 3D (SEMA3D), ARNm	37.45 UP	3.17E-05
25				
30	NM_002928	Homo sapiens regulador de la proteína G de señalización 16 (Rgs16), ARNm	36.89 UP	2.02E-05
35	H85497	yv88b07.ri Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-249781 5, Secuencia de ARNm	35.37 UP	8.96E-05
	BF515657	UI-H-BW1-anu-e-05-0-UI.si NCICGAP_Sub7 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 3083601 3, secuencia de ARNm	34.85 UP	5.22E-06
40				
45	BE465760	hw22f09.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3183689 3, Secuencia de ARNm	34.39 UP	1.39E-05
50	AK027128	ADNc Homo sapiens: FLJ23475 fis, clon HS113659	33.21 UP	4.37E-06
	BC040678	Homo sapiens, clon IMAGE: 4817707, ARNm	32.1 UP	3.37E-05
55	NM_001864	Homo sapiens citocromo c oxidasa subunidad VIIa polipéptido 1 (músculo) (COX7A1), ARNm	30.71 UP	1.69E-05
60	AK096708	ADNc Homo sapiens FLJ39389 fis, clon PLACE6003621	28.39 UP	8.85E-06
65	NM_005308	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado a quinasa 5 (GRK5), ARNm	27.96 UP	1.34E-05

ES 2 569 421 T3

5	CF137545	UI-HF-BNO-ane-d-05-0-UI.rl NIH_MGC50 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3092384 5, secuencia ARNm	27.55 UP	2.39E-05
10	NM_053281	Homo sapiens dachshund homólogo 2 (Drosophila) (DACH2), ARNm	25.26 UP	5.22E-05
15	NM_005595	Homo sapiens factor nuclear de I/A (NFIA), ARNm	23.76 UP	2.51E-05
20	BM685124	UI-E-EJ1-ajl-l-13-0-UI.s1 UI-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc de UI-E-EJ1-ajl-l-13-0 3-UI, secuencia de ARNm	23.64 UP	1.16E-05
25	NM_004411	Homo sapiens dineína, citoplasmática, polipéptido intermedio 1 (DNC11), ARNm	23.55 UP	4.37E-06
30	NM_032918	Homo sapiens similar a RAS, regulados por estrógenos, inhibidor del crecimiento (RERG), ARNm	23 UP	3.96E-06
35	NM_020997	Homo sapiens izquierda-derecha factor de determinación 1 (Lefty1), ARNm	22.48 UP	9.37E-06
40	N33310	yy39g10sl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 273666 3, Secuencia de ARNm	22.37 UP	1.57E-05
	BM713465	UI-E-EJO-aho-m-22-0-UI.rl UI-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO-aho-m-22-0-UI 5, secuencia 5 ARNm	21.7 UP	8.98E-06
45	AK095053	ADNc Homo sapiens FLJ37734 fis, clon BRH1P2020842	21.49 UP	2.37E-05
50	BC016722	Homo sapiens IMAGE clon de ADNc: 4075924, cds parcial	20.91 UP	7.23E-04
55	AW445209	UI-H-1313-akc-g-11-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub5 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2733908 secuencia 3, ARNm	20.04 UP	6.27E-06
60	AI032876	ow13g03.xl Soares_parathyroid_tumor_NbHPA ADNc clon Homo sapiens IMAGE 1646740 3, secuencia de ARNm	19.56 UP	2.18E-05

65

ES 2 569 421 T3

5	BG389328	602413981FI NIH_MGC_92 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4522269 5, Secuencia de ARNm	18.94 UP	9.37E-06
10	NM_153355	Homo sapiens linfoma de células T punto de ruptura asociado a la diana 1 (TCBA1), ARNm	18.74 UP	5.63E-06
15	BX089554	BX089554 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998P07210 IMAGE: 142326, secuencia de ARNm	18.36 UP	1.12E-06
20	NM_002518	Homo sapiens proteína de dominio PAS neuronal 2 (NPAS2), ARNm	17.94 UP	2.19E-06
25	A1342246	qt26g09.xi Soares_pregnant_uterus_NbHPU ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 1949152 3, secuencia de ARNm	17.68 UP	8.37E-06
30	NM_170744	Homo sapiens UNC-5 homólogo B (C. elegans) (Unc5B), ARNm	17.32 UP	1.99E-05
35	A1951740	wv38h09.xi NCI_CGAP_Ovi8 Homo sapiens ADNclon IMAGE: 2531873 3, Secuencia de ARNm	17.24 UP	8.84E-05
35	NM_005110	Homo sapiens glutamina-fructosa-6-fosfato transaminasa 2 (GFPT2), ARNm	16.65 UP	8.86E-06
40	NM_015564	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina transmembrana neuronal 2 (LRRTM2), ARNm	16.45 UP	2.72E-05
45	BC043411	Homo sapiens, clon IMAGE: 6155889, ARNm	16.38 UP	3.10E-06
45	NM_153183	Homo sapiens nudix (nucleósido difosfato fracción unida a X) con motivos de tipo 10 (NUDT10), ARNm	16.25 UP	1.45E-05
45	NM_005320	Homo sapiens histona 1, H1d (HIST1H1D), ARNm	16.24 UP	4.43E-04
50	W93585	zd95g01.sl Soares_fetal_heart_NbHH19W Homo sapiens clon de ADNclIMAGE:357264 3, Secuencia de ARNm	16.22 UP	1.39E-05
50	NM_002771	Homo sapiens proteasa, serina, 3 (mesotripsina) (PRSS3), ARNm	16.15 UP	3.20E-05
55	NM_013387	Homo sapiens ubiquinol citocromo c-complejo reductasa (7,2 kD) (HSPCO51), variante de transcripción 1, ARNm	16.09 UP	3.10E-06
60	NM_001853	Homo sapiens colágeno, tipo IX, alfa 3 (COL9A3), ARNm	15.86 UP	4.01E-05
65	NM_014802	Homo sapiens KIAAO528 producto génico (KIAAO528), ARNm	15.81 UP	5.11E-05

ES 2 569 421 T3

5	AF216077	Homo sapiens clon HB-2 secuencia de ARNm	15.64 UP	2.71E- 05
	AI686652	tu35d06.xl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-2253035 3, secuencia de ARNm	15.12 UP	5.07E- 06
10	AI086279	oz4OhOI.sl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-1677841 3, secuencia de ARNm	14.96 UP	2.47E- 05
15				
20	NM_001146	Homo sapiens angiopoyetina 1 (ANGPT1), variante de transcripción 1, ARNm	14.38 UP	1.29E- 05
	NM_021643	Homo sapiens tribbles homólogo 2 (Drosophila) (Trib2), ARNm	14.32 UP	6.48E- 06
25	NM_020927	Homo sapiens KIAA1 proteína 576 (KIAA1 576), ARNm	14.14 UP	1.61E- 05
	W69644	zd45110.rl Soares_fetal_heartNbHHI9W Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 343627 5, secuencia de ARNm	14.01 UP	1.22E- 05
30	NM_012204	Homo sapiens factor de transcripción general de IIC, polipéptido, 90kDa (GTF3C4), ARNm	13.95 UP	1.41E- 05
	BM663928	UI-E-CII-afw-p-01-0-UI.sl UI-E-CII Homo sapiens clon de ADNc de UI-E-CI1-afw-p-01-0-UI 3, secuencia de ARNm	13.53 UP	8.04E- 05
35				
40	BM724062	UI-E-E01-aiy-a-22-0-UI.rl ul-E-E01 Homo sapiens clon de ADNc de UI-E-E01-aiy-a-22-0-UI 5, secuencia ARNm	13.51 UP	3.19E- 06
45	H51050	yp84ell.sl bazo Soares hígado fetal 1NFLSHomo sapiens ADNc clon IMAGE: 194156 3,secuencia de ARNm	13.39 UP	1.94E- 05
50				
55	BX111353	BX111353 NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens ADNcclon 1MAGp9980094576; IMAGE: 1869152, secuencia de ARNm	13.38 UP	3.92E- 05
60	NM_054027	Homo sapiens anquilosis, homólogo progresiva(ratón) (Ankh), ARNm	13.27 UP	3.33E- 05
65	NM_152550	Homo sapiens dominio SH3 que contiene un dedo anular 2 (SH3RF2), ARNm	13.06 UP	2.23E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_033082	Homo sapiens citoquinas inducida por la proteína de 29 kDa (CIP29), ARNm	12.87 UP	5.63E-06
10	AA232643	zr47elO.rl Soares NhHMPu Si Homo sapiens ADNclon IMAGE: 666570 5, secuencia de ARNm	12.47 UP	6.41E-05
15	BX103846	BX103846 NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998F125811 IMAGE: 2342027, secuencia de ARNm	12.4 UP	1.39E-05
20	NM_016140	Homo sapiens proteína específica del cerebro (CGI-38), ARNm	12.26 UP	2.71E-05
25	AW043793	wy76dll.xl Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2554485 3 similar a elemento contiene MER18 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	12.04 UP	6.21E-06
30	NM_020226	Homo sapiens dominio PR que contiene 8 (PRDM8), ARNm	12.01 UP	5.32E-06
35	BX113590	BX113590 Soares_fetal_heart_NbHH19W Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998A14871 IMAGE: 376597, secuencia de ARNm	11.97 UP	3.09E-05
40	AK127644	ADNc Homo sapiens FLJ45742 fis, clon K1DNE2016327	11.91 UP	7.34E-05
45	BC046364	Homo sapiens flavoproteínas MICAL3 oxidoreductasa, ARNm (ADNc clon IMAGE: 57371 21), con intrón retenido aparente	11.88 UP	1.87E-05
50	AI821210	neO8eO5.y5 NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 880640 5, secuencia de ARNm	11.79 UP	4.15E-03
55	AK128288	ADNc Homo sapiens FLJ46426 fis, clon THYMU3013897	11.76 UP	2.88E-04
60	NM_033641	Homo sapiens colágeno, tipo IV, alfa 6 (COL4A6), variante de la transcripción B, el ARNm	11.56 UP	2.05E-05

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_004460	Homo sapiens proteína de activación de fibroblastos, alfa (FAP), ARNm	11.54 UP	1.40E-05
10	A1792426	2.y5 qe47al Soares_fetal_lung_NbHL1 9W Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1742110 5 que contiene similares MER22.b3 MER18 repetitivo elemento ;, secuencia de ARNm	11.41 UP	1.33E-03
15	NM_018374	Homo sapiens proteína hipotética GRIPE 1273 (FLJ11273), ARNm	11.23 UP	3.24E-04
20	BM802920	Agencourt_6457446 NIH_MGC_88 Homo sapiens ADNcclon IMAGE: 5560288 5, secuencia de ARNm	11.11 UP	8.59E-05
25	AA043255	zk49f07.sl Soares_pregnant_uterus_NbHPU ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 486181 3, secuencia de ARNm	11.1 UP	2.64E-05
30				
35	NM_001847	Homo sapiens colágeno tipo IV, alfa 6 (COL4A6), variante de transcripción A, ARNm	10.98 UP	9.89E-06
40	AK124778	ADNc Homo sapiens FLJ42788 fis, clon BRAWH3007129	10.95 UP	9.27E-05
45	AK130306	ADNc Homo sapiens FLJ26796 nosotros, clon PRS05079	10.86 UP	1.02E-04
50	AK023739	ADNc Homo sapiens FLJ13677 fis, clon PLACE1011982	10.83 UP	6.24E-05
55	AL832624	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp451BO818 (a partir del clon DKFZp451BO818)	10.8 UP	5.63E-06
60	BC014344	Homo sapiens, similar a arilacetamida deacetilasa, clon IMAGE 3934567, ARNm	10.68 UP	2.37E-05
65	NM_000955	Homo sapiens receptor E de la prostaglandina 1 (subtipo EP1), 42kDa (PTGER1), ARNm	10.66 UP	1.14E-05
	CD001963	C24B1 resta cóclea biblioteca de ADNc Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	10.47 UP	7.71E-06

ES 2 569 421 T3

5	NM_032261	Homo sapiens cromosoma 21 marco de lectura abierto fotograma 56 (C21orf56), ARNm	10.42 UP	4.73E- 06
	BC036004	Homo sapiens, IMAGE clon: 4730399, ARNm	10.3 UP	3.06E- 05
10	NM_006408	Homo sapiens anterior gradiente de 2 homólogo (Xenopus laevis) (AGR2), ARNm	10.28 UP	4.23E- 05
15	AB037805	Homo sapiens ARNm de la proteína KIAA1384, cds parcial	10.24 UP	8.03E- 05
20	BF964783	602268030F1 NIH_MGC_81 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 4356.246 5, secuencia de ARNm	10.02 UP	1.41E- 05
25	NM_000963	Homo sapiens prostaglandina-endoperoxido sintasa 2 (prostaglandina G / H sintasa y ciclooxigenasa) (PTGS2), ARNm	9.91 UP	5.63E- 06
30	AK092541	ADNc Homo sapiens FLJ35222 nosotros, clon PR0ST2000835	9.88 UP	4.65E- 02
35	NM_007361	Homo sapiens nidogen 2 (osteonidogen) (NID2), ARNm	9.68 UP	5.30E- 06
40	NM_0132231	Homo sapiens fibronectina ricos en leucina proteína transmembrana (FLRT2), ARNm	9.58 UP	1.43E- 05
45	NM_002667	Homo sapiens fosfolamban (PLN), ARNm	9.55 UP	9.83E- 04
	AF414442	Homo sapiens tumor relacionado con cáncer de ovario marcador CA125ARNm, cds completos	9.51 UP	1.11E- 03
50	AK125453	ADNc Homo sapiens FLJ43464 fis, clonOCBBF2036225	9.48 UP	1.15E- 02
55	W38393	zb15c07.rl Soares_fetal_lung_NbHL19W Homo sapiens ADNclon IMAGE: 302124 5, secuencia de ARNm	9.39 UP	5.52E- 05
60	NM_152775	Homo sapiens proteína hipotética MGC33607 (MGC33607), ARNm	9.29 UP	2.35E- 05
65	AK09173	ADNc Homo sapiens FLJ34412 fis, clon HEART2002432	9.07 UP	2.06E- 05

ES 2 569 421 T3

5	AK025909	ADNc Homo sapiens: nos FLJ22256, clon HRC02860	9.05 UP	4.45E- 05
10	D62676	HUM313C12B Clontech aorta humana poliA+ ARNm (#6572) Homo sapiens clon de ADNc, GEN-313C12 5, secuencia de ARNm	9.02 UP	1.38E- 03
15	AK129955	ADNc Homo sapiens FLJ26445 fis, clon KDN02608	8.98 UP	8.52E- 05
20	R22189	yh26a02.sl Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 130826 3, secuencia de ARNm	8.94 UP	2.29E05
25	AW963062	EST375135 resequenes IMAGE, magh Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	8.9 UP	1.76E- 04
30	AW044502	wx22g05.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2544440 3, Secuencia de ARNm	8.89 UP	1.35E- 05
35	NM_014222	Homo sapiens NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 1 subcomplejo alfa, 8, 19kDa (NDUFA8), gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm	8.88 UP	4.45E- 05
40	AK124562	ADNc Homo sapiens FLJ42571 fis, clon BRACE3008036	8.82 UP	8.86E- 06
45	NM_002261	Homo sapiens células asesinas receptor de lectina subfamilia C, 3 miembro (KLRC3), variante de transcripción NKG2-E, ARNm	8.75 UP	9.45E- 05
50	BC012900	Homo sapiens, clon IMAGE: 3881549, ARNm	8.71 UP	1.61E- 04
55	R53688	yg84h04.r1 Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 40175 5, Secuencia de ARNm	8.49 UP	1.74E- 05
60	AL13311	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp586NO121 (a partir del clon DKFZp586N01 21) receptor similar a lectina	8.47 UP	6.83E- 05
65	NM_002260	Homo sapiens células asesinas subfamilia C, miembro 2 (KLRC2), ARNm	8.44 UP	1.61E- 04

ES 2 569 421 T3

5	NM_002421	Homo sapiens matriz metaloproteinas 1 (colagenasa intersticial) (MMP1), ARNm	8.34 UP	5.17E- 04
10	NM_005328	Homo sapiens hialuronano sintasa 2 (HAS2), ARNm	8.18 UP	2.35E- 04
15	NM_152423	Homo sapiens melanoma antígeno asociado (mutado) 1 tipo 1 (MUM1L1), ARNm	8.12 UP	6.31E- 05
20	NM_004848	Homo sapiens cromosoma 1 marco de lectura abierto 38 (C1orf38), ARNm	8.05 UP	5.83E- 05
25	NM_006617	Homo sapiens nestina (NES), ARNm	8.01 UP	8.50E- 06
30	C02345	HUMGS0007544 Adulto humano (K.Okubo) ADNc Homo sapiens, secuencia de ARNm	8 UP	3.09E- 05
35	NM_000900	Homo sapiens matriz de proteínas Gla (MGP), ARNm	7.97 UP	3.88E- 05
40	N54656	yz08hO5.r1 Soares_multiple_sclerosis 2NbHMSP Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 282489 5, Secuencia de ARNm	7.97 UP	4.17E- 05
45	AK095726	ADNc Homo sapiens FLJ38407 fis, clon FEBRA2008859	7.97 UP	1.84E- 05
50	BC027461	Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-2984900, que contiene errores de cambio de marco	7.95 UP	2.18E- 04
55	AK096061	ADNc Homo sapiens FLJ38742 fis, clon KIDNE2012009	7.91 UP	1.32E- 05
60	NM_001001931	Homo sapiens supresor de tumores mitocondrial 1 (MTUS1), proteína mitocondrial codificador de genes nucleares, variante de transcripción 4, ARNm	7.84 UP	1.22E- 05
65	NM_133504	Homo sapiens decorina (DCN), variante de transcripción B, ARNm	7.82 UP	6.70E- 06
70	NM_018427	Homo sapiens RRN3 ARN polimerasa 1 de factor de transcripción homólogo (levadura) (RRN3), ARNm	7.76 UP	1.39E- 05
75	NM_006528	BM998303	7.73 UP	3.10E- 06

ES 2 569 421 T3

5	CN371168	17000600077294 GRN_PREHEP Homo sapiens ADNc 5, secuencia de ARNm	7.63 UP	1.83E-05
10	A1911957 NM_058187	wd78b0l.xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2337673 3, Secuencia de ARNm Homo sapiens cromosoma 21 marco de lectura abierto 63 (C21orf63), ARNm	7.61 UP 7.59 UP	1.82E-05 9.08E-05
15	NM_004235	Homo sapiens Kruppel similar a factor de 4 (intestino) (KLF4), ARNm	7.52 UP	1.43E-05
20	AL832916	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp762IO915 (a partir del clon DKFZp762IO91 5)	7.51 UP	6.70E-06
25	BG118019	602351269F1 NIHMG_C_90 Homo sapiens ADNcclon IMAGE: 4446065 5, secuencia de ARNm	7.49 UP	1.43E-05
30	AW770283	hl76b02.xl NCI_CGAP_Kid13 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3007083 3, secuencia de ARNm	7.41 UP	1.38E-04
35	T47612	ybl5h03.sl Estratagene placenta (#937225) Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 71285 3, secuencia de ARNm	7.35 UP	9.37E-06
40	BM998303	UI-H-DTI-awc-h-03-O-UI.s1 NCL_CGAP_DT1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5887538 3, secuencia de ARNm	7.31 UP	2.23E-05
45	AK092048	ADNc Homo sapiens FLJ34729 fis, clon de MESAN2006401	7.26 UP	1.57E-05
50	BX647541	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686PO492 (a partir del clon DKFZp686PO492)	7.24 UP	2.71E-05
55	A1033863	owl0e02.xl Soares_parathyroid_tumor_NbHPA ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 1646426 3, secuencia de ARNm	7.16 UP	7.24E-06
60	NM_004657	Homo sapiens suero respuesta privación (proteína de unión a fosfatidilserina) (SDPR), ARNm	7.16 UP	3.17E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	BF222640	7p57c03.xl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens ADNclon IMAGE: 3649901 3, ARNm secuencia	7.13 UP	1.37E- 04
10	BU620793	UI-H-FL1-bfx-d-10-0-UI.sl NCI_CGAP_FL1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-FL1-bfx-d-10-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.11 UP	1.46E- 05
15	AA102553	zn26a04.sl Stratagene neuroepitelio NT2RAMI 937234 ADNc Homo sapiens clon IMAGEN: 548526 3, secuencia de ARNm	7.01 UP	4.89E- 05
20	NM_021242	Homo sapiens interacción de proteínas 1 MID1 (gastrulación específica similar a G12 (pez cebra)) (MID1IP1), mRNA	6.96 UP	1.32E- 04
25	CB045035	NISC_gcO8bO2.xl NCI_CGAP_Co17 Homo sapiens ADNc clon IMAGEN: 321 78753, secuencia de ARNm	6.94 UP	1.32E- 04
30	NM_007063	Homo sapiens dominio de la familia TBC1, miembro 8 de (con GRAM dominio) (TBC1D8), ARNm	6.92 UP	7.24E- 06
35	H25898	yl55bIO.rl Soares mama 3NbHBst Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 162139 5, Secuencia de ARNm	6.91 UP	5.94E- 04
	AK091337	Homo sapiens ADNc FLJ3401 8 fis, clon FCBBF2002801	6.89 UP	1.05E- 04
40	BE877764	601486331 FI NIH_MGC_69 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3888943 5, secuencia de ARNm	6.88 UP	2.25E- 04
45	BE503916	hz35gOI xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-3210000 3, secuencia de ARNm	6.73 UP	2.28E- 05
	NM_024993	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina transmembrana neuronal 4 (LRRTM4), ARNm	6.69 UP	2.67E- 05
50	NM_007361	Homo sapiens nidogen 2 (osteonidogen) (NID2), ARNm	6.65 UP	2.63E- 04
55	BC070147	ADNc Homo sapiens IMAGE clon-.4672631, que contiene errores de cambio de marco	6.65 UP	1.35E- 05
60	60045666	Homo sapiens proteína tumoral p53 inducible proteína 11, ARNm (clon de ADNc IMAGE.-5298525), que contienen errores de cambio de marco	6.62 UP	1.80E- 04

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_017787	Homo sapiens cromosoma 10 marco de lectura abierto 26 (ClOorf26), ARNm	6.59 UP	3.69E- 05
10	BQ267806	ij94e04.xl Homo sapiens humano insulinoma ADNc clon IMAGE: 5779278 3, secuencia de ARNm	6.59 UP	1.39E- 04
15	NM_032578	Homo sapiens miopalladina (FLJ14437), ARNm	6.57 UP	1.43E- 05
20	AK124699	ADNc Homo sapiens FLJ42709 fis, clon BRAMY3007350	6.55 UP	1.67E- 05
25	NM_000921	Homo sapiens fosfodiesterasa 3A, cGMP inhibido (PDE3A), ARNm	6.51 UP	3.13E- 05
30	CB048134	NISC_gjO3aO9.yl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3270448 5, secuencia de ARNm	6.47 UP	8.86E- 06
35	CA843592	ir49cl 2.xl HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 6548544 3, secuencia de ARNm	6.44 UP	3.85E- 05
40	NM_024633	Homo sapiens cromosoma 14 marco de lectura abierto 139 (C14orf139), ARNm	6.42 UP	2.45E- 04
45	BX640685	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686MO81 12 (a partir del clon DKFZp686M08112)	6.41 UP	3.09E- 05
	NM_005398	Homo sapiens proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) subunidad 3C (PPP1R3C), ARNm	6.38 UP	1.22E- 05
	NM_001957	Homo sapiens receptor de endotelina tipo A (EDNRA), ARNm	6.36 UP	3.08E- 05
50	NM_003248	Homo sapiens trombospondina 4 (THBS4), ARNm	6.35 UP	2.71E- 05
55	BQ188758	IU-E-EJ1-AJX-a-20-0-UI.rl IU-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJ1-AJX-a-20-0-UI 5, secuencia de ARNm	6.28 UP	5.68E- 03
60	A1830524	wh52c02.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2384354 3, Secuencia de ARNm	6.28 UP	2.77E- 05
65	BG818762	602779092172 NCI_CGAP_Brn67 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4914502 5, secuencia de ARNm	6.28 UP	1.57E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_024420	Homo sapiens fosfolipasa A2, del grupo IVA (citosólica, dependiente de calcio) (PLA2G4A), ARNm	6.26 UP	3.90E- 04
10	NM_173552	Homo sapiens proteína hipotética MGC33365 (MGC33365), ARNm	6.25 UP	1.39E- 05
15	BQ189707	UI-E-IPE-aka-o-12-0-UI.rl ul-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJ1-aka-o-12-O-UI 5, 7 secuencia de ARNm	6.25 UP	2.62E- 05
20	NM_015559	Homo sapiens conjunto de proteínas de unión 1 (SETBP1), ARNm	6.21 UP	1.83E- 03
25	T15720	IB1788 cerebro del lactante, Bento Soares Homo sapiens ADNc 3end, secuencia de ARNm	6.17 UP	2.02E- 05
30	AW291013	IU-H-BI2-agj-f-01-0-ULsl NCI_CGAP_Sub4 ADNc Homo sapiens clon IMAGE -2724601 3, secuencia de ARNm	6.15 UP	3.80E- 05
35	NM_024336	Homo sapiens Iroquois proteína homeobox 3 (Irx3), ARNm	6.12 UP	9.89E- 06
40	NM_025107	Homo sapiens myc objetivo I (MYCT1), ARNm	6.11 UP	5.67E- 05
40	NM_144665	Homo sapiens sestrina 3 (SESN3), ARNm	6.11 UP	1.39E- 04
45	AA908815	og77h08.sl NCI_CGAP_0v8 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1454367 3, secuencia de ARNm	6.07 UP	2.25E- 04
50	NM_024621	Homo sapiens proteína hipotética FLJ12604 (FLJ12604), ARNm	6.05 UP	2.61E- 04
55	AI335546	qt24d07.xi NCI_CGAPGC4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1948525 3, Secuencia de ARNm	6.02 UP	8.66E- 06
60	AB007954	Homo sapiens ARNm, cromosoma 1 transcripción específica K1AA0485	5.99 UP	5.46E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_033292	Homo sapiens caspasa 1, apoptosis relacionado proteasa cisteína (interleucina 1, beta, convertasa) (CASP1), variante de transcripción alfa, ARNm	5.95 UP	4.51E- 05
10	BX112737	BX112737 Soares placenta Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998H17189; IMAGE: 134080, secuencia de ARNm	5.94 UP	3.13E- 06
15				
20	NM_005239	Homo sapiens virus v-ets eritroblastosis E26 oncogén homólogo 2 (aviar) (ETS2), ARNm	5.94 UP	1.14E- 04
25	BM677978	UI-E-EJO-aig-o-17-0-UI.sl UI-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO-AIG-o-17-0 3-UI, secuencia de ARNm	5.91 UP	7.10E- 05
30	BX648604	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686M11213 (a partir del clon DKFZp686M11213)	5.91 UP	1.15E- 04
35	BCO41997	Homo sapiens, clon IMAGE: 5310819, ARNm	5.91 UP	4.16E- 04
40	NM_145239	Homo sapiens similar a linfocitos antígeno 6 complejo, locus G5B; proteína G5b; marco de lectura abierto 31 (LOC112476), ARNm	5.85 UP	5.37E- 05
45	NM_015149	Homo sapiens ral nucleótido guanina disociación estimuladora tipo 1 (RGL1), ARNm	5.85 UP	2.32E- 05
50	NM_030756	Homo sapiens factor de transcripción 7-similar a 2 (HMG-box específico T-celular) (TCF7L2), ARNm	5.85 UP	3.88E- 05
55	BU626144	UI-H-FG1-bgq-i-08-0-UI.sl NCI_CGAP_FG1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-FG1-bgq-i-080 3-UI, secuencia de ARNm	5.85 UP	1.70E- 04
60	BM55619	Agencourt_6544282 NIH_MGC_88 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5550173 5, secuencia de ARNm	5.83 UP	1.85E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

5	BM931867	UI-E-EJ1-ajk-n-19-0-UI.rl UI-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc de IU-E-EJ1-ajk-n-19-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.81 UP	2.62E- 05
10	BG576442	602595685F1 NIH_MGC_87 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4708725 5, secuencia de ARNm	5.8 UP	7.12E- 05
	AB096240	Homo sapiens gen de LOH11CR1A, pérdida de heterocigosidad, 11, región cromosómica del gen 1 producto A	5.78 UP	1.63E- 03
15	NM_003763	Homo sapiens syntaxina 16 (STX16), variante de transcripción 2, ARNm	5.72 UP	7.02E- 05
20	BQ013869	UI-1-BC1p-atg-a-03-0-UI.sl NCI_CGAP_P13 Homo sapiens clon de ADNc IU-i -BC1 p-Alg-A-03-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.69 UP	1.22E- 05
25	NM_005795	Homo sapiens calcitonina similar al receptor de (CALCRL), ARNm	5.68 UP	3.82E- 05
30	BM690053	UI-E-CK1-ABR-c-12-0-UI.rl UI-E-CK1 Homo sapiens clon de ADNc de IU-E-CK1-ABR-c-12-0 5-UI, secuencia de ARNm	5.64 UP	2.37E- 05
	AL832779	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686H157 (a partir del clon DKFZp686H157)	5.64 UP	7.39E- 06
35	CA425350	UI-H-DFO-bel-l-04-0-UI.s1 NCI_CGAP_DFO ADNc Homo sapiens clon de IU-H-DFO-bel-l-04-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.63 UP	2.47E- 05
40	AA398628	zt74e03.sl Soares testis NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-0.728092 3, ARNm secuencia	5.62 UP	1.87E- 04
45				
50	BX093329	BX093329 Soares_parathyroid_tumor_NbHPA Homo sapiens clon ADNc IMAGp998A124183; IMAGE: 1648403, secuencia de ARNm	5.61 UP	7.11E- 05
55	NM_006573	Homo sapiens factor de necrosis tumoral (ligando) superfamilia, miembro de 13b (TNFSF13B), ARNm	5.58 UP	1.02E- 05
60	AK124699	ADNc Homo sapiens FLJ42709 fis, clon BRAMY3007350	5.53 UP	1.72E- 04
65				

ES 2 569 421 T3

5	AL709606	DKFZp686M 125_ri 686 (sinónimo: hlcc3) ADNc Homo sapiens clon DKFZp686M125 5, secuencia de ARNm	5.53 UP	1.80E-04
10	BQ022721	UI-1-BB1p-axt-g-01-O-UI.sl NCI_CGAP_P16 ADNc Homo sapiens clon UI-1-BB1p-Axt-g-01-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.5 UP	2.79E-03
15	AA613572	nq22g06.sl NCI_CGAP_CoiO Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 1144666 3, secuencia ARNm	5.47 UP	4.31E-04
20	R38944	ydO6gO9.sl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens clon ADNc IMAGE-25061 3 similar a contiene Alu elemento repetitivo;, secuencia de ARNm	5.45 UP	4.34E-05
25				
	AK124563	ADNc Homo sapiens FLJ42572 fis, clon BRACE3008092	5.43 UP	9.13E-06
30	BC037929	Homo sapiens IMAGE clon de ADNc: 5284659, cds parcial	5.42 UP	7.14E-04
35	AK096536	ADNc Homo sapiens FLJ392i7 fis, clon OCBBF2006639, moderadamente similar al DEDO DE CINCO DE PROTEÍNAS 84	5.41 UP	3.17E-06
40	AL049443	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp586N2O2O (a partir del clon DKFZp586N2O2O)	5.41 UP	2.83E-04
45	NM_004951	Homo sapiens gen inducido por virus de Epstein-Barr 2 (linfocito específico receptor acoplada a proteína G) (EBI2), ARNm	5.39 UP	4.33E-04
50	NM_021153	Homo sapiens cadherina 19, tipo 2 (CDH19), ARNm	5.37 UP	3.26E-05
55	BX106577	BX106577 Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998H131854; IMAGE: 754236, secuencia de ARNm	5.37 UP	2.51E-05
	AW148979	xfO7gO8.xl NCI_CGAP_Kid8 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 26174063, secuencia de ARNm	5.36 UP	2.78E-04
60	A1024717	ov68h06.xl Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1 6425233, secuencia de ARNm	5.35 UP	3.75E-05
65	AF131784	Homo sapiens clon 25194 secuencia de ARNm	5.34 UP	2.14E-05

ES 2 569 421 T3

5	AK092375	ADNc Homo sapiens FLJ35056 fis, clon OCBBF2018581	5.32 UP	6.05E- 05
10	NM_002615	Homo sapiens serina (o cisteína) inhibidor de proteinasa, clade F (alfa-2 antiplasmina, pigmento de factor derivado del epitelio), miembro 1 (SERPINF1), ARNm	5.3 UP	1.74E- 04
15	NM_016206	Homo sapiens carcinoma de colon relacionados con la proteína (FLJ38507), ARNm	5.3 UP	2.44E- 04
20	BQ346857	RC1-NT0033-250800-018-g09 NT0033 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	5.29 UP	4.05E- 05
25	BQ026175	UI-1-BB1p-akc-h-10-0-UI.s1 NCI_CGAPPI6 ADNc Homo sapiens clon UI-1-BB1p-AKC-h-10-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.29 UP	7.29E- 04
30	NM_033067	Homo sapiens DMRT-B como de la familia con prolina rica C-terminal, 1 (DMRTB1), ARNm	5.28 UP	2.03E- 04
35	AK127847	ADNc Homo sapiens FLJ45950 fis, clon PLACE7008136	5.27 UP	6.27E- 06
40	A1024323	ov67g08.xl Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1642430 3, secuencia de ARNm	5.27 UP	1.14E- 04
45	NM_022768	Homo sapiens ARN motivo de unión a proteínas 15 (RBM15), ARNm	5.27 UP	3.30E- 04
50	BCO16780	Homo sapiens, clon IMAGE: 4106389, ARNm	5.24 UP	2.73E- 03
55	CA427170	UI-H-DFO-bey-f-20-0-UI.sl NCI_CGAP_DFO Homo sapiens clon de ADNc IU-H-DFO-Bey-f-20-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.23 UP	2.60E- 04
60	BX537862	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp779M0552 (a partir del clon DKFZp779M0552)	5.23 UP	5.42E- 05
65	NM_022658	Homo sapiens caja homeo C8 (HOXC8), ARNm	5.22 UP	4.37E- 04
	BE378852	601237381 FI NIH_MGC_44 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3609140 5, secuencia de ARNm	5.21 UP	1.74E- 04

ES 2 569 421 T3

5	AK074131	ARNm de Homo sapiens para la proteína FLJ00204	5.18 UP	5.59E- 05
	BX098131	BX098131 Soares_testis_NHT Homo sapiens ADNc clon IMAGp998O101830; IMAGE: 745185, secuencia de ARNm	5.15 UP	1.32E- 05
10	A1798732	we9ihl2.xl Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2348519 3, Secuencia de ARNm	5.14 UP	5.68E- 04
15	NM_017577	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp434C0328 (DKFZp434C0328), ARNm	5.13 UP	3.63E- 04
20	NM_015541	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina y dominios similares a inmunoglobulina 1 (LRIG1), ARNm	5.12 UP	1.04E- 04
25	NM_032622	Homo sapiens ligando de la proteína X-insensible (LNX), ARNm	5.12 UP	1.74E- 04
30	NM_003500	Homo sapiens acil-coenzima A oxidasa 2, cadena (ACOX2) ramificado, ARNm	5.11 UP	1.34E- 05
35	NM_152270	Homo sapiens proteína hipotética FLJ34922 (FLJ34922), ARNm	5.07 UP	4.93E- 05
40	BM695626	IU-E-CQ1-AEW-i-06-0-UI.rl IU-E-CQ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CQ1-aew-i-06-0-UI 5, secuencia de ARNm	5.06 UP	1.10E- 03
45	NM_014548	Homo sapiens tropomodulina 2 (neuronal) (TMOD2), ARNm	5.05 UP	4.23E- 03
	BC036223	Homo sapiens, clon IMAGE-.5272183, ARNm	5.04 UP	6.69E- 05
50	NM_173554	Homo sapiens cromosoma 10 marco de lectura abierto 107 (CIOorfIO7), ARNm	5.04 UP	8.63E- 05
55	NM_018409	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp761 00113 (DKFZp761 00113), ARNm	5.03 UP	3.39E- 04
60	BF509492	UI-H-B14-a0z-c-06-0-T l.s 1 NCI_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3086579 3, secuencia de ARNm	5.01 UP	1.99E- 03
	BQ574344	UI-H-EZ1-baz-b-10-0-UI.sl NCI_CGAP_Ch2 ADNc Homo sapiens clon UI-H-EZ1-baz-b-10-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.01 UP	7.24E- 06
65	NM_022454	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) - caja 17 (SOX17), ARNm	366.7 Abajo	3.10E- 06

ES 2 569 421 T3

5	BG219729	RST39494 Athersys RAGE Biblioteca Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	268.82 Abajo	2.19E-06
10	NM_152737	Homo sapiens proteína hipotética MGC33993 (MGC33993), ARNm	250.88 Abajo	1.66E-06
15	BX102632	BX102632 NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998J052307; 2 IMAGE: 928228, secuencia de ARNm	188.6 Abajo	1.29E-06
20	NM_002521	Homo sapiens precursor del péptido natriurético B (NPPB), ARNm	184.64 Abajo	3.10E-06
25	NM_013230	Homo sapiens antígeno CD24 (pulmón de células pequeñas clúster carcinoma 4 antígeno) (CD24), ARNm	160.77 Abajo	4.30E-06
30	AK023631	ADNc Homo sapiens FLJ13569 fis, clon PLACE 1008369	154.91 Abajo	5.78E-07
35	NM_006169	Homo sapiens nicotinamida N-metiltransferasa (NNMT), ARNm	141.97 Abajo	1.12E-06
40	NM_006228	Homo sapiens prepronociceptina (PNOC), ARNm	138.62 Abajo	1.22E-05
45	A1765021	wh56c02.xl NCLCGAP_KidII Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2384738 3, secuencia de ARNm	130.91 Abajo	6.27E-06
50	NM_004617	Homo sapiens transmembrana 4 superfamilia miembro 4 (TM4SF4), ARNm	111.06 Abajo	1.43E-05
55	AK096481	ADNc Homo sapiens FLJ39162 nosotros, clon OCBBF2002376	102.43 Abajo	3.17E-06
60	NM_007038	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 con motivos, 5 (aggrecanase2) (ADAMTS5), ARNm	95.94 Abajo	6.14E-06
65	AB032980	Homo sapiens ARNm para proteína KIAA1154, cds parcial	85.12 Abajo	9.37E-06

ES 2 569 421 T3

5	AK092245	ADNc Homo sapiens FLJ34926 fis, clon NT2RP700331 9, muy similar a Mus musculus neuralina ARNm	70.22 Abajo	2.04E-05
10	NM_002276	Homo sapiens queratina 19 (KRT19), ARNm	59.59 Abajo	2.19E-06
15	A1249696	qj64a03.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1864204 3, secuencia de ARNm	56.92 Abajo	9.37E-06
20	D29453	HUMNK566 Homo sapiens queratinocito epidérmico humano clon de ADNc de 566, secuencia de ARNm	53.31 Abajo	5.14E-06
25	NM_004753	Homo sapiens deshidrogenasa / reductasa (familia SDR) miembro 3 (DHRS3), ARNm	50.19 Abajo	1.41E-05
30	NM_012464	Homo sapiens toloide tipo 1 (TLL1), ARNm	48.62 Abajo	1.72E-04
35	NM_080743	Homo sapiens serina-arginina proteína represora (35 kDa) (SRrp35), ARNm	48.46 Abajo	1.34E-06
40	NM_004496	Homo sapiens caja de cabeza de horquilla AI (FOXA1), ARNm	47.75 Abajo	3.10E-06
45	BF512544	UI-H-BW1-amf-c-08-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub7 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3069687 3, secuencia de ARNm	46.87 Abajo	6.56E-06
50	NM_016356	Homo sapiens dominio que contiene doble cortina 2 (DCDC2), ARNm	46.71 Abajo	1.48E-05
55	NM_020873	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina neuronal 1 (LRRN1), ARNm	45.32 Abajo	3.17E-06
60	NM_138966	Homo sapiens neuropilina (PNR) y toloide (TLL) -similar a 1 (Neto1), variante de transcripción 3, ARNm	44.78 Abajo	1.84E-05
65	NM_000582	Homo sapiens secretadas fosfoproteína 1 (osteopontina, sialoproteína ósea I, 182 temprana activación de los linfocitos 1) (SPP1), ARNm	43.26 Abajo	9.71E-06
	BU680661	UI-CF-DU1-aaz-f-04-0-UI.sl UI-CF-DU1 Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-DU1-aaz-f-04-0-UI 3, secuencia de ARNm	43.24 Abajo	3.19E-06

ES 2 569 421 T3

5	NM_184087	Homo sapiens que contiene motivo tripartito 55 (TRIM55), variante de transcripción 4, ARNm	41.43 Abajo	3.19E-06
10	NM_004221	Homo sapiens transcripción de las células asesinas naturales 4 (NK4), ARNm	40.53 Abajo	1.66E-05
15	CA416106	UI-H-FEO-BBS-f-17-0-UL.si NCI_CGAPFEO Homo sapiens clon ADNc IU-H-FEO-BBS-F-176-0 IU 3, secuencia de ARNm	40.33 Abajo	2.77E-05
15	NM_006439	Homo sapiens similar a MAB-21 2 (C. elegans) (MAB21L2), ARNm	40.02 Abajo	3.10E-05
20	BF431030	7o18c06.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-3574283 3, secuencia de ARNm	39.89 Abajo	1.22E-05
25	NM_025074	Homo sapiens síndrome de Fraser 1 (FRAS1), variante de transcripción 1, ARNm	39.81 Abajo	3.82E-06
30	BG197054	RST16291 Homo Athersys RAGE Biblioteca sapiens ADNc, secuencia de ARNm	39.23 Abajo	3.73E-05
35	BG165745	602344592F1 NIH_MGC_89 Homo sapiens ADNc hecho IMAGE-0.4454470 5, secuencia de ARNm	37.22 Abajo	1.39E-04
40	NM_002527	Homo sapiens neurotrofina 3 (Ntf3), ARNm	34.83 Abajo	5.63E-06
45	NM_004982	Homo sapiens canal de rectificación interior de potasio, subfamilia J, miembro 8 (KCNJ8), ARNm	33.22 Abajo	3.22E-05
45	NM_018168	Homo sapiens cromosoma 14 marco de lectura abierto 105 (CI4orf105), ARNm	31.87 Abajo	1.84E-05
45	B0003401	UI-H-EI1 -azd-j-23-0-UI.si NCI_CGAP_EI1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5847286 3, secuencia de ARNm	31.63 Abajo	8.86E-06
50	BC037316	Homo sapiens, clon IMAGE-5259432, ARNm	30.99 Abajo	2.19E-06
55	NM_016212	Homo sapiens proteínas TP53TG3 (TP53TG3), ARNm	30.74 Abajo	1.57E-05
55	BQ375719	QV2-TN0173-021100-454-g06 TN0173 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	30.59 Abajo	1.84E-05
60	NM_014333	Homo sapiens superfamilia de inmunoglobulinas, miembro 4 (IGSF4), ARNm	30.19 Abajo	2.42E-05
65	NM_005712	Homo sapiens HERV-H LTR asociado 1 a (HHLA1), ARNm	29.97 Abajo	1.62E-05

ES 2 569 421 T3

	NM_001955	Homo sapiens endotelina 1 (EDN1), ARNm	29.8 Abajo	1.41E- 05
5	NM_002559	Homo sapiens receptores purinérgicos P2X, ligand canal iónico de apertura, 3 (P2RX3), ARNm	28.92 Abajo	1.84E- 05
10	NM_001885	Homo sapiens cristalina, alfa B (CRYAB), ARNm	28.49 Abajo	6.27E- 06
15	NM_005602	Homo sapiens claudina 11 (oligodendrocitos proteína transmembrana) (CLDN11), ARNm	28.14 Abajo	5.78E- 07
20	NM_000927	Homo sapiens cassette ATP-vinculante, subfamilia B (MDRJTAP), miembro 1 (ABCB1), ARNm	27.84 Abajo	8.93E- 06
25	NM_003385	Homo sapiens visinina tipo 1 (VSNL1), ARNm	27.75 Abajo	9.37E- 06
30	NM_020349	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 2 (tramo muscular sensible) (ANKRD2), ARNm	27.68 Abajo	2.19E- 06
35	NM_152487	Homo sapiens hipotética proteína FLJ31 842 (FLJ31842), ARNm	27.59 Abajo	3.71E- 05
40	NM_017819	Homo sapiens ARN (guanina-9-) dominio metiltransferasa que contiene 1 (RG9MTD1), ARNm	26.6 Abajo	1.99E- 05
45	AA449137	zxO3dl 2.rl Soares_total_fetus_Nb2HF8_9w Homo sapiens ADNc clon IMAGE-785399 5, secuencia de ARNm	26.24 Abajo	1.67E- 05
50	AW511222	hd44dl 1 xl Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 291 2373 3 similares a contiene Alu elemento repetitivo;, Secuencia de ARNm	26.15 Abajo	9.71E- 06
55	A1469032	ti70a0l.xl NCLCGAP Kidil Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2137320 3, Secuencia de ARNm	25.39 Abajo	3.10E- 06
60	NM_030899	Homo sapiens proteína con dedos de zinc 323 (ZNF323), ARNm	25.07 Abajo	1.43E- 05
65	BG545305	602572521FI NIH MGC 77 Homo sapiens clon de ADNc	24.4	3.68E-

ES 2 569 421 T3

5	NM_184087	Homo sapiens tripartito motivo que contienen 55 (TRIM55), variante de transcripción 4, ARNm	24.35 Abajo	9.37E-06
10	NM_006074	Homo sapiens tripartita que contiene motivo 22 (TRIM22), ARNm	24.19 Abajo	1.55E-04
15	NM_152694	Homo sapiens dedo de zinc, CCHC dominio que contiene 5 (ZCCHC5), ARNm	24.15 Abajo	8.30E-05
20	NM_175056	Homo sapiens proteína hipotética LOC131368 (LOC131368), ARNm	23.96 Abajo	2.36E-05
25	NM_015236	Homo sapiens latrophilina 3 (LPHN3), ARNm	23.83 Abajo	9.13E-06
30	AK124873	ADNc Homo sapiens FLJ42883 fis, clon BRH1P3006683	23.58 Abajo	1.95E-05
30	NM_001562	Homo sapiens interleucina 18 (interferón factor de inducción de gamma) (IL18), ARNm	23.38 Abajo	4.81E-05
35	NM_032026	Homo sapiens dominio TatD DNasa que contiene 1 (TATDN1), ARNm	23.12 Abajo	6.00E-05
40	NM_152703	Homo sapiens cromosoma 7 marco de lectura abierto 6 (C7orf6), ARNm	22.98 Abajo	1.82E-05
40	NM_032603	Homo sapiens lisil similar a oxidasa 3 (LOXL3), ARNm	22.16 Abajo	1.17E-05
45	BX115825	BX115825 Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998C134603; IMAGE 0,1879236, Secuencia de ARNm	22.02 Abajo	3.22E-05
45	NM_001448	Homo sapiens Glipicano 4 (GPC4), ARNm	21.86 Abajo	8.50E-06
50	BC008580	Homo sapiens, clon IMAGE: 4179986, ARNm, cds parcial	21.22 Abajo	3.19E-06
55	NM_002273	Homo sapiens queratina 8 (KRT8), ARNm	21.19 Abajo	1.29E-05
55	NM_005069	Homo sapiens homólogo de un sólo propósito 2 (Drosophila) (SIM2), variante de transcripción SIM2, ARNm	20.97 Abajo	3.19E-06
60	NM_052947	Homo sapiens alfa-quinasa de corazón (HAK), ARNm	20.9 Abajo	1.22E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	AB041269	Homo sapiens ARNm para queratina 19, cds parcial, aislar: K19-141	20.57 Abajo	3.49E-05
10	NM_002578	Homo sapiens p21 quinasa activado por (CDKN1A), la 3 (PAK3), ARNm	20.36 Abajo	3.19E-06
15	NM_024726	Homo sapiens motivo de QI que contienen dominio de AAA (IQCA), ARNm	20.18 Abajo	1.02E-04
20	NM_018658	Homo sapiens de canal de rectificación de potasio hacia el interior, subfamilia J, miembro 16 (KCNJ16), variante de transcripción 1, ARN	19.93 Abajo	3.44E-05
25	BU567804	Agencourt_10398872 NIH_MGC_82 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-6614502 5, secuencia de ARNm	19.73 Abajo	6.27E-06
30	NM_005329	Homo sapiens hialuronano sintasa 3 (HAS3), transcripción de variante 1, ARNm	19.66 Abajo	3.19E-06
35	BX509117	DKFZp686C09280_rl 686 (sinónimo: hlcc3) Homo sapiens clon de ADNc DKFZp686C09280 5, secuencia de ARNm	19.48 Abajo	8.85E-06
40	NM_003392	Homo sapiens-tipo sin alas, la familia del sitio de integración MMTV, miembro de 5A (WNT5A), ARNm	19.4 Abajo	3.19E-06
45	NM_024898	Homo sapiens familia con similitud de secuencia 31, miembro C (FAM31C), ARNm	19.07 Abajo	6.27E-06
50	AF318382	ARNm sapiens Homo pp9974, cds completos	19 Abajo	6.27E-06
55	AL117578	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp434C128 (a partir de clon DKFZp434C128)	18.69 Abajo	3.17E-06
60	BU633163	UI-H-FL1 -bgt-n-07-0-UI SI NCI_CGAP_FL1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-FL1-BGT-n-07-0-UI 3, secuencia de ARNm	18.57 Abajo	9.42E-06
65				

ES 2 569 421 T3

	AB011539	ARNm de Homo sapiens para la proteína MEGF6 (KIAAO815), cds parciales	18.38 Abajo	4.22E-05
5	NM_000693	Homo sapiens aldehído deshidrogenasa 1 familia, miembro A3 (ALDH1A3), ARNm	18.37 Abajo	4.97E-05
10	AA195328	zr34f08.sl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens ADNc clon Image: 665319 3, secuencia de ARNm	18.33 Abajo	9.56E-06
15	AL08013	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp564N2216 (a partir del clon DKFZp564N2216)	18.18 Abajo	3.85E-05
20	NM_020130	Homo sapiens cromosoma 8 marco de lectura abierto 4 (C8orf4), ARNm	17.97 Abajo	1.19E-04
25	NM_182920	Homo sapiens similar a desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 motivo, 9 (ADAMTS9), variante de transcripción 1, ARNm	17.95 Abajo	5.64E-05
30				
35	AK024261	ADNc Homo sapiens FLJ14199 fis, clon NT2RP3002713	17.68 Abajo	2.24E-05
	NM_005130	Homo sapiens factor de crecimiento de fibroblastos vinculante proteína 1 (FGFBP1), ARNm	17.55 Abajo	5.73E-06
40	BF431041	nab3ig02.xi Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3267627 3, ARNm	17.25 Abajo	1.56E-05
45				
50	BM992049	UI-H-DF1-auf-e-22-0-UI.s1 NCI_CGAP_DF1 Homo sapiens clon IMAGE: 5868669 3, secuencia de ADNc	16.81 Abajo	8.93E-06
55	NM_001554	Homo sapiens rica en cisteína, inductor de angiogénico, 61 (CYR61), ARNm	16.43 Abajo	6.87E-04
60	AK093529	ADNc Homo sapiens FLJ36210 fis, clon THYMU2000155	16.29 Abajo	1.16E-05
	NM_198389	Homo sapiens celular de tipo I pulmón membrana glicoproteína asociada (T1A-2), variante de transcripción 2, ARNm	16.15 Abajo	2.62E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_004490	Homo sapiens factor de crecimiento unido al receptor proteína 14 (GRB14), ARNm	16.02 Abajo	1.52E-04
10	NM_001999	Homo sapiens fibrilina 2 (aracnodactilia congénita contractural) (FBN2), ARNm	16 Abajo	4.45E-05
15	NM_012413	Homo sapiens ciclotransferasa de glutaminil-péptido (ciclase glutaminil) (QPCT), ARNm	15.51 Abajo	1.39E-05
	NM_178470	Homo sapiens WD dominio de repetición 40B (WDR4OB), ARNm	15.46 Abajo	2.73E-05
20	BM712945	UI-E-EJ0-ahi-c-16-0-UI.rl UI-E-EJ0 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO-ahi-c-16-0-UI 5, Secuencia de ARNm	15.36 Abajo	4.73E-06
	NM_018894	Homo sapiens contiene EGF-similar a fibulina matriz extracelular de proteína 1 (EFEMP1), variante de transcripción 2, ARNm	15.15 Abajo	5.35E-05
25	BM712072	UI-E-DW1-ahc-b-11-0-UI.ri UI-E-DW1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-DW1-ahc-b-11-0-UI 5, secuencia de ARNm	15.1 Abajo	1.93E-05
30	NM_000519	Homo sapiens hemoglobina, delta (HBD), ARNm	14.92 Abajo	5.14E-06
35	NM_016276	Homo sapiens quinasa regulada por suero / glucocorticoides 2 (SGK2), variante de transcripción 2, ARNm	14.87 Abajo	3.13E-06
40	BF111710	7147c10.xi Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE.-3524371 3, Secuencia de ARNm	14.78 Abajo	9.84E-05
	AF269162	Homo sapiens c2lorf7 ARNm forma B, cds completo	14.77 Abajo	5.11E-05
45	NM_203418	Homo sapiens síndrome Down región crítica gen 1 (DSCR1), variante de transcripción 3, ARNm	14.75 Abajo	9.03E-04
50				
55	NM_173505	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 29 (ANKRD29), ARNm	14.71 Abajo	8.60E-05
60	NM_032511	Homo sapiens cromosoma 6 marco de lectura abierto 168 (C6or1168), ARNm	14.65 Abajo	1.60E-05
65	NM_152768	Homo sapiens proteína hipotética FLJ25378 (FLJ25378), ARNm	14.59 Abajo	3.47E-05

ES 2 569 421 T3

	NM_002837	Homo sapiens proteína fosfatasa de tirosina, tipo de receptor, B (PTPRB), ARNm	14.53 Abajo	8.08E- 06
5				
	NM_000682	Homo sapiens adrenérgico, alfa-2B, receptor (ADRA2B), ARNm	14.52 Abajo	5.46E- 05
10				
	NM_015441	Homo sapiens olfactomedina similar 2B (OLFML2B), ARNm	14.35 Abajo	3.75E- 05
	NM_006475	Homo sapiens periostina, factor específico de osteoblastos (POSTN), ARNm	14.33 Abajo	4.23E- 05
15				
	BG436244	602508665F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4605617 5, Secuencia de ARNm	14.19 Abajo	3.75E- 05
20				
	NM_025245	Homo sapiens leucemia de células pre-B factor de transcripción 4 (PBX4), ARNm	14.1 Abajo	1.41E- 05
	NM_000557	Homo sapiens factor de diferenciación del crecimiento 5 (proteína morfogenética-1 derivada de cartílago) (GDF5), ARNm	14.06 Abajo	7.14E- 05
25				
	NM_079423	Homo sapiens miosina, polipéptido ligero 6, alcalino, músculo liso y no muscular (MYL6), la variante de transcripción 2, ARNm	14.03 Abajo	2.37E- 05
30				
	NM_207517	Homo sapiens similar a ADAMTS-3 (ADAMTSL3), ARNm	13.93 Abajo	1.39E- 05
	NM_152573	Homo sapiens RAS y EF dominio de mano que contiene (RASEF), ARNm	13.93 Abajo	1.72E- 04
35				
	NM_017633	Homo sapiens familia con similitud de secuencia 46, miembro A (FAM46A), ARNm	13.92 Abajo	3.30E- 06
40				
	NM_016588	Homo sapiens Neuritina 1 (NRN1), ARNm	13.79 Abajo	1.39E- 05
45				
	NM_020962	Homo sapiens ortholog de ratón probable vecino de Punc E11 (NOPE), ARNm	13.78 Abajo	2.37E- 05
50				
	NM_032461	Homo sapiens familia SPANX, miembro B1 (SPANXB1), ARNm	13.57 Abajo	1.09E- 05
	BE788763	601475864F1 NIH_MGC 68 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3879014 5, Secuencia de ARNm	13.56 Abajo	1.39E- 05
55				
	AK125490	ADNc Homo sapiens FLJ43501 fis, clon PEBLM2004497	13.39 Abajo	3.11E- 04
	NM_000584	Homo sapiens interleucina 8 (1L8), ARNm	13.37 Abajo	1.66E- 05
60				
	NM_145802	Homo sapiens septinas 6 (SEPT6), variante de transcripción V, ARNm	13.04 Abajo	9.89E- 06
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_032510	Homo sapiens par-6 partición defectuosa 6 gamma homólogo (C. elegans) (PARD6G), ARNm	12.84 Abajo	3.42E- 05
10	NM_000599	de Homo sapiens proteína factor de crecimiento similar a la insulina vinculante 5 (IGFBP5), ARNm	12.83 Abajo	1.87E- 05
15	NM_000876	Homo sapiens receptor factor de crecimiento similar a la insulina 2 (IGF2R), ARNm	12.74 Abajo	3.58E- 04
20	AL389942	Homo sapiens ARNm de longitud completa de ADNc inserte EUROIMAGE clon 2005635	12.52 Abajo	1.20E- 04
25	AJ697972	Homo sapiens cromosoma 3 ADNc	12.43 Abajo	1.17E- 04
30	H23441	ym52f11.sl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 51888 3, secuencia de ARNm	12.39 Abajo	2.04E- 05
35	NM_016201	Homo sapiens angiomotina similar a 2 (AMOTL2), ARNm	12.38 Abajo	1.31E- 03
40	NM_005139	Homo sapiens anexina A3 (ANXA3), ARNm	12.27 Abajo	3.10E- 06
	W85910	zh52b10.s1 Soares_fetal_liver_spleen_1 NFLS_S1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 415675 3, secuencia de ARNm	12.27 Abajo	4.22E- 05
40	NM_004862	Homo sapiens factor de TNF inducido por lipopotysaccharida (LITAF), ARNm	12.27 Abajo	1.03E - 04
45	NM_178033	Homo sapiens citocromo P450, la familia 4, subfamilia X, polipéptido 1 (CYP4X1), ARNm	12.13 Abajo	3.22E- 05
50	NM_020152	Homo sapiens cromosoma 21 marco de lectura abierto 7 (C2lorf7), ARNm	12.12 Abajo	4.27E- 06
55	NM_004165	Homo sapiens relacionadas con ras asociado con diabetes (RRAD), ARNm	11.95 Abajo	1.10E- 04
60	NM_005450	Homo sapiens noggin (NOG), ARNm	11.93 Abajo	7.24E- 06
65	NM_000212	Homo sapiens integrina beta 3 (plaquetas glicoproteína lila, el antígeno CD61) (ITGB3), ARNm	11.9 Abajo	8.68E- 05
	BX648964	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686J0156 (a partir del clon DKFZp686JO156)	11.85 Abajo	1.22E- 05

ES 2 569 421 T3

	NM_031476	Homo sapiens hipotética proteína DKFZp434BO44 (DKFZP434BO44), ARNm	11.84 Abajo	1.04E- 05
5				
	NM_145201	Homo sapiens similar al producto del gen CG3714 (PP3856), ARNm	11.57 Abajo	1.39E- 05
10				
	NM_016179	Homo sapiens receptor de potencial transitorio canal de cationes, subfamilia C, miembro 4 (TRPC4), ARNm	11.56 Abajo	2.61E- 04
15				
	NM_005202	Homo sapiens colágeno, tipo VIII, alfa 2 (COL8A2), ARNm	11.39 Abajo	2.61E- 04
20				
	AW021686	df26h11.y1 Morton fetal cóclea Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2484717 5, secuencia de ARNm	11.2 Abajo	2.21E- 05
25				
	BC041412	Homo sapiens choque térmico 12A proteína 70kDa, ARNm (ADNc clon IMAGE: 5285193), cds parcial	11.17 Abajo	2.88E- 04
30				
	NM_004433	Homo sapiens E74-similar a factor de 3 (dominio ets factor de transcripción, epitEl1al específico) (ELF3), ARNm	11.14 Abajo	2.80E- 05
35				
	NM_001144	Homo sapiens receptor del factor de motilidad autócrina (AMFR), variante de transcripción 1, ARNm	11.14 Abajo	5.52E- 05
40				
	NM_006863	Homo sapiens leucocitos del receptor, de la subfamilia A (con dominio TM) similar a una inmunoglobulina, miembro 1 (LILRA1), ARNm	11.04 Abajo	2.72E- 05
45				
	BX113319	BX113319 NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998G205398; IMAGE: 2184619, secuencia de ARNm	10.97 Abajo	2.51E- 05
50				
	NM_002462	Homo sapiens mixovirus (virus de la gripe) resistencia 1, p78 proteína inducible por interferón (ratón) (MX1), ARNm	10.93 Abajo	1.17E- 04
55				
	AB011095	Homo sapiens ARNm para la proteína K1AA0523, cds parcial	10.88 Abajo	8.65E- 06
60				
	NM_001854	Homo sapiens colágeno, tipo XI, alfa 1 (col1 1A1), variante de transcripción A, ARNm	10.81 Abajo	9.37E- 06
65				
	NM_178834	Homo sapiens layilina (LOC143903), ARNm	10.8 Abajo	5.28E- 06

ES 2 569 421 T3

	NM_012198	Homo sapiens grancalcin, proteína de unión de calcio de mano EF (GCA), ARNm	10.71 Abajo	1.57E-05
5				
	NM_207482	Homo sapiens proteína FLJ44048 (FLJ44048), ARNm	10.69 Abajo	3.75E-05
10				
	NM_000817	Homo sapiens glutamato descarboxilasa 1 (cerebro, 67kDa) (GAD1), variante de transcripción GAD67, ARNm	10.65 Abajo	1.35E-05
15				
	NM_004289	Homo sapiens factor nuclear (derivado de eritroide 2) -similar a 3 (NFE2L3), ARNm	10.42 Abajo	4.53E-05
20				
	NM_007072	Homo sapiens HERV-H LTR asociado a 2 (HLA2), ARNm	10.41 Abajo	7.19E-06
25				
	A1355761	qt94all.xl NCI_CGAP_Co14 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1962908 3 similar a gb:X74929 QUERATINA, TIPO II CITOESQUELETO 8 (HUMANO) ;, secuencia de ARNm	10.38 Abajo	2.80E-05
30				
	NM_021977	Homo sapiens la familia portador de soluto 22 (transportador extraneuronal de monoamina), miembro 3 (SLC22A3), ARNm	10.3 Abajo	1.20E-04
35				
	AL137698	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp434C1915 (a partir del clon DKFZp434C1 915); cds parcial	10.26 Abajo	1.30E-04
40				
	BM976385	UI-CF-EN1 -acz-f-03-0-UI.sl UI-CF-EN1 Homo sapiens clon de ADNc de UI-CF-ES-1 acz-f-03-0-UI 3, Secuencia de ARNm	10.2 Abajo	1.22E-05
45				
	AK123319	ADNc Homo sapiens FLJ41325 fis, clon BRAMY2046871	10.05 Abajo	1.84E-05
50				
	BX459043	BX459043 Homo sapiens PLACENTA Homo sapiens clon de ADNc CSODEO11YN10 3 PRIME, secuencia de ARNm	9.97 Abajo	3.27E-04
55				
	NM_000227	Homo sapiens laminina, alfa 3 (LAMA3), variante de transcripción 2, ARNm	9.83 Abajo	5.83E-06
60				
	A1335277	tb29h06.xl NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2055803 3, secuencia de ARNm	9.8 Abajo	7.24E-06
65				
	NM_207380	Homo sapiens FLJ43339 proteína (FLJ43339), ARNm	9.73	4.97E-

ES 2 569 421 T3

	NM_003328	Homo sapiens TXK tirosina quinasa (TXK), ARNm	9.7 Abajo	1.64E- 05
5	NM_000612	Homo sapiens similar a la insulina factor de crecimiento 2 (somatomedina A) (IGF-2), ARNm	9.68 Abajo	2.36E- 05
10	NM_005302	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado 37 (deceptor similar a endotelina tipo B) (GPR37), ARNm	9.63 Abajo	5.63E- 06
	NM_002338	Homo sapiens sistema límbico-asociado proteína de membrana (LSAMP), ARNm	9.62 Abajo	4.14E- 05
15				
	NM_025239	Homo sapiens muerte celular programada 1 ligando 2 (PDCD1LG2), ARNm	9.57 Abajo	7.52E- 05
20				
	NM_000478	Homo sapiens fosfatasa alcalina, hígado / hueso / riñón (ALPL), ARNm	9.56 Abajo	1.39E- 05
25				
	AJ318805	AJ318805 Homo sapiens tejido de adiposo Homo sapiens clon de ADNc de 2040, secuencia ARNm	9.55 Abajo	5.32E- 05
30				
	BG622707	602647476F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4768963 5, Secuencia de ARNm	9.54 Abajo	2.76E- 05
35	CN478597	UI-CF-FNO-aeo-g-21-0-UI.sl UI-CF-FNO Homo sapiens clon de ADNc de UI-CF-FNO-AEO-g-21-0-UI 3, secuencia de ARNm	9.49 Abajo	1.39E- 05
	BF798098	RC1-CI00045-021000-021-f02 C10045 Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	9.46 Abajo	2.31E- 05
40				
	NM_000856	Homo sapiens ciclasa 1, soluble guanilato, alfa 3 (GUCY1A3), ARNm	9.42 Abajo	7.20E- 05
45				
	AL119769	DKFZp761E1224_r1 761 (sinónimo: hamy2) ADNc Homo sapiens clon DKFZp761E1224 5, secuencia de ARNm	9.33 Abajo	5.73E- 06
50				
	NM_005596	Homo sapiens factor nuclear I / B (NFIB), ARNm	9.32 Abajo	2.30E- 05
55				
	AW134473	UI-H-BI1-abv-a-11-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub3 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2712885 3, secuencia de ARNm	9.29 Abajo	1.31E- 04
	BX537698	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686F09166 (a partir del clon DKFZp686F09166)	9.28 Abajo	4.13E- 06
60				
	NM_024423	Homo sapiens desmocolina 3 (DSC3), variante de transcripción Dsc3b, ARNm	9.27 Abajo	2.36E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_006072	Homo sapiens quimiocina (motivo C-C) ligando 26 (CCL26), ARNm	9.27 Abajo	9.91E-06
5	NM_173508	Homo sapiens soluto familia portadora 35, miembro de F3 (SLC35F3), ARNm	9.24 Abajo	5.64E-05
10	NM_178012	Homo sapiens tubulina, polipéptido beta paralog (MGC8685), ARNm	9.24 Abajo	2.21E-04
15	NM_033290	Homo sapiens línea media 1 (síndrome de Opitz / BBB) (MID1), variante de transcripción 3, ARNm	9.18 Abajo	8.22E-04
20	NM_018265	Homo sapiens proteína hipotética FLJ10901 (FLJ10901), ARNm	8.95 Abajo	1.17E-04
25	H89526	yw28b04.rl Morton fetal cóclea Homo clon sapiens ADNc IMAGE: 253519 5, secuencia de ARNm	8.91 Abajo	1.74E-05
30	NM_000961	Homo sapiens prostaglandina 12 (prostaciclina) sintasa (PTGIS), ARNm	8.89 Abajo	2.82E-04
35	A1942360	wo8OcO6.xl NCI_CGAP Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2461642 3, secuencia de ARNm	8.88 Abajo	2.07E-05
40	BX537613	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686E11117 (a partir del clon 3 DKFZp686E11117)	8.86 Abajo	1.59E-05
45	NM_014358	Homo sapiens de tipo C (dependiente de calcio, dominio de reconocimiento de hidratos de carbono) lectina, miembro de la superfamilia 9 (CLECSF9), ARNm	8.84 Abajo	2.21E-05
50				
55	AK023999	ADNc Homo sapiens FLJ13937 fis, clon Y79AA1000805	8.83 Abajo	1.32E-04
60				
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_000692	Homo sapiens aldehído deshidrogenasa 1 familia, miembro de B1 (ALDH1B1), genes nucleares proteína mitocondrial de codificación, ARNm	8.8 Abajo	4.89E-05
10	NM_033136	Homo sapiens del factor de crecimiento de fibroblastos 1 (ácido) (FGF1), variante de transcripción 2, ARNm	8.8 Abajo	6.22E-05
15	AK000075	ADNc Homo sapiens FLJ20068 fis, clon COL01755	8.8 Abajo	1.85E-05
20	NM_018659	Homo sapiens citoquinas proteína similar a CI 7 (CI 7), ARNm	8.77 Abajo	7.06E-05
25	AK055334	ADNc Homo sapiens FLJ30772 fis, clon FEBRA2000757, moderadamente similar al Homo sapiens BM-009 ARNm	8.59 Abajo	5.63E-06
30	NM_003979	Homo sapiens receptor de acoplados a proteínas G, familia C, grupo 5, miembro A (GPCR5A), ARNm	8.53 Abajo	4.21E-06
35	NM_014243	Homo sapiens una desintegrina y metaloproteasa (tipo reprotisina) con trombospondina tipo 1 motivo, 3 (ADAMTS3), ARNm	8.5 Abajo	5.37E-05
40	CA437861	UI-H-DHO-aur-k-1-2-0 UI.s1 NCI_CGAP_DH0 ADNc Homo sapiens clon de UI-H-DHO-aur-k-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	8.44 Abajo	7.74E-05
45	NM_018663	Homo sapiens proteína de la membrana peroxisomal 2, 22 kDa (PXMP2), ARNm	8.43 Abajo	5.70E-04
50	AI953708	wq47d09.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2474417 3, secuencia de ARNm	8.39 Abajo	4.14E-05
55	BC034315	Homo sapiens hipotética proteína LOC90529, ARNm (ADNc clon IMAGE 4827425), que contiene errores de cambio de marco	8.37 Abajo	1.84E-04
60				
65				

ES 2 569 421 T3

5	CB115754	K-EST0159876 L8SCKO ADNc Homo sapiens clon L8SCKO-8-H08 5, secuencia de ARNm	8.36 Abajo	7.40E-06
10	NM_005026	Homo sapiens fosfoinositida-3-quinasa, catalítica, polipéptido delta (PIK3CD), ARNm	8.3 Abajo	1.40E-04
15	AL706653	DKFZp686E1 543_ri 686 (sinónimo: hlcc3) ADNc Homo sapiens clon DKFZp686E1543 5, secuencia de ARNm	8.28 Abajo	2.59E-05
20	M60502	ARNm profilagrina humana, 3 fin	8.28 Abajo	2.62E-05
25	NM_052997	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 30A (ANKRD3OA), ARNm	8.28 Abajo	4.24E-06
30	NM_020247	Homo sapiens chaperona, la actividad ABC1 de bcl complejo similar a (S. pombe) (CABC1), ARNm	8.26 Abajo	9.37E-06
35	NM_018076	Homo sapiens repetición armadillo que contiene 4 (ARMC4), ARNm	8.22 Abajo	4.95E-05
40	NM_007167	Homo sapiens proteína con dedos de zinc 258 (ZNF258), ARNm	8.22 Abajo	6.47E-04
45	NM_016613	Homo sapiens proteína hipotética DKFZp434L142 (DKFZp434L142), ARNm	8.21 Abajo	1.46E-05
50	NM_016542	Homo sapiens quinasa relacionada con MST3 y SOK1 (MST4), ARNm	8.19 Abajo	1.06E-04
55	NM_000581	Homo sapiens de glutatión peroxidasa 1 (GPXI), variante de transcripción 1, ARNm	8.18 Abajo	3.53E-04
60	AK092114	ADNc Homo sapiens FLJ34795fis, el clon NT2NE2005921	8.11 Abajo	3.10E-06
65	AK124776	ADNc Homo sapiens FLJ42786 fis, clon BRAWH3006761	8.11 Abajo	2.02E-05
	AK124702	ADNc Homo sapiens FLJ42712 nosotros, clon BRAMY3008044	8.1 Abajo	6.75E-06
	NM_003385	Homo sapiens visinina tipo 1 (VSNL1), ARNm	8.1	3.19E-

ES 2 569 421 T3

5	NM_030915	Homo sapiens probable ortólogo de ratón de la extremidad del brote y el gen de corazón (LBH), ARNm	8.09 Abajo	1.86E-05
10	CD723798	oj26f04.yl glándula lagrimal humano, sin amplificar: oj Homo sapiens clon de ADNc oj26f04 5, Secuencia de ARNm	8.08 Abajo	2.04E-04
	BE968596	601649770F1 NIH_MGC_74 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3933472 5, secuencia de ARNm	8.05 Abajo	2.29E-05
	AB023211	Homo sapiens ARNm para la proteína K1AA0994, cds parciales	8.05 Abajo	1.74E-04
15	NM_004045	Homo sapiens ATX1 proteína antioxidante 1 homólogo (levadura) (ATOX1), ARNm	8.02 Abajo	1.42E-04
20	AK074097	Homo sapiens ARNm para la proteína FLJ00168	7.99 Abajo	2.58E-04
25	NM_181718	Homo sapiens proteína hipotética LOC253982 (LOC253982), ARNm	7.98 Abajo	2.03E-04
30	NM_004154	Homo sapiens receptor P2Y pirimidinérgico, acoplado G-proteína, 6 (P2RY6), variante de transcripción 4, ARNm	7.94 Abajo	9.37E-06
	NM_014391	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 1 (cardiaco músculo) (ANKRD1), ARNm	7.92 Abajo	1.03E-04
35	NM_080659	Homo sapiens similar a RIKEN ADNc 2310030G06 gen (MGC14839), ARNm	7.89 Abajo	2.67E-05
40	NM_012319	Homo sapiens familia portadora de soluto 39 (transportador de cinc), miembro 6 (SLC39A6), ARNm	7.87 Abajo	4.83E-04
45	NM_139161	Homo sapiens migas homólogo 3 (Drosophila) (CRB3), variante de transcripción 2, ARNm	7.86 Abajo	2.20E-03
50	BX648299	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686J04125 (a partir del clon DKFZp686J04125)	7.85 Abajo	1.74E-05
55	H94320	yv18bl0.s1 Soares bazo hígado fetal 1NFLS Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 243067 3, secuencia de ARNm	7.84 Abajo	8.68E-05
60	NM_002423	Homo sapiens metaloproteinasas de matriz 7 (matrilisina, uterina) (MMP7), ARNm	7.83 Abajo	4.28E-04
65				

ES 2 569 421 T3

	AK058012	ADNc Homo sapiens FLJ25283 fis, clon STM06716	7.7 Abajo	5.51E-05
5	T56535	yb33g07.rl Stratagene bazo fetal (#937205) ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 73020 5, Secuencia de ARNm	7.69 Abajo	2.72E-05
	NM_002053	Homo sapiens proteína vinculante de guanilato 1, interferón-inducible, 67kDa (GBP1), ARNm	7.68 Abajo	9.91E-06
10				
	NM_001710	Homo sapiens factor B, properdina (BF), ARNm	7.64 Abajo	4.89E-05
15				
	AK12742	ADNc Homo sapiens FLJ4551 3 fis, clon BRTHA2021450	7.63 Abajo	8.90E-05
20				
	NM_016061	Homo sapiens yippee-similar a 5 (Drosophila) (YPEL5), ARNm	7.58 Abajo	5.26E-04
	NM_006855	Homo sapiens KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) retículo endoplasmático proteína del receptor de retención 3 (KDEL3), variante de transcripción 1, ARNm	7.57 Abajo	4.41E-04
25				
	A1311296	ta48dIO.x2 NCI CGAPLu25 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2047315 3, Secuencia de ARNm	7.55 Abajo	1.93E-04
	NM_003810	Homo sapiens factor de necrosis tumoral (ligando) superfamilia, miembro 10 (TNFSF10), ARNm	7.55 Abajo	4.68E-04
30				
	A1819863	wj45h05.xl NCI_CGAP_Lu19 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-0.2405817 3, Secuencia de ARNm	7.54 Abajo	2.62E-05
	NM_000076	Homo sapiens quinasa dependiente de ciclina inhibidor 1C (p57, Kip2) (CDKN1C), ARNm	7.53 Abajo	2.31E-05
35				
40				
	NM_003761	Homo sapiens asociada a vesículas de membrana proteína 8 (endobrevin) (VAMP8), ARNm	7.53 Abajo	6.69E-05
45				
	NM_003475	Homo sapiens cromosoma 11 marco de lectura abierto 13 (Cllorf13), ARNm	7.5 Abajo	1.89E-04
50				
	NM_198495	Homo sapiens familia CTAGE, miembro 4 (CTAGE4), ARNm	7.47 Abajo	2.61E-05
	AL117454	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp586J1717 (a partir del clon DKFZp586J1 717)	7.4 Abajo	2.32E-04
55				
	NM_025149	Homo sapiens hipotética proteína FLJ20920 (FLJ20920), ARNm	7.4 Abajo	1.67E-05
60				
	NM_002522	Homo sapiens pentraxina neuronal I (NPTX1), ARNm	7.37 Abajo	2.29E-05
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_002867	Homo sapiens RAB3B, miembro RAS oncogén la familia (RAB3B), ARNm	7.37 Abajo	3.28E-05
5	AK021637	ADNc Homo sapiens FLJII575fis, el clon HEMBA1003531	7.36 Abajo	4.12E-05
10	AL359058	Homo sapiens ARNm de longitud completa inserto de ADNc clon Euroimage 592473	7.35 Abajo	1.12E-05
15	AF108093	Homo sapiens gen IA-2, intrón 18	7.33 Abajo	5.57E-05
	AK026235	ADNc Homo sapiens: nos FLJ22582, clon HS102576	7.32 Abajo	1.55E-04
20	NM_022103	Homo sapiens proteína hipotética con dedos de cinc FLJ14O11 (FLJ14O11), ARNm	7.31 Abajo	6.09E-05
25	NM_001977	Homo sapiens glutamil aminopeptidasa (aminopeptidasa A) (ENPEP), ARNm	7.22 Abajo	9.96E-05
30	BX111520	BX111520 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998L1 5208; IMAGE: 141470, secuencia de ARNm	7.21 Abajo	7.14E-06
35				
40	NM_017456	Homo sapiens pleckstrin homología, Sec7 y dominios espiral de la bobina 1 (citohesina 1) (PSCD1), variante de transcripción 2, ARNm	7.2 Abajo	1.76E-03
45	NM_013962	Homo sapiens neoregulina 1 (NRGi), variante de transcripción GGF2, ARNm	7.19 Abajo	2.88E-04
50	S70348	Homo sapiens integrina beta 3 ARNm, cds parcial, alternativamente empalmados	7.18 Abajo	2.47E-05
55	U51694	HSU51694 humano normal de la encía hacia Homo sapiens ADNc, secuencia de ARNm	7.13 Abajo	6.48E-06
60	NM_001299	Homo sapiens calponina 1, básica, lisa, músculo (CNN1), ARNm	7.07 Abajo	2.91E-05
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_001785	Homo sapiens citidina deaminasa (CDA), ARNm	7.02 Abajo	3.22E- 05
5	NM_005296	Homo sapiens proteína G-receptor acoplado 23 (GPR23), ARNm	6.94 Abajo	1.65E- 04
10	NM_030594	Homo sapiens poliadenilación citoplasmática proteína de unión al elemento 1 (CPEB1), ARNm	6.94 Abajo	5.63E- 06
15	BX113144	BX113144 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998N07225; 4 IMAGE: 148038, secuencia de ARNm	6.93 Abajo	4.14E- 05
20	AB020640	ARNm de Homo sapiens para la proteína K1AA0833, cds parcial	6.91 Abajo	5.63E- 06
25	AF244571	Homo sapiens clon L49 HERV-K-T47-similar a secuencia larga de repetición terminal	6.86 Abajo	1.29E- 04
30	NM_005141	Homo sapiens fibrinógeno, B polipéptido beta (FGB), ARNm	6.85 Abajo	2.24E- 04
35	NM_053001	Homo sapiens proteína 2A-relacionados saltado y pico (OSR2), ARNm	6.84 Abajo	2.30E- 05
40	AA195727	zr33a09.rl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE:665176 5, Secuencia de ARNm	6.82 Abajo	2.73E- 05
	NM_001165	Homo sapiens IAP de bacUlovirus repetidas, que contiene 3 (BIRC3), variante de transcripción 1, ARNm	6.81 Abajo	2.02E- 04
	NM_005512	Homo sapiens glicoproteína A repeticiones predominantes (GARP), ARNm	6.81 Abajo	2.00E- 04
45	NM_000087	Homo sapiens nucleótidos cíclicos cerrada canal alfa 1 (CNGA1), ARNm	6.81 Abajo	5.65E- 05
50	NM_001993	Homo sapiens factor de coagulación III (tromboplastina, factor tisular) (F3), ARNm	6.74 Abajo	1.42E- 04
55	AF041210	Homo sapiens línea media 1 isoforma riñón fetal 3 (MID1) ARNm, cds parcial	6.73 Abajo	6.70E- 05
60	NM_001083	Homo sapiens 5A fosfodiesterasa, cGMP específico (PDE5A), variante de transcripción 1, ARNm	6.73 Abajo	7.71E- 06

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_012422	Homo sapiens proteína fosfatasa de tirosina, tipo no receptor (linfoide) (PTPN22), 11 variante transcripción 2, ARNm	6.72 Abajo	2.36E-05
10	NM_030965	Homo sapiens sialiltransferasa 7 ((alfa-N-acetilneuraminil-2,3-beta-galactosil-1,3) -N acetil galactosaminida alfa-2,6 sialiltransferasa) E (SIAT7E), ARNm	6.71 Abajo	3.90E-04
15	NM_000852	Homo sapiens glutationa S-transferasa pi (GSTP1), ARNm	6.7 Abajo	6.35E-05
20	BC04636	Homo sapiens calcio canal de gamma-subunidad de proteína similar a dependiente de la tensión, el ARNm 2 (clon de ADNc MGC: 50757 IMAGE: 5221396), cds completos	6.7 Abajo	1.38E-05
25				
30	NM_144569	SPOC dominio Homo sapiens que contiene 1 (SPOCD1), ARNm	6.66 Abajo	5.03E-05
35	NM_006058	Homo sapiens TNFAIP3 interacción de proteínas 1 (tnip1), ARNm	6.61 Abajo	1.01E-03
40	S54641	HZF-l6=Kruppel relacionado con gen de dedo de cinc homólogo {empalmados alternativamente} [humano, línea celular de hepatoblastoma, HEP-G2, ARNm, 2080 nt]	6.59 Abajo	6.25E-04
45				
50	NM_018023	Homo sapiens Yeats dominio que contiene 2 (YEATS2), ARNm	6.58 Abajo	5.94E-04
50	NM_002193	Homo sapiens inhibina, beta B (activina AB beta polipéptido) (INHBB), ARNm	6.56 Abajo	5.11E-05
55	NM_031426	Homo sapiens cromosoma 9 marco de lectura abierto 58 (C9orf58), variante de transcripción 1, ARNm	6.55 Abajo	4.93E-04
60	A1244954	cij93h05.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1867065 3, secuencia de ARNm	6.53 Abajo	5.14E-06
65				

ES 2 569 421 T3

5	BX537547	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686N164O (a partir del clon DKFZp686N1 640)	6.51 Abajo	1.44E-04
	NM_000981	Homo sapiens proteína ribosomal L19 (RPL19), ARNm	6.49 Abajo	1.39E-04
10	AK058012	ADNc Homo sapiens FLJ25283 nosotros, clon STM06716	6.48 Abajo	1.57E-05
15	NM_024563	Homo sapiens proteína hipotética FLJ14054 (FLJ14054), ARNm	6.48 Abajo	2.40E-04
20	NM_001843	Homo sapiens contactina 1 (CNTN1), variante de transcripción 1, ARNm	6.47 Abajo	1.91E-05
25	L07615	Neuropéptido humano del receptor Y Y1 (NPYY1) ARNm, exones 2-3 y cds completos	6.46 Abajo	2.22E-04
	NM_013322	Homo sapiens clasificación nexina 10 (SNX10), ARNm	6.44 Abajo	7.33E-05
30	NM_014333	Homo sapiens superfamilia de inmunoglobulina, miembro 4 (IGSF4), ARNm	6.41 Abajo	2.37E-05
35	NM_173549	Homo sapiens proteína hipotética FLJ39553 (FLJ39553), ARNm	6.41 Abajo	1.42E-05
40	BF509925	UI-H-B14-aph-1-c-0-0 UI si NCI_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3087355 3, 5 secuencia ARNm	6.39 Abajo	4.05E-05
	NM_003597	Homo sapiens TGFB respuesta de crecimiento temprano inducible 2	6.39 Abajo	1.22E-05
45	NM_152369	Homo sapiens proteína hipotética MGC45474 (MGC45474), ARNm	6.39 Abajo	3.75E-05
50	NM_144707	Homo sapiens prominina 2 (PROM2), el ARNm	6.38 Abajo	1.04E-04
55	NM_004086	Homo sapiens coagulación del factor C homólogo, coclina (Limulus polyphemus) (COCH), ARNm	6.37 Abajo	1.91E-05
60	NM_020127	Homo sapiens tuftelina 1 (TUFT1), ARNm	6.37 Abajo	2.93E-03
65	NM_000104	Homo sapiens citocromo P450, familia 1 subfamilia B, polipéptido 1 (CYP1B1), ARNm	6.35 Abajo	2.93E-03

ES 2 569 421 T3

	NM_206808	Homo sapiens beta similar a citrato liasa (CLYBL), variante de transcripción 2, ARNm	6.32 Abajo	5.22E-05
5	NM_003567	Homo sapiens cáncer de mama resistencia anti-estrógena 3 (BCAR3), ARNm	6.31 Abajo	1.39E-05
10	NM_003617	Homo sapiens regulador de señalización proteína G 5 (RGS5), ARNm	6.29 Abajo	2.36E-04
15	AK30181	ADNc Homo sapiens FLJ26671 fis, clon MPG03325	6.28 Abajo	6.69E-05
	NM_015954	Homo sapiens CGI-26 proteínas (CGI-26), ARNm	6.27 Abajo	2.50E-04
20	NM_001945	Homo sapiens receptor de toxina de la difteria (de crecimiento epidérmico de unión a heparina similar al factor de crecimiento factor de 45) (DTR), ARNm	6.27 Abajo	2.56E-03
25				
30	NM_000597	Homo sapiens proteína de unión al factor de crecimiento similar a la insulina 2, 36kDa (IGFBP2), ARNm	6.26 Abajo	2.29E-04
35				
	NM_020992	Homo sapiens dominio PDZ y LIM 1 (elfina) (PDLIM1), ARNm	6.25 Abajo	8.97E-05
40	NM_000576	Homo sapiens interleucina 1, beta (IL1B), ARNm	6.22 Abajo	2.34E-05
	NM_022818	Homo sapiens proteína asociada a los microtúbulos 1 cadena ligera 3 beta (MAP1LC3B), ARNm	6.22 Abajo	1.18E-03
45				
50	NM_001257	Homo sapiens cadherina 13, H-cadherina (corazón) (CDH13), ARNm	6.21 Abajo	4.57E-04
	A1697906	we18f06.xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2341475 3, secuencia de ARNm	6.21 Abajo	2.37E-05
55				
60	AK125695	ADNc Homo sapiens FLJ43707 fis, clon TESOP2001865	6.21 Abajo	1.16E-05
	NM_005725	Homo sapiens Tetraspan 2 (tspan-2), ARNm	6.21 Abajo	7.32E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	A1694344	wd45f11.x1 Soares_NFLTGBC Si Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2331117 3 similar a contiene MER13.bl MER13 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	6.2 Abajo	1.44E-04
10	NM_001333	Homo sapiens catepsina L2 (CTSL2), ARNm	6.19 Abajo	3.43E-04
15	AI623139	tu89b07.xl NCI_CGAP Gas4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-0.2258197 3, secuencia de ARNm	6.18 Abajo	1.38E-04
20	NM_006727	Homo sapiens cadherina 10, tipo 2 (T2-cadherina) (CDH10), ARNm	6.17 Abajo	6.43E-05
25	M80899	Proteína humana nueva AHNAK ARNm, secuencia parcial	6.16 Abajo	6.38E-04
30	NM_012213	Homo sapiens malonil-descarboxilasa-CoA (MLYCD), ARNm	6.15 Abajo	3.70E-05
35	NM_016651	Homo sapiens homólogo pulcro 1, antagonista de beta-catenina (Xenopus) (DACT1), ARNm	6.14 Abajo	6.41E-05
40	NM_000129	Homo sapiens factor de coagulación XIII, A1 polipéptido (F13A1), ARNm	6.14 Abajo	9.71E-06
45	NM_006472	Homo sapiens tioredoxina que interactúan las proteínas (TXNIP), ARNm	6.11 Abajo	1.43E-03
50	6U72709	UI-E-CRO-ach-e-12-0-UI.s1 UI-E-CR0 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CR0-ach-e-UI 3 secuencia de ARNm	6.09 Abajo	7.54E-05
50	AF070571	Homo sapiens clon 24739 secuencia de ARNm	6.04 Abajo	8.86E-05
55	NM_018120	Homo sapiens repetición de armadillo que contiene 1 (ARMC1), ARNm	6.02 Abajo	2.51E-03
60	CA414847	UI-H-EZO-bar-b-22-0-UI.s1 NCI_CGAP_Ch1 ADNc Homo sapiens clon de UI-H-EZO-bar-b-22-0-UI 3, secuencia de ARNm	6.02 Abajo	4.69E-05
60	AW474773	xyO6f1O.xl NCI_CGAP_Lyml2 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 2852395 3, secuencia de ARNm	6.01 Abajo	8.88E-05
65	NM_006851	Homo sapiens GLI patogénesis relacionada con 1 (glioma) (GLIPR1), ARNm	6.01 Abajo	2.98E-05

ES 2 569 421 T3

5	NM_024997	Homo sapiens factor activador de transcripción 7 proteína de interacción 2 (ATF7IP2), ARNm	6 Abajo	1.65E-04
10	NM_003932 T53523	Homo sapiens supresión de tumorigenicidad 13 (carcinoma de colon) (proteína de interacción Hsp70) (ST13), ARNm ya89hl 2.ri Stratagene placenta (# 937225) Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 68903 5, secuencia de ARNm	6 Abajo 5.99 Abajo	4.81E-04 1.60E-04
15	NM_016946	Homo sapiens FI1 receptor (FI 1 R), variante de transcripción 1, ARNm	5.99 Abajo	7.76E-04
20	AJ406941	Homo sapiens ARNm parcial para proteína asociada a queratina 4,9 (gen KRTAP4.9)	5.99 Abajo	1.74E-05
25	BF510493	UI-H-B14-apa-b-08-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub8 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3086558 3, secuencia de ARNm	5.93 Abajo	3.17E-05
30	AK094436	ADNc Homo sapiens FLJ37117 fis, clon BRACE2022270	5.92 Abajo	1.58E-04
35	NM_032873	Homo sapiens Cbl-proteínas que interactúan Sts-1 (STS-1), de ARNm	5.92 Abajo	1.67E-05
40	NM_015577	Homo sapiens ácido retinoico inducido 14 (RAI14), ARNm	5.91 Abajo	3.19E-03
45	NM_014702	Homo sapiens KIAAO4O8 (KIAAO4O8), ARNm	5.91 Abajo	5.11E-05
50	AB007940	ARNm Homo sapiens para proteína K1AA0471, cds parcial	5.88 Abajo	1.65E-04
55	NM_004479	Homo sapiens fucosiltransferasa 7 (alfa (1,3) fucosiltransferasa) (Fut7), ARNm	5.87 Abajo	3.82E-05
60	BC035599	Homo sapiens, clon IMAGE: 3871970, ARNm, cds parcial	5.86 Abajo	9.99E-05
65	NM_001332	Homo sapiens catenina familia (proteína asociada a cadherina), delta 2 (proteína relacionada con placofilina neuronal de repetición) (CTNND2), ARNm	5.84 Abajo	1.73E-05
	NM_001995	Homo sapiens acil-CoA sintetasa de cadena larga 1 miembro (ACSL1), ARNm	5.83 Abajo	4.26E-04
	NM_053039	Homo sapiens UDP familia glicosiltransferasa 2, B28 polipéptido (UGT2B28), ARNm	5.82 Abajo	4.93E-05
	BCO15108	Homo sapiens, similar a otoconina 90, el clon IMAGE: 4044247, ARNm	5.81 Abajo	5.63E-06

ES 2 569 421 T3

5	NM_002250	Homo sapiens pota.s1o intermedia / pequeña canal activado por calcio de conductancia, subfamilia N, miembro 4 (KCNN4), ARNm	5.8 Abajo	1.60E-05
10	AL117425	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp566L2O3 (a partir del clon DKFZp566L2O3)	5.76 Abajo	6.05E-05
15	NM_014867	Homo sapiens KIAAO711 gen producto (KIAAO711), ARNm	5.74 Abajo	7.24E-06
20	BM473823	AGENCOURT_6484255 NIH_MGC_72 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE:5538225 5, Secuencia de ARNm	5.73 Abajo	2.36E-05
25	NM_024558	Homo sapiens cromosoma 14 marco de lectura abierto 138 (C14orf138), ARNm	5.73 Abajo	8.48E-04
30	NM_005578	Homo sapiens dominio que contiene LIM socio preferido de translocación en lipoma (LPP), ARNm	5.71 Abajo	7.52E-05
35	AK124175	ADNc Homo sapiens FLJ42181 fis, clon THYMU2031368	5.7 Abajo	2.30E-03
40	NM_013281	Homo sapiens fibronectina ricos en leucina proteína transmembrana 3 (FLRT3), variante de transcripción 1, ARNm	5.69 Abajo	1.38E-05
45	AA689292	nv66cl1.s1 NCI_CGAP_GCB1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1234772 3, Secuencia de ARNm	5.69 Abajo	1.42E-04
50	NM_002622	Homo sapiens prefoldina 1 (PFDN1), ARNm	5.69 Abajo	1.69E-03
55	BM695043	UI-E-CL1-aez-k-1-8-0 UI.rl UI-E-CL1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CL1-aez-k-18-0-UI 5 secuencia de ARNm	5.68 Abajo	2.37E-03
60	NM_007145	Homo sapiens proteína con dedos de cinc 146 (ZNF146), ARNm	5.67 Abajo	6.48E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_004078	Homo sapiens cisteína y la proteína rica en glicina 1 (CSRP1), ARNm	5.67 Abajo	2.33E-04
10	N75271 AL353944	yz74h12.rl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens clon IMAGE 288839 5, secuencia de ARNm Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp761J1112 (a partir del clon DKFZp761J1112)	5.67 Abajo 5.66 Abajo	7.47E-05 3.88E-05
15	AL047960 AK131092	DKFZp586B0623_rl 586 (sinónimo: hutel) ADNc Homo sapiens clon DKFZp586B0623, secuencia de ARNm Homo sapiens ARNm de la proteína FLJ00307	5.63 Abajo 5.63 Abajo	1.65E-04 2.25E-04
20	NM_020808	Homo sapiens señal inducida por la proliferación asociada a 1 similar a 2 (SIPA1L2), ARNm	5.63 Abajo	8.36E-04
25	NM_003494	Homo sapiens disferlina, faja muscular de las extremidades 2B distrofia (autosómica recesiva) (DYSF), ARNm	5.6 Abajo	5.21E-05
30	NM_032883	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 100 (C200rfIOO), ARNm	5.58 Abajo	1.93E-05
35	NM_006722	Homo sapiens microftalmia asociada factor de transcripción (MITE), variante de transcripción 3, ARNm	5.57 Abajo	1.99E-04
40	NM_014978	Homo sapiens dominio VPS10 relacionados sortilina que contiene el receptor 3 (SORCS3), ARNm	5.57 Abajo	4.68E-05
45	BX110418	BX110418 NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens ADNc clon	5.56 Abajo	5.10E-05
50	NM_004087	IMAGp998C224149; IMAGE-0,1635405 Secuencia de ARNm Homo sapiens discos, gran homólogo 1 de (Drosophila) (DLG1), ARNm	5.56 Abajo	1.21E-04
55	NM_000561	Homo sapiens glutatión S-transferasa MI (GSTM1), variante de transcripción 1, ARNm	5.54 Abajo	5.63E-06
60	NM_006785	Homo sapiens tejido linfoide asociado a mucosa gen de translocación de linfoma 1 (MALT1), variante de transcripción 1, ARNm	5.53 Abajo	2.39E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_052839	Homo sapiens pannexina 2 (PANX2), el ARNm	5.52 Abajo	2.09E- 05
10	NM_025085	Homo sapiens coactivador transcripcional tubedown-100 (TBDN100), variante de transcripción 2, ARNm	5.51 Abajo	1.35E- 03
15	NM_024422	Homo sapiens desmocolina 2 (DSC2), variante de transcripción Dsc2a, ARNm	5.5 Abajo	7.12E- 05
20	NM_017448	Homo sapiens lactato deshidrogenasa C (LDHC), variante de transcripción 2, ARNm	5.5 Abajo	8.50E- 06
25	AK128036	ADNc Homo sapiens FLJ46155 fis, clon TESTI4001517, moderadamente similar a la queratina, tipo I del citoesqueleto 18	5.5 Abajo	2.58E- 03
30	NM_032623	Homo sapiens proteína ácida ovario-específica (OSAP), ARNm	5.47 Abajo	5.65E- 04
35	BX116347	BX116347 NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens ADNc clon IMAGp998B215967; IMAGE: 2401844, secuencia de ARNm	5.47 Abajo	1.65E- 04
40	NM_002031	Homo sapiens quinasa relacionada con Fyn (FRK), ARNm	5.45 Abajo	2.62E- 05
45	CA413744	UI-H-EZO-bat-h-12-0-UI.sl NCICGAPCh1 ADNc Homo sapiens clon UI-H-EZO-palo-h-12-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.45 Abajo	1.32E- 04
50	T78754	ydOlfO8.rl Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 24180 5 ,secuencia de ARNm	5.45 Abajo	1.14E- 04
55	NM_005082	Homo sapiens tripartita motivo que contiene 25 (TRIM25), ARNm	5.44 Abajo	4.71E- 04
60	NM_032857	Homo sapiens lactaARNse, beta (LACTB), gen mitocondrial que codifica la proteína nuclear variante de transcripción 1, ARNm	5.43 Abajo	6.74E- 04

65

ES 2 569 421 T3

5	NM_173662	Homo sapiens proteína hipotética LOC285533 (LOC285533), ARNm	5.43 Abajo	1.72E-04
10	NM_002166	Homo sapiens inhibidor de la unión al ADN 2, dominante negativo de proteína hélice-bucle-hélice (1D2), ARNm	5.43 Abajo	2.13E-04
15	NM_000593	Homo sapiens transportador 1, de unión a ATP de cassette, subfamilia B (MDRITAP) (TAP1), ARNm	5.42 Abajo	5.84E-04
20	BM988642	UI-H-DHO-arx-p-21-0-UI.s1 NCI_CGAP_DHO ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5855492 3, secuencia de ARNm	5.42 Abajo	2.89E-05
25	NM_024901	Homo sapiens proteína hipotética FLJ22457 (FLJ22457), ARNm	5.41 Abajo	4.87E-04
30	NM_017823	Homo sapiens fosfatasa de especificidad dual 23 (DUSP23), ARNm	5.41 Abajo	5.55E-04
35	BX107838	BX107838 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens ADNc clon IMAGp998A153853; IMAGE: 1521686, secuencia de ARNm	5.39 Abajo	2.44E-04
40	AW172903	xjO5eO4.xl NCI_CGAP_Ut2 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-0.2656350 3, secuencia de ARNm	5.39 Abajo	1.67E-05
45	BX111321	BX111321 Soares_pregnant_uterus_NbHPU Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998C221112; IMAGE: 469197, secuencia de ARNm	5.39 Abajo	1.46E-03
50	NM_033211	Homo sapiens hipotético gen apoyado por AF038182; B0009203 (LOC90355), ARNm	5.38 Abajo	1.15E-04
55	D62831	HUM33OB12B Clontech humana aorta poli A + ARNm (# 6572) Homo sapiens clon de ADNc GEN-330B12 5, Secuencia de ARNm	5.37 Abajo	5.80E-03
60	NM_001069	Homo sapiens tubulina, polipéptido beta (TUBB), ARNm	5.36 Abajo	4.71E-04
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_004324	Homo sapiens proteína X asociada a BCL2 (BAX), variante de transcripción de beta, ARNm	5.36 Abajo	8.14E-04
10	AV736303	AV736303 CB ADNc Homo sapiens clon CBCAJDO4 5, secuencia de ARNm	5.36 Abajo	4.51E-05
15	AK131532	ADNc Homo sapiens FLJ16761 fis, clon BRAMY3008096	5.34 Abajo	9.55E-05
20	NM_020859	Homo sapiens proteína relacionada con Shroom (ShrmL), ARNm	5.34 Abajo	1.21E-04
25	NM_002575	Homo sapiens serina (o cisteína) inhibidor de proteinasa, clade B (ovoalbúmina), miembro 2 (SERPINB2), ARNm	5.34 Abajo	8.70E-05
30	NM_017599	Homo sapiens proteínas transmembrana vezatin (VEZATIN), ARNm	5.33 Abajo	6.62E-04
35	BX116071	BX116071 Soares_pregnant_uterus_NbHPU ADNc Homo sapiens clon 1MAGp998L201165 IMAGE: 489763, secuencia de ARNm	5.33 Abajo	1.39E-04
	NM_024677	Homo sapiens proteína hipotética FLJ14001 (FLJ14001), ARNm	5.32 Abajo	5.07E-06
40	AL832779	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686H157 (a partir del clon DKFZp686H157)	5.32 Abajo	4.37E-04
45	NM_002547	Homo sapiens oligofrenina 1 (OPHN1), el ARNm	5.32 Abajo	5.03E-05
50	NM014322	Homo sapiens opsina 3 (encefalopsina panopsina) (OPN3), ARNm	5.3 Abajo	4.04E-04
55	NM_003057	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 22 (orgánica cación transportador), miembro 1 (SLC22A1), variante de transcripción 1, ARNm	5.29 Abajo	1.92E-04
60	BM969191	UI-CF-ENO-acp-e-22-0-UI.s1 UI-CF-ENO Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-ENO-acp-e-22-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.28 Abajo	4.06E-04
	S69208	Troponina T [humana, músculo esquelético y cardíaco, ARNm, 932 nt]	5.28 Abajo	7.73E-04
65	NM_031216	Homo sapiens SEH1 similar a (S. cerevisiae) (SEH1L), ARNm	5.27 Abajo	1.17E-03

ES 2 569 421 T3

	NM_002967	Homo sapiens factor de unión al andamiaje B (SAFB), ARNm	5.27 Abajo	5.52E- 04
5	NM_002843	Homo sapiens proteína fosfatasa de tirosina, tipo receptor, J (PTPRJ), ARNm	5.27 Abajo	5.63E- 06
10	NM_018664	Homo sapiens Jun de proteínas de dimerización p21SNFT (SNFT), ARNm	5.27 Abajo	3.06E- 05
15	NM_020944	Homo sapiens glucosidasa, beta (ácidos biliar) 2 (GBA2), ARNm	5.25 Abajo	3.07E- 04
	BM987200	UI-H-COO-aql-b-05-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub9 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 3104192 3, secuencia de ARNm	5.24 Abajo	8.03E- 05
20	NM_023915	Homo sapiens G receptor acoplado a proteína 87 (GPR87), ARNm	5.23 Abajo	2.05E- 04
25	NM_015678	Homo sapiens neurobeaquina (NBEA), ARNm	5.23 Abajo	2.95E- 05
	NM_004438	Homo sapiens receptores EPH A4 (EphA4), ARNm	5.22 Abajo	1.93E- 05
30	NM_002206	Homo sapiens integrina alfa 7 (ITGA7), ARNm	5.22 Abajo	2.36E- 05
	AW591461	xl92h06.xl NCI_CGAP_Ut1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2682203 3, Secuencia de ARNm	5.22 Abajo	7.14E- 05
35	AK056033	ADNc Homo sapiens FLJ31471 fis, clon NT2NE2001435	5.19 Abajo	3.29E- 04
40	NM_018235	Homo sapiens CNDP dipeptidasa 2 (familia de metalopeptidasa M20) (CNDP2), ARNm	5.19 Abajo	3.74E- 03
45	AV728294	AV728294 HTC ADNc Homo sapiens clon HTCBIE09 5, secuencia de ARNm	5.19 Abajo	3.05E- 04
50	NM_024725	Homo sapiens proteína hipotética FLJ23518 (FLJ23518), ARNm	5.18 Abajo	2.56E- 03
55	NM_001874	Homo sapiens carboxipeptidasa H (CPM), variante de transcripción 1, ARNm	5.18 Abajo	4.89E- 05
60	W30761	zb76g12.rl Soares_senescent_fibroblasts_NbHSF Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 309574 5, Secuencia de ARNm	5.15 Abajo	1.61E- 04

65

ES 2 569 421 T3

5	BM741997	K-EST0014724 S7SNU719 Homo sapiens ADNc clon S7SNU719-7-F05 5, secuencia de ARNm	5.14 Abajo	1.15E-02
10	NM_017594	Homo sapiens familia DIRAS, de unión a GTP similar a 2 RAS (DIRAS2), ARNm	5.14 Abajo	1.38E-03
15	NM_022343	Homo sapiens cromosoma 9 marco de lectura abierto 19 (C9orf19), ARNm	5.13 Abajo	2.67E-05
20	NM_003287	Homo sapiens proteína tumoral D52-1 similar a (TPD52L1), variante de transcripción 1, ARNm	5.13 Abajo	2.71E-05
25	BCO67106	Homo sapiens receptor putativo de proteína G acoplada, ARNm (ADNc clon MGC: 71222 IMAGE-0,6645890), cds completos	5.12 Abajo	2.13E-04
30	NM_181828	Homo sapiens neurofibromina 2 (neuroma de bilateral acústico) (NF2), variante de transcripción 5, ARNm	5.12 Abajo	1.99E-03
35				
40	NM_005264	Homo sapiens GDNF receptor de la familia de alfa 1 (GFRA1), variante de transcripción 1, ARNm	5.11 Abajo	4.23E-05
45	AK092157	ADNc Homo sapiens FLJ34838 fis, clon NT2NE2010654	5.11 Abajo	6.46E-05
50	NM_022912	Homo sapiens cromosoma 2 marco de lectura abierto 23 (C2orf123), ARNm	5.09 Abajo	5.42E-05
55	NM_052937	Homo sapiens similar a la proteína hipotética FLJ10883 (LOC115294), ARNm	5.09 Abajo	1.38E-04
60	BM665452	UI-E-CQ1-aex-n-03-0-UI.sl UI-E-CQ1 Homo sapiens clon de ADNc UI-E-CQ1-aex-n-03-0-UI 3, Secuencia de ARNm	5.08 Abajo	3.24E-04
60	NM_003831	Homo sapiens RIO quinasa 3 (levadura) (RIOK3), variante de transcripción 1, ARNm	5.08 Abajo	1.64E-04
65	NM_181689	Homo sapiens neuronatina (NNAT), variante de transcripción 2, ARNm	5.08 Abajo	7.40E-06

ES 2 569 421 T3

	BC033124	Homo sapiens, clon IMAGE: 2960615, ARNm	5.07 Abajo	3.52E- 05
5	NM_016003	Homo sapiens WIPI49-similar a la proteína 2 (DKFZP434J154), variante de transcripción 2, ARNm	5.07 Abajo	6.36E- 03
10	BC038556	Homo sapiens, clon IMAGE: 3446976, ARNm	5.06 Abajo	2.32E- 04
15	AW069577	cr47c06.xl Células estromales humanas de la médula ósea homo sapiens clon de ADNc HBMSC_cr47c06 3, secuencia de ARNm	5.06 Abajo	2.08E- 03
20				
25	NM_000055	Homo sapiens butirilcolinesterasa (BCHE), ARNm	5.05 Abajo	1.20E- 05
30	NM_005602	Homo sapiens claudina 11 (proteína transmembrana de oligodendrocitos) (CLDN11), ARNm	5.04 Abajo	7.46E- 04
35	NM_030952	Homo sapiens ortólogo probable de rata quinasa de proteína activada por SNF1/AMP (SNARK), ARNm	5.03 Abajo	8.60E- 05
40	AK092379	ADNc Homo sapiens FLJ35060 fis, clon OCBBF2018828	5.03 Abajo	1.67E- 05
45	AK095013	ADNc Homo sapiens FLJ37694 fis, clon BRHIP2015224	5.01 Abajo	1.87E- 04
50	NM-145234	Homo sapiens cordina tipo 1 (CHRDL1), ARNm	5.01 Abajo	1.11E- 05
55	NM_199287	Homo sapiens similar a RIKEN ADNc 3110023B02 (MGC16597), ARNm	5 Abajo	9.27E- 05
60	NM_025151	Homo sapiens RAB11 proteínas de interacción de familia 1 (clase I) (RAB11FIP1), variante de transcripción 1, ARNm	5 Abajo	4.32E- 05
65				

TABLA VII G: GENES QUE SE EXPRESARON DIFERENCIALMENTE EN AL MENOS 5 VECES EN AF-11 FRENTE A CÉLULAS AF-III

5	Identificador de gen	Nombre de gen	Cambio de pliegue medio en células de fibroblasto versus AF	Dirección	P-valor adj.
10	NM_003411	Homo sapiens proteínas dedo de cinc, Y-vinculada (ZFY), ARNm			328.28 UP 1.97E-06
15	NM_153634	Homo sapiens copina VIII (CPNE8), ARNm			286.5 UP 6.16E-06
	H70730	yu69e10.r1 Weizmann olfativa del epitEl1o Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 239082 5, Secuencia de ARNm			272.44 UP 1.97E-06
20	NM_138963	Homo sapiens proteína ribosomal S4, Y-vinculado 2 (RPS4Y2), ARNm			265.55 UP 1.56E-06
25	NM_004653	Homo sapiens SMCY homólogo, Y ligado a (ratón) (SMCY), ARNm			246.17 UP 1.00E-06
30	NM_004660	Homo sapiens DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) cuadro polipéptido 3, vinculado-Y (DDX3Y), ARNm			244.93 UP 1.17E-05
35	NM_012307	Homo sapiens membrana de los eritrocitos proteína banda de 4.1 similar a 3 (EPB41L3), ARNm			207.61 UP 1.83E-06
40	BX089554	BX089554 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens ADNc clon IMAGp998P07210; IMAGE: 142326, secuencia de ARNm			119.7 UP 2.95E-06
45	NM_001008	Homo sapiens proteína ribosomal S4, Y- vinculada 1 (RPS4Y1), ARNm			112.79 UP 2.02E-05
50	NM_014893	Homo sapiens neurologina 4, Y-vinculada (NLGN4Y), ARNm			93.96 UP 9.61E-06
	NM_182798	Homo sapiens proteína hipotética FLJ39155 (FLJ39155), variante de transcripción 2, ARNm			71.46 UP 1.36E-05
55	NM_080872	Homo sapiens unc-5 homólogo D (C. elegans) (UNC5D), ARNm			48.16 UP 5.41E-05
	BX648643	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686O17106 (a partir del clon 3 DKFZp686017106)			47.84 UP 2.95E-06
60	NM_002928	Homo sapiens regulador de la proteína G de señalización 16 (Rgs16), ARNm			47.75 UP 2.99E-05

65

ES 2 569 421 T3

	AB037805	Homo sapiens ARNm de la proteína KIAA1384, cds parcial	45.54 UP	7.68E- 06
5	NM_031862	Homo sapiens componente de la membrana, cromosoma 17, marcador de superficie 2 (de ovario carcinoma de antígeno CAL 25) (M17S2), variante de transcripción 3, ARNm	44.02 UP	5.15E- 05
10				
15	CA429135	UI-H-FH1-bfh-k-22-0-UI.sl ADNc NCI_CGAP_FH1 Homo sapiens5 clon UI-H-FH1-BFH-k-22-0-UI 3, secuenciade ARNm	43.87 UP	2.90E- 06
20	BC04341	Homo sapiens, clon IMAGE: 6155889, ARNm	42.03 UP	6.97E- 06
25	NM_004681	Homo sapiens traducción eucariótica factor de iniciación 1A, Y-vinculada (EIF1AY), ARNm	41.7 UP	2.24E- 04
30	NM_181481	Homo cromosoma 18 marco de lectura abierto 1 (Cl8orf1) sapiens, variante de transcripción, ARNm	39.6 UP	9.61E- 06
35	BE465760	hw22f09.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3183689 3, secuencia de ARNm	39.51 UP	1.50E- 05
40	NM_002667	Homo sapiens prohibición fosfolamban (PLN), ARNm	37.56 UP	1.87E- 05
45	AK098071	ADNc Homo sapiens FLJ40752 fis, clon TRACH2000972	34.71 UP	1.02E- 04
50	NM_001864	Homo sapiens citocromo c oxidasa subunidad Vila polipéptido 1 (músculo) (COX7A1), ARNm	33.43 UP	1.08E- 06
55	AF055376	Homo sapiens factor de transcripción breve formulario C-MAF (c-maf) ARNm, cds completos	32.71 UP	9.41E- 04
60	NM_004932	Homo sapiens cadherina 6, tipo 2, K cadherina (riñón fetal) (CDH6), ARNm	31.51 UP	1.37E- 05
65				

ES 2 569 421 T3

5	NM_002515	Homo sapiens ventral antígeno 1 (Nova1), variante de transcripción neuro-oncológica 1, ARNm	30.4 UP	1.97E- 06
10	NM_018349	Homo sapiens dominios C2 múltiples con dos regiones de transmembrana 2 (MCTP2), ARNm	29.49 UP	1.68E- 05
15	NM_000990	Homo sapiens proteína ribosomal L27a (RPL27A), ARNm	28.23 UP	4.25E- 04
20	BX111353	BX111353 NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp9980094576; 3 IMAGE: 1869152, cromosoma	27.4 UP	3.27E- 06
25	NM_032576	Homo sapiens cromosoma Y marco de lectura abierto 15B (1 CYorf 5B), ARNm	27.08 UP	3.10E- 06
30	NM_020997	Homo sapiens factor de determinación izquierda-derecha 1 (Lefty1), ARNm	26.55 UP	1.42E- 05
35	NM_006408	Homo sapiens anterior gradiente de 2 homólogo (Xenopus laevis) (AGR2), ARNm	25.93 UP	2.36E- 05
	BQ924832	AGENCOURT_8840265 Lupski_sciatic_nerve ADNc Homo sapiens clon IMAGE 6205036 5, Secuencia de ARNm	24.29 UP	2.00E- 06
	NM_019000	Homo sapiens proteína hipotética FLJ20152 (FLJ20152), ARNm	23.73 UP	7.10E- 05
40	BC03565	Homo sapiens proteína hipotética LOC285835, ARNm (clon de ADNc 6 IMAGE: 5588650), cds parcial	23.25 UP	1.82E- 06
	A1032876	ow13g03.xl Soares_parathyroid_tumor_NbHPA ADNc Homo sapiens clon IMAGE.- 1646740 3, secuencia de ARNm	22.96 UP	5.20E- 06
45	NM_001305	Homo sapiens claudina 4 (CLDN4), ARNm	21.95 UP	3.72E- 04
50	BX089554	BX089554 Soares placenta Nb2HP Homo sapiens ADNc clon IMAGp998P07210; 4 IMAGE: 142326, secuencia de ARNm	20.73 UP	2.00E- 06
55	CF137545	UI-HF-BNO-ane-d-05-0-UI.rl NIH_MGC_50 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3092384 5, secuencia de ARNm	20.24 UP	7.57E- 05
	CB047092	NISC_gfO8fO3.xl NCI_CGAP Kid12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-.3253013 3, secuencia de ARNm	20.2 UP	4.77E- 06
60	NM_005114	Homo sapiens heparán sulfato (glucosamina) 3-0-sulfotransferasa 1 (HS3ST1), ARNm	19.91 UP	2.92E- 05
65	BQ430788	Agencourt_7776027 NIH_MGC_68 ADNc Homo sapiens clon 8 IMAGE: 6024295 5, secuencia de ARNm	19.78 UP	9.59E- 04

ES 2 569 421 T3

5	AK024238	Homo sapiens ADNc FLJ14176 fis, clon NT2RP2003101	19.33 UP	2.32E- 05
10	NM_001001931	Homo sapiens supresor de tumor mitocondrial 1 (MTUS1), el gen que codifica la proteína nuclear mitocondrial, la variante de transcripción 4, ARNm	18.91 UP	2.90E- 06
15	NM_152423	Homo sapiens melanoma asociado a antígeno (mutado) 1 tipo 1 (MUM1L1), ARNm	18.66 UP	1.97E- 06
20	BX113590	BX113590 Soares_fetal_heart_NbHH19W Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998A14871 IMAGE: 376597, secuencia de ARNm	18.22 UP	3.83E- 05
25	NM_002518	Homo sapiens dominio PAS neuronal 1 (CSRP1), ARNm	17.82 UP	3.88E- 05
30	AK128715	ADNc Homo sapiens FLJ46882 fis, clon UTERU3015844	17.2 UP	1.17E- 03
35	AA738254	nxl3bO2.s1 NCI_CGAP_GC3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE:1255947 3, secuencia de ARNm	16.61 UP	6.24E- 06
40	NM_003381	Homo sapiens vasoactivo péptido intestinal (VIP), variante de transcripción 1, ARNm	16.44 UP	5.33E- 06
45	A1951740	wv38h09.xl NCI_CGA_Ov18 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2531873 3, secuencia de ARNm	14.99 UP	6.49E- 03
50	NM_006393	Homo sapiens nebUlette (NEBL), variante de transcripción 1, ARNm	14.87 UP	1.84E- 03
55	NM_000963	Homo sapiens prostaglandina-endoperoxido sintasa 2 (prostaglandina G/H sintasa y la ciclooxigenasa) (PTGS2), ARNm	14.83 UP	3.02E- 03
60	H89053	yw24c06.rl Morton fetal cóclea Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 253162 5, secuencia de ARNm	14.76 UP	6.87E- 03

65

ES 2 569 421 T3

5	D86975	Homo sapiens ARNm para el gen KIAA0222, cds parcial	14.7 UP	2.87E- 04
10	AA102553	zn26a04.sl Estralagene neuroepitelio NT2RAMI 937.234 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 548526 3, secuencia de ARNm	13.56 UP	2.86E- 04
15	AK096708	ADNc Homo sapiens FLJ39389 fis, clon PLACE6003621	13.38 UP	2.90E- 05
20	BM685124	UI-E-EJ1-ajl-l-13-0-UI.sl UI-E-EJ1 Homo sapiens clon de ADNc de UI-E-EJ1-ajl-l-1-3-0 UI 3, secuencia de ARNm	12.74 UP	2.49E- 04
25	A1220066	qg84dOI xl Soares_NFL_T_GBC_S1 clon de ADNc Homo sapiens IMAGE: 1841857 3, secuencia de ARNm	12.47 UP	1.90E- 04
30	A1342246	qt26g09.xl Soares_pregnantuterus_NbHPU Homo sapiensADNc clon IMAGE: 1949152 3,secuencia de ARNm	12.29 UP	7.15E- 04
35	NM_024501	Homo sapiens caja homeo DI (HOXD1), ARNm	12.11 UP	9.73E- 06
40	NM_016307	Homo sapiens homeobox relacionado emparejado 2 (PRRX2), ARNm	12 UP	9.50E- 04
45	AB020691	ARNm Homo sapiens para la proteína K1AA0884, cds parcial	11.69 UP	1.47E- 04
50	BE295468	601174523F1 NIH_MGC_17 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3529924 5, Secuencia de ARNm	11.64 UP	1.47E- 03
55	BU951469	in60a05.x3 HR85 islote ADNc Homo sapiens clon IMAGE 6126249 3, secuencia de ARNm	11.37 UP	3.28E- 05
60	NM_198174	Homo sapiens factor de transcripción CP2 similar a 4 (TFCP2L4), variante de transcripción 3, ARNm	11.26 UP	3.35E- 05
65	NM_002421	Homo sapiens metaloproteinasas de matriz 1 (colagenasa intersticial) (MMP1), ARNm	11.12 UP	5.10E- 04
	NM_145313	Homo sapiens RasGEF dominio de familia, miembro de 1A (RASGEF1A), ARNm	10.64 UP	2.38E- 05

ES 2 569 421 T3

5	NM_000901	Homo sapiens subfamilia de receptores nucleares 3, el grupo C, miembro 2 (NR3C2), ARNm	10.62 UP	3.93E- 06
10	AL552527	AL552527 Homo sapiens PLACENTA COT 25 normalizada ADNc Homo sapiens clon CSODIO67YL24 3-PRIME, Secuencia de ARNm	10.61 UP	3.88E- 03
15	NM_052954	Homo sapiens rico en cisteína y la tirosina 1 (CYR1), ARNm	10.58 UP	7.22E- 05
20	AF519622	Homo sapiens secuencia de ARNm no codificante	10.39 UP	1.49E- 04
25	NM_006681	Homo sapiens neuromedina U (NMU), ARNm	10.37 UP	2.92E- 05
30	W93585	zd95g0l.s1 Soares_fetal_heart NbHH19W Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 357264 3, secuencia de ARNm	10.27 UP	2.01E- 04
35	BX105152	BX105152 Soares_testis_NHT Homo sapiens ADNc clon IMAGp998J212575; IMAGE: 1031156, secuencia de ARNm	9.89 UP	4.37E- 05
40	AV709232	AV709232 ADC ADNc Homo sapiens clonADCAJB11 5, secuencia de ARNm	9.89 UP	1.56E- 04
45	W69644	zd45f10.rl Soares cardíaca fetal NbHH19W Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 343627 5, secuencia de ARNm	9.89 UP	1.90E- 05
50	NM_001878	Homo sapiens proteína de unión de ácido retinoico celular 2 (CRABP2), ARNm	9.82 UP	2.65E- 04
55	NM_152754	Homo sapiens dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio corto básico, secretada, (semaforina) 3D (SEMA3D), ARNm	9.78 UP	6.57E- 04
60	BE877764	601486331FI NIH_MGC_69 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 3888943 5, secuencia de ARNm	9.59 UP	1.90E- 04
65	AK025909	ADNc Homo sapiens: FLJ22256 fis, clon HRC02860	9.52 UP	8.65E- 05
	NM_015559	Homo sapiens SET proteína de unión 1 (SETBP1), ARNm	9.3 UP	3.69E- 04

ES 2 569 421 T3

5	AI493349	tg7OfO4.xl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2114143 3, secuencia de ARNm	9.21 UP	1.86E- 05
10	AK129955	ADNc Homo sapiens FLJ26445 fis, clon KDN02608	9.2 UP	1.41E- 04
15	BX098521	BX098521 Soares bazo hígado fetal 1NFLS ADNc Homo sapiens clon IMAGp998L05118; IMAGE: 123412, secuencia de ARNm	9.06 UP	9.68E- 04
20	AK094292	ADNc Homo sapiens FLJ36973 fis, clon BRACE2006249	9.05 UP	3.44E- 05
25	AK095776	ADNc Homo sapiens FLJ38457 fis, clon FEBRA2020400	8.98 UP	1.13E- 05
30	NM_018242	Homo sapiens proteína hipotética FLJ10847 (FLJ10B47), ARNm	8.98 UP	8.02E- 04
	AW006864	Homo sapiens wsl5dO4.xl NCI_CGAP_Kid11 cDNA clon IMAGEN: 2497255 3, secuencia de ARNm	8.93 UP	1.50E- 05
	BX103846	BX103846 Homo sapiens NCI_CGAP_Lu24 clon de ADNc IMAGp998F125811; IMAGEN: 2342027, secuencia de ARNm	8.89 UP	1.38E- 04
	NM_024422	Homo sapiens desmocolina 2 (DSC2), variante de transcripción Dsc2a, ARNm	8.84 UP	3.19E- 05
35	NM_032471	Homo sapiens proteína quinasa (cAMP dependiente, catalítica) beta inhibidor (PKIB), variante de transcripción 3, ARNm	8.77 UP	1.35E- 03
	AK124778	ADNc Homo sapiens FLJ42788 fis, clon BRAWH3007129	8.62 UP	4.29E- 04
40	H25898	y155b10.rl Soares mama 3NbHBst ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 162139 5, secuencia de ARNm	8.52 UP	1.29E- 04
	NM_015564	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina transmembrana neuronal 2 (LRRTM2), ARNm	8.5 UP	3.01E- 03
	A1126888	qb95d06.xl Soares_fetal_heart_NbHH19W Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1707851 3, secuencia de ARNm	8.5 UP	6.30E- 05
45	BC042028	Homo sapiens, clon IMAGE: 4794726, ARNm	8.46 UP	3.65E- 02
50	NM_006561	Homo sapiens repetición de triplete CUG, ARN proteína de unión a 2 (CUGBP2), ARNm	8.37 UP	2.52E- 03
55	NM_004675	Homo sapiens ras homólogo familia de genes, miembro I (ARHI), ARNm	8.36 UP	4.99E- 04
	BE503916	hz35gOl.xl NCI_CGAP_GC6 Homo sapiens ADNclon IMAGE: 3210000 3, secuencia de ARNm	8.3 UP	1.00E- 05
	NM_207446	Homo sapiens hipotético gen apoyado por AK075564; BC060873 (LOC400451), ARNm	8.28 UP	2.72E- 05
	AK091731	ADNc Homo sapiens FLJ3441 2 fis, clon HEART2002432	8.08 UP	9.36E- 05
60	NM_002261	Homo sapiens receptor de células asesinas de lectina subfamilia C, 3 miembro (KLRC3), variante de transcripción NKG2-E, ARNm	8.07 UP	2.69E- 04

65

ES 2 569 421 T3

	NM_005079	Homo sapiens de proteína tumoral D52 (TPD52), ARNm	7.97 UP	4.79E- 05
	NM_001353	Homo sapiens aldo-ceto reductasa familia 1, miembro de CI (dihidrodiol deshidrogenasa 1; 20-alfa (alfa-3) hidroxiesteroide deshidrogenasa) (AKR1C1), ARNm	7.88 UP	3.67E- 04
5	A1830524	wh52c02.xl NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 2384354 3, secuencia de ARNm	7.82 UP	1.23E- 03
	BX648207	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp686E16168 (a partir del clon DKFZp686E16168)	7.82 UP	9.59E- 04
10	AW043793	wy76d11.x1 Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2554485 3 similar a contiene el elemento repetitivo MER18 elemento ;, secuencia de ARNm	7.79 UP	4.64E- 05
	N63415	yy6OdO4.s1 Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 277927 3 similar a contiene L1.b3 L1 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	7.76 UP	1.14E- 03
15	NM_002260	Homo sapiens receptor de células asesinas de lectina subfamilia C, miembro 2 (KLRC2), ARNm	7.76 UP	3.65E- 04
	NM_004848	Homo sapiens cromosoma 1 marco de lectura abierto 38 (Ciof38), ARNm	7.75 UP	5.34E- 04
20	NM_024993	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina transmembrana neuronal 4 (LRRTM4), ARNm	7.53 UP	3.35E- 05
	A1821210	neO8eO5.y5 NCI_CGAP_Co3 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 880640 5, secuencia de ARNm	7.51 UP	5.58E- 04
	BM664445	UI-E-CL1-afa-p-05-0-UI.si UI-E-CLI Homo sapiens clon de ADNc IJI-E-CL1-AFA-p-05-05 UI 3, secuencia ARNm	7.4 UP	5.30E- 04
25	NM_019644	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 7 (ANKRD7), ARNm	7.39 UP	2.24E- 04
	BU620793	UI-H-FLI-bfx-d-1-0-0-UI.s1 NCI_CGAP_FL1 ADNc Homo sapiens clon, UI-H-FL1-bfx-d-10-0-UI.s1 secuencia de ARNm	7.35 UP	1.13E- 05
30	NM_002246	Homo sapiens canal de potasio, subfamilia K, miembro 3 (KCNK3), ARNm	7.31 UP	1.68E- 05
	NM_031442	Homo sapiens transmembrana 4 miembro de la superfamilia 10 (TM4SF10), ARNm	7.13 UP	2.31E- 03
	BX092501	BX092501 NCI_CGAP_Lu5 Homo sapiens ADNc clon IMAGp998K143946; IMAGE: 1557637, secuencia de ARNm	7.12 UP	1.69E- 03
35	NM_177949	Homo sapiens que contiene repeticiones armadillo, vinculados a X 2 (ARMCX2), ARNm	7.09 UP	9.21E- 03
	NM_018376	Homo sapiens nipsnap homólogo 3B (C. elegans) (NIPSNAP3B), ARNm	7.03 UP	2.53E- 02
40	AK093762	ADNc Homo sapiens FLJ36443 fis, clon THYMU2012891	7.02 UP	1.23E- 03
	NM_018658	Homo sapiens potasio inwardly- rectificación de canal, subfamilia J, miembro 16 (KCNJ16), variante de transcripción 1, ARNm	7.01 UP	6.28E- 04
45	AB032945	Homo sapiens ARNm para KIAA1119 proteínas, cds parciales	6.98 UP	1.11E- 04
	NM_031894	Homo sapiens ferritina, pesado polipéptido como 17 (FTHL17), ARNm	6.97 UP	3.42E- 03
	AW139891	UI-H-BI1-ae-e-a-12-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub3 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 2719006 3, secuencia de ARNm	6.96 UP	3.35E- 05
50	AK124562	ADNc Homo sapiens FLJ42571 fis, clon BRACE3008036	6.9 UP	2.57E- 05
	NM_001935	Homo sapiens dipeptidil peptidasa 4 (CD26, adenosina deaminasa de complejos proteína 2) (DPP4), ARNm	6.9 UP	1.08E- 03
55	A1686652	tu35d06.xl NCI_CGAP_Pr28 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2253035 3, secuencia de ARNm	6.87 UP	4.03E- 06
	NM_184087	Homo sapiens tripartito motivo que contienen 55 (TRIM55), variante de transcripción 4, ARNm	6.85 UP	1.68E- 05
	NM_002089	Homo sapiens quimiocina (motivo C-X-C) ligando 2 (CXCL2), ARNm	6.81 UP	9.44E- 05
60	NM_016831	Homo sapiens periodo homólogo 3 (Drosophila) (PER3), ARNm	6.81 UP	6.24E- 06
	NM_002515	Homo sapiens neuro-oncológica ventral antígeno 1 (Nova1), variante de transcripción 1, ARNm	6.79 UP	4.79E- 05
65	BC012900	Homo sapiens, clon IMAGE: 3881549, ARNm	6.77 UP	1.84E- 02

ES 2 569 421 T3

	NM_052923	Homo sapiens proteínas con dedos de zinc 452 (ZNF452), ARNm	6.75 UP	2.98E-03
5	NM_021800	Homo sapiens DnaJ (Hsp40) homólogo, subfamilia C, elemento 12 (DNAJC12), variante de transcripción 1 ARNm	6.73 UP	5.46E-04
	AK056882	ADNc Homo sapiens FLJ32320 fis, clon PR0ST2003537	6.71 UP	9.55E-04
	BF700684	602128672F1 NIH_MGC_56 Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 4285673 5, ARNm	6.7 UP	4.03E-06
10	NM_144664	Homo sapiens proteína hipotética MGC33371 (MGC33371), ARNm	6.66 UP	1.64E-03
	AL832779	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686H157 (a partir del clon DKFZp6S6H157)	6.62 UP	8.14E-05
15	NM_018371	Homo sapiens condroitina betal, 4 N-acetilgalactosaminiltransferasa (ChGn), ARNm	6.6 UP	6.54E-04
	NM_014399	Homo sapiens transmembrana 4 miembro de la superfamilia 13 (TM4SF13), ARNm	6.56 UP	9.52E-03
20	AA748762	nyOGhIO.sl NCLCGAP_GCB1 Homo sapiens ADNc clon IMAGE.-1271011 3, secuencia 2 ARNm	6.54 UP	3.49E-03
25	AF21607	Homo sapiens clon de HB-2 secuencia de ARNm	6.5 UP	4.90E-05
	AA043255	zk49f07.s1 Soares_pregnant_uterus_NbHPU Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 486181 3, secuencia de ARNm	6.49 UP	5.44E-04
30				
	NM_152864	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 58 (C20orf58), ARNm	6.44 UP	2.32E-03
35	NM_032866	Homo sapiens Cingulin tipo 1 (CGNL1), ARNm	6.4 UP	3.69E-03
	AK054990	ADNc Homo sapiens FLJ 30428 fis, clon BRACE2008941	6.37 UP	3.89E-05
	NM_138961	Homo sapiens adhesión de células endoteliales molécula (ESAM), ARNm	6.35 UP	2.70E-04
40	A1244954	qj93h05.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 1867065 3, secuencia de ARNm	6.27 UP	3.90E-05
	NM_019850	Homo sapiens factor de intercambio de nucleótidos de guanina neuronal (NGEF), ARNm	6.25 UP	4.99E-04
45	NM_007361	Homo sapiens nidogen 2 (osteonidogen) (NID2), ARNm	6.15 UP	7.03E-03
	NM_000170	Homo sapiens glicina deshidrogenasa (descarboxilación; descarboxilasa glicina, glicina proteína del sistema de escisión P) (GLDC), ARNm	6.13 UP	2.12E-05
50	BG572039	602592506F1 NIH_MGC_79 Homo sapiens clon de ADNcIMAGE: 4719888 5, secuencia de ARNm	6.09 UP	1.13E-05
	NM_005795	Homo sapiens calcitonina similar al receptor de (CALCRL), ARNm	6.03 UP	3.13E-02
	BQ26780	ij94e04.xl Homo sapiens insulinoma humano clon de ADNcIMAGE: 5779278 3, secuencia de ARNm	6.02 UP	6.53E-04
55	BC036223	Homo sapiens, clon IMAGE: 5272183, ARNm	6 UP	3.15E-04
	NM_004370	Homo sapiens colágeno, tipo XII, alfa 1 (COL12A1), variante de transcripción de largo, de ARNm	5.96 UP	1.14E-02
60	NM_005360	Homo sapiens v-maf hornolog músculo-oncogén fibrosarcoma (aviar) (MAF) ARNm	5.95 UP	2.41E-03
	AB033048	Homo sapiens ARNm proteína KIAA1222, cds parcial	5.94 UP	3.49E-04
	NM_017786	Homo sapiens proteína hipotética FLJ20366 (FLJ20366), ARNm	5.93 UP	2.24E-04
65				

ES 2 569 421 T3

	AW515114	xu9Igl1.xl NCI_CGAP_Ut2 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE:2809124 3, secuencia de ARNm	5.92 UP	1.11E-04
5	AK098543	ADNc Homo sapiens FLJ25677 fis, clon TST04054	5.84 UP	4.99E-03
	NM_004235	Homo sapiens Kruppel como factor de 4 (intestino) (KLF4), ARNm	5.83 UP	6.54E-04
	A1335277	tb29h06.xl NCI_CGAP_Kid12 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE:2055803 3, secuencia de ARNm	5.81 UP	1.24E-04
10	AK095004	ADNc Homo sapiens FL J37685 fis, clon BRHIP2013972	5.76 UP	3.79E-03
	B0007156	UI-H-EI1-azc-k-08-0-UI.sl NCI_CGAP_EI1 clon de ADNc Homo sapiens IMAGE: 5846911 3, secuencia de ARNm	5.68 UP	1.24E-04
15				
	NM_016824	Homo sapiens adducina 3 (gamma) (Add3), variante de transcripción 1, ARNm	5.68 UP	6.32E-04
20	AA994330	ou33h05.sl Soares_NFLJ_GBC_S1 clon de ADNc Homo sapiens IMAGE: 1628121 3, secuencia de ARNm	5.67 UP	9.57E-05
	NM_016946	Homo sapiens FI 1 receptor (FI 1 R), variante transcripción 1, ARNm	5.65 UP	7.59E-05
	NM_005308	Homo sapiens G receptor acoplado a proteína quinasa 5 (GRK5), ARNm	5.63 UP	7.59E-05
25	BG389328	602413981 FI NIH_MGC_92 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4522269 5, secuencia de ARN	5.61 UP	1.31E-04
	CN371168	17000600077294 GRN_PREHEP Homo sapiens ADNc 5, secuencia de ARNm	5.57 UP	1.94E-02
30	AK021531	ADNc Homo sapiens FLJ11469 fis, clon de HEMBA1001658	5.56 UP	7.81E-03
	NM_001853	Homo sapiens colágeno, tipo IX, alfa 3 (COL9A3), ARNm	5.56 UP	6.94E-05
	BC037929	Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 5284659, cds parcial	5.56 UP	9.99E-04
35	A1086279	oz4OhOl.sl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1677841 3, secuencia de ARNm	5.54 UP	1.20E-03
	BF433479	7q53g05.xl NCI_CGAP_Lu24 Homo sapiens ADNclon IMAGE: 3702320 3 similar a TR: Q9Y7P8 Q9Y7P8 PROTEÍNA HIPOTETICA 11,7 KD;, secuencia de ARNm	5.48 UP	1.23E-04
40	A1024717	ov68h06.xl Soares_testis_NHT Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 1642523 3, secuencia de ARNm	5.46 UP	1.59E-04
	NM_033082	Homo sapiens citoquina inducida por la proteína 29 kDa (CIP29), ARNm	5.45 UP	9.59E-04
45	W56431	zc57f06.rl Soares_parathyroid_tumor_NbHPA ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 326435 5, secuencia de ARNm	5.42 UP	3.76E-04
	NM_144587	Homo sapiens cromosoma 10 marco de lectura abierto (CIOorf87), ARNm	5.41 UP	1.47E-04
	BX101489	BX101489 Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens ADNc clon IMAGp998O1 65825; IMAGE: 2347623, secuencia de ARNm	5.37 UP	1.71E-05
50	NM_014059	Homo sapiens gen de respuesta de complemento 32 (RGC32), ARNm	5.32 UP	1.48E-04
	A1939617	tm62e06.x5 NCI_CGAP_Brn25 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2162722 3, secuencia de ARNm	5.3 UP	1.84E-03
55	NM_004951	Homo sapiens gen inducido por virus de Epstein-Barr 2 (proteína G de linfocitos específicos de receptores acoplados) (EBI2), ARNm	5.3 UP	8.80E-04
	AK095053	ADNc Homo sapiens FLJ37734 fis, clon BRH1P2020842	5.3 UP	2.53E-04
60	NM_024420	Homo sapiens fosfolipasa A2, grupo IVA (citosólica, dependiente de calcio) (PLA2G4A), ARNm	5.3 UP	1.56E-02
	NM_018013	Homo sapiens proteína hipotética FLJ1O159 (FLJ1O159), ARNm	5.29 UP	2.12E-05
	BX101850	BX101850 Soares cerebro infantil 1NIB Homo sapiens ADNc clon 1MAGp998M14139; IMAGE: 26298, secuencia de ARNm	5.25 UP	7.59E-05
65				

ES 2 569 421 T3

5	C18094	C18094 placenta humana ADNc (TFujiwara) Homo sapiens clon de ADNc GEN-557D07 5, secuencia de ARNm	5.23 UP	1.00E- 05
10	BU634332	IU-H-FL1 -bgx-k-02-0-UI.sl NCI_CGAP_FL1 ADNc Homo sapiens 2 Clon de IU-H-ELi -bgx-k-02-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.22 UP	2.86E- 04
15	A1033863	ow10e02.xl Soares_parathyroid_tumor_NbHPA Homo sapiens ADNcclon IMAGE: 1646426 3, secuencia de ARNm	5.18 UP	4.89E- 03
20	BG570144	602591134F1 NiftMGC_77 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4717761 5, secuencia de ARNm	5.18 UP	4.36E- 04
25	NM_018427	Homo sapiens RRN3 ARN polimerasa I de factor de transcripción homólogo (levadura) 27 (RRN3), ARNm	5.17 UP	1.68E- 03
	BX48620	DKFZp686J07250_rl 686 (sinónimo: hlcc3) clon de ADNc Homo sapiens DKFZp686J07250 5, secuencia de ARNm	5.14 UP	1.31E- 03
	NM_014936	Homo sapiens ectonucleotide pirofosfatasa / fosfodiesterasa 4 (supuesta función) (ENPP4), ARNm	5.14 UP	3.43E- 04
30	AF086134	Homo sapiens longitud completa inserto del clon de ADNc ZA881306	5.14 UP	4.00E- 04
	NM_001847	Homo sapiens colágeno, tipo IV, alfa 6 (COL4A6), variante de transcripción A, ARNm	5.12 UP	1.03E- 03
35	AK095726	ADNc Homo sapiens FLJ 38407 fis, clon FEBRA2008859	5.1 UP	1.35E- 04
	BQO013869	UI-1-BC1p-alg-a-03-0-UI.sl NCI_CGAP_PI3 ADNc Homo sapiens clon UI-1-BC1p-alg-a-03-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.09 UP	1.42E- 05
	NM_207303	Homo sapiens attractin tipo 1 (ATRNL1), ARNm	5.04 UP	4.36E- 04
40	CB047287	NISC_gg01h01.yl NCI_CGAP_Kidl1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 3253464 5, secuencia de ARNm	5.04 UP	1.16E- 03
	NM_002423	Homo sapiens metaloproteinasas de la matriz 7 (matrilisina, uterina) (MMP7), ARNm	5.02 UP	6.94E- 05
45	AW262623	xq93c06.xl NCI_CGAP_Brn53 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2758186 3, secuencia de ARNm	5.02 UP	3.19E- 05
	NM_013259	Homo sapiens transgelin 3 (TAGLN3), variante de transcripción 1, ARNm	5.01 UP	8.63E- 04
50	D52654	HUMO84DO2B Clontech cerebro fetal humano ARNm poliA + (# 6535) ADNc Homo sapiens clon GEN-084D02 5, secuencia de ARNm	449.36 Abajo	9.61E- 06
	NM_006475	Homo sapiens periostina, osteoblastos específica de los factores (POSTN), ARNm	293.88 Abajo	9.16E- 05
	NM_006439	Homo sapiens MAB-21-como 2 (C. elegans) (MAB21L2), ARNm	199.11 Abajo	3.53E- 05
55	NM_017805	Homo sapiens que interactúan las proteínas Ras 1 (RASIP1), ARNm	153.9 Abajo	9.55E- 05
	NM_006169	Homo sapiens nicotinamida N-metil transferasa (NNMT), ARNm	91.55 Abajo	1.57E- 05
60	AB067499	Homo sapiens ARNm proteína para KIAA1912, cds parcial	69.67 Abajo	1.13E- 05
	NM_007084	Homo sapiens SRY (región determinante del sexo Y) -BOX 21 (Sox21), ARNm	55.37 Abajo	8.65E- 05
	NM_032026	Homo sapiens TatD DNasa dominio que contiene 1 (TATDN1), ARNm	52.52 Abajo	2.24E- 04
65	NM_017819	Homo sapiens ARN (guanina-9-) dominio metiltransferasa que contiene 1 (RG9MTD1), ARNm	47.78 Abajo	2.09E- 04

ES 2 569 421 T3

	NM_032883	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 100 (C20orf100), ARNm	45.19	8.58E-05
5	BQ375716	QV2-TNO173-021100-454-g06 TNO173 ADNc Homo sapiens, secuencia de ARNm	44.03	1.41E-04
	BC037316	Homo sapiens, clon IMAGE: 5259432, ARNm	34.66	2.12E-05
	BC042378	Homo sapiens, IMAGE-.5277693, clon ARNm	32.65	6.44E-04
10	NM_018894	Homo sapiens contiene EGF-como fibulin extracelular proteína de la matriz 1 (efemp1), variante de transcripción 2, ARNm	30.19	2.74E-05
	NM_033050	Homo sapiens succinato receptor 1 del (SUCNR1), ARNm	30.08	1.95E-04
15	NM_152694	Homo sapiens dedo de zinc de, dominio CCHC que contiene 5 (ZCCHC5), ARNm	29.85	7.57E-05
	NM_052997	Homo sapiens repetición de anquirina dominio 30A (ANKRD30A), ARNm	28.91	5.75E-04
	AK026784	ADNc Homo sapiens: FLJ23131 fis, clon LNG08502	27.95	8.14E-05
20	NM_001885	Homo sapiens cristalina, alfa B (CRYAB), ARNm	26.31	5.48E-05
	NM_005602	Homo sapiens claudina II (oligodendrocitos proteína transmembrana) (CLDN11), ARNm	23.71	1.13E-05
25	NM_001442	Homo sapiens ácidos grasos proteína de unión 4, adipocito (FABP4), ARNm	23.48	4.05E-04
	NM_021614	Homo sapiens canal activado por calcio de conductancia de potasio intermedio / pequeño, N subfamilia, miembro 2 (KCNN2), variante de transcripción 1, ARNm	23.14	9.61E-06
30				
35	AK123875	ADNc Homo sapiens FLJ41881 nosotros, clon OCBBF2O21833	22.73	9.17E-05
	R44402	yg37aOi.sl Soares cerebro infantil 1 NIB Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 34639 3similar a contiene MER35 elemento repetitivo,secuencia de ARNm	22.27	2.38E-05
40				
45	AK095013	ADNc Homo sapiens FLJ37694 fis, clon BRHIP2015224	20.95	9.77E-04
	NM_002185	Homo sapiens receptor de interleucina 7 (IL7R), ARNm	20.88	4.62E-04
50	NM_016212	Homo sapiens proteínas TP53TG3 (TP53TG3), ARNm	20.63	6.56E-05
	NM_152737	Homo sapiens proteína hipotética MGC33993 (MGC33993), ARNm	19.89	6.16E-06
	BF002489	7h07e07.xl NCI_CGAP_Co16 Homo sapiens clon ADNc IMAGE:3315300 3, secuencia de ARNm	19.88	8.65E-05
55	NM_005525	Homo sapiens hidroxisteroide (11-beta) deshidrogenasa 1 (HSD11B1), variante de transcripción 1, ARNm	18.27	3.53E-05
	AF318382	Homo sapiens ARNm pp9974, cds completo	17.67	3.89E-05
60	BX115825	BX115825 Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998C1 34603; IMAGE: 1879236, secuencia de ARNm	17.5	1.67E-04
	NM_000612	Homo sapiens similar a la insulina factor de crecimiento 2 (somatomedina A) (IGF-2), ARNm	16.41	4.79E-05
	AK092114	ADNc Homo sapiens FLJ34795 fis, clon N12NF2005921	16.29	2.18E-
65				

ES 2 569 421 T3

	NM_001175	Homo sapiens Rho PIB disociación inhibidor (GDI) beta (ARHGDIB), ARNm	15.57	4.62E-
	AF052115	Homo sapiens clon 23688 secuencia de ARNm	15.11	1.03E-
5	CD677332	hol5fO6.yl malla trabecular humana ADNc: hohphq ADNc Homo sapiens clon ho15f06 5, secuencia de ARNm	14.89	8.06E-
	NM_018077	Homo sapiens ARN proteínas de motivo vinculante 28 (RBM28), ARNm	14.72	9.00E-
10	NM_000735	Homo sapiens hormonas de glicoproteína, polipéptido alfa (CGA), ARNm	14.51	2.62E-
	N49730	yz06al2.sl Soares_multiple_sclerosis_2NbHMSP ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 282238 3 similar a Alu contiene elemento repetitivo; contiene elemento PTR5 elemento repetitivo ;, secuencia de ARNm	13.53	2.76E-
15	NM_006350	Homo sapiens follistatina (FST), variante de transcripción FST317, ARNm	13.34	2.53E-
	AK055518	ADNc Homo sapiens FLJ30956 fis, clon FICASM2000202	13.09	2.63E-
20	NM_016147	Homo sapiens proteína fosfatasa metil esterasas 1 (PME-1), ARNm	13.04	1.84E-
	NM_032457	Homo sapiens BH-protocadherin (corazón brain) (PCDH7), variante de transcripción c, ARNm	13.01	7.57E-
25	BX648299	Homo sapiens ARNm: ADNc DKFZp686J04125 (a partir del clon DKFZp686J04125)	12.94	1.82E-
	BC034315	Homo sapiens proteína hipotética L0C90529, ARNm (clon de ADNc 5 IMAGE: 4827425), que contiene errores de cambio de marco	12.94	2.72E-
30	AA195328	zr34f08.sl Soares_NhHMPu_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 665319 3, secuencia de ARNm	12.73	7.59E-
	A1082507	ox55c02.sl Soares_total_fetus_NB2hF8_9w ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 1660226 3, secuencia de ARNm	12.67	5.54E-
35	NM_015714	Homo sapiens linfocitos putativo GO / Gi gen interruptor (GOS2), ARNm	12.17	7.45E-
	BM992049	UI-H-DF1-auf-e-22-0-UI.sl NCI_CGAP_DF1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5868669 3, secuencia de ARNm	12.09	8.65E-
	NM_016428	Homo sapiens ABI familia de genes, miembro 3 (ABI3), ARNm	12.02	3.62E-
40	BQ027989	UI-H-CO0-arg-e-03-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub9 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 1 310661 3, secuencia de ARNm	11.97	7.10E-
	NM_152782	Homo sapiens Sad1 y UNC84 dominio que contiene 1 (SUNC1), ARNm	11.76	6.37E-
45	CD723798	oj26f04.yl glándula lacrimal humana, no amplificada: oj ADNc Homo sapiens clon oj26f04 5, secuencia de ARNm	11.66	1.59E-
	NM_033136	Homo sapiens factor de crecimiento de fibroblastos 1 (ácido) (FGF1), variante de transcripción 2, ARNm	11.19	5.11E-
	BU688263	UI-CF-EC1-aea-g-11-0-UJ.sl UI-CF-EC1 Homo sapiens clon de ADNc UI-CF-EC1-aea-g-1 1-0-UI 3, secuencia de ARNm	11.07	2.89E-
50	NM_014391	Homo sapiens dominio de repetición de anquirina 1 (músculo cardíaco) (ANKRD1), ARNm	11.05	9.03E-
	NM_023915	Homo sapiens receptor de proteína G- acoplada a 87 (GPR87), ARNm	10.71	4.91E-
55	NM_025239	Homo sapiens muerte celular programada 1 ligando 2 (PDCD1LG2), ARNm	10.6	1.03E-
	NM_003392	Homo sapiens-tipo sin alas MMTV familia del sitio de integración, miembro 5A (WNT5A), ARNm	10.52	1.11E-
	NM_030899	Homo sapiens de proteína de dedos de zinc 323 (ZNF323), ARNm	10.28	1.90E-
60	NM_001554	Homo sapiens rica en cisteína, inductor angiogénico, 61 (CYR61), ARNm	10.27	5.12E-
	AB002333	ARNm humano para el gen KIAA0335, cds parcial	10.22	4.90E-
	NM_005233	Homo sapiens receptores EPH A3 (EphA3), variante de transcripción 1, ARNm	10.14	2.91E-
65			Abajo	03

ES 2 569 421 T3

	NM_024600	Homo sapiens cromosoma 16 marco de lectura abierto 30 (C16orf130), ARNm	10.11	3.10E-03
	NM_032638	Homo sapiens proteína de unión a GATA 2 (GATA2), ARNm	9.99	2.21E-04
5	U79271	Clones humanos 23920 y 23921 secuencia de ARNm	9.88	5.41E-05
	NM_017448	Homo sapiens deshidrogenasa láctica C (LDHC), variante de transcripción 2, ARNm	9.74	2.07E-04
10	NM_001299	Homo sapiens calponina 1, básico, liso muscular (cnn1), ARNm	9.63	3.67E-04
	A1939462	t123h06.x5 NCI_CGAP_Brn23 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE:2097083 3, secuencia de ARNm	9.62	8.51E-05
	NM_178834	Homo sapiens layilina (LOC143903), ARNm	9.59	1.13E-05
15	AF269088	Homo sapiens antígeno de cáncer de mama NY-BR-1.1 ARNm, cds parcial	9.42	2.10E-03
	NM_001945	Homo sapiens difteria toxina del receptor (de unión a heparina epidérmica factor de crecimiento similar a factor de crecimiento) (DTR), ARNm	9.37	2.21E-02
20	NM_004791	Homo sapiens integrina, beta tipo 1 (con dominios repeticiones similar a EGF) (ITGBL1), ARNm	9.24	2.86E-04
	NM_000682	Homo sapiens adrenérgico, alfa-2B, receptor (ADRA2B), ARNm	9.19	9.68E-04
25	NM_012242	Homo sapiens Dickkopf homólogo 1 (Xenopus laevis) (DKK1), ARNm	9.18	2.05E-03
	NM_001998	Homo sapiens fibulina 2 (FBLN2), variante de transcripción 2, ARNm	9.07	5.02E-04
	BG165745	602344592F1 NIH_MGC_89 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 4454470 5, secuencia de ARNm	9.04	1.30E-03
30	D29453	HUMNK566 queratinocito epidérmico humano Homo sapiens clon de ADNc de 566, secuencia de ARNm	8.93	2.86E-04
	CD723006	ojl6hO2.yl glándula lagrimal humana, no amplificada: oj ADNc Homo sapiens clon ojl6hO2 5, secuencia de ARNm	8.93	9.36E-05
35	NM_178550	Homo sapiens proteína hipotética MGC48998 (MGC48998), ARNm	8.87	3.76E-04
	NM_016201	Homo sapiens similar a angiomotina 2 (AMOTL2), ARNm	8.62	2.48E-02
	AW291775	UI-H-B12-agv-h-04-0-UI.s1 NCI_CGAP_Sub4 ADNc Homo sapiens clon IMAGE 2725855 3, secuencia de ARNm	8.5	3.03E-03
40	NM_152703	Homo sapiens cromosoma 7 marco de lectura abierto 6 (C7orf6), ARNm	8.38	1.58E-04
	NM_001843	Homo sapiens contactina 1 (CNTN1), variante de transcripción 1, ARNm	8.32	5.41E-05
45	AL117454	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp586J1717 (a partir del clon DKFZp586J1717)	8.26	5.79E-05
	BX092004	BX092004 NCI_CGAP_Kid11 Homo sapiens ADNcclon IMAGp998B195924; IMAGE:2385330, secuencia de ARNm	8.18	4.67E-04
	NM_145201	Homo sapiens similar al gen CG3714 producto (PP3856), ARNm	8.16	1.64E-03
50	BX537698	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZp686FO9i66 (a partir del clon 8 DKFZp686FO9166)	8.15	7.27E-04
	NM_203418	Homo sapiens síndrome Abajo crítico región del gen 1 (DSCR1), variante de transcripción 3, ARNm	8.12	2.96E-02
55	NM_024423	Homo sapiens desmocolina 3 (DSC3), variante de transcripción Dsc3b, ARNm	7.93	2.54E-03
	AK093529	ADNc Homo sapiens FLJ36210 fis, clon THYMU2000155	7.9	9.50E-04
	AK131532	ADNc Homo sapiens FLJ16761 fis, clon BRAMY3008O96	7.89	1.84E-03
60	NM_032511	Homo sapiens cromosoma 6 marco de lectura abierto 168 (C6orf168), ARNm	7.42	3.49E-03
65	NM_002521	Homo sapiens péptido natriurético precursor B (NPPB), ARNm	7.4	4.45E-03

ES 2 569 421 T3

	BU626326	UI-H-DFO-bet-p-17-0-UI.sl NCI_CGAP_DF0 ADNc Homo sapiens clon UI-H-DFO-bet-p-1 7-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.34	7.03E-05
	NM_001144	Homo sapiens autocrina factor de motilidad del receptor (AMFR), variante de transcripción 1, ARNm	7.33	1.03E-03
5	NM_001541	Homo sapiens proteína de choque térmico 27kDa 2 (HSPB2), ARNm	7.32	3.96E-03
	NM_005069	Homo sapiens homólogo de una sola dirección 2 (Drosophila) (SIM2), variante de transcripción SIM2, ARNm	7.31	1.23E-03
	AI937359	wp76c02.xl NCI_CGAP_Brn25 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 2467682 3, secuencia de ARNm	7.31	1.96E-03
10	NM_015345	Homo sapiens activador desgreñado asociado a morfogénesis 2 (DAAM2), ARNm	7.29	2.18E-05
	NM_000089	Homo sapiens colágeno tipo I, alfa 2 (COL1A2), ARNm	7.25	6.07E-03
15	NM_015150	Homo sapiens proteína de unión a balsa (RAFTLIN), ARNm	7.24	2.87E-03
	BX113319	BX113319 NCI_CGAP_Gas4 Homo sapiens clon de ADNc 1MAGp998G205398; IMAGE-0,2184619, Secuencia de ARNm	7.24	1.28E-03
20	NM_199329	Homo sapiens familia de transportadores de soluto 43, miembro 3 (SLC43A3), ARNm	7.19	2.31E-03
	AV702977	AV702977 ADB ADNc Homo sapiens clon ADBCVD08 5, secuencia de ARNm	7.11	5.21E-05
	NM_024512	Homo sapiens repeticiones ricas en leucina que contiene 2 (LRRC2), ARNm	7.09	2.65E-04
25	NM_017655	Homo sapiens dominio PDZ proteínas GIPC2 (GIPC2), ARNm	7.06	2.04E-04
	NM_014477	Homo sapiens cromosoma 20 marco de lectura abierto 10 (C200rf10), ARNm	7.05	4.10E-03
30	NM_002559	Homo sapiens receptores purinérgicos P2X, canales iónicos activados por ligando, 3 (P2RX3), ARNm	7.03	4.63E-03
	BM976385	UI-CF-EN1-acz-f-03-0-UI.s1 UI-CF-EN1 ADNc Homo sapiens clon de UI-CF-EN1-acz-f-03-0-UI 3, secuencia de ARNm	7.01	9.77E-04
	BX648323	ARNm Homo sapiens; ADNc DKFZp686K10163 (a partir del clon DKFZp686K10163)	6.94	8.05E-04
35	BC008580	Homo sapiens, clon IMAGE:4179986, ARNm, cds parcial	6.93	5.41E-05
	NM_007034	Homo sapiens DnaJ (Hsp40) homólogo, subfamilia B, miembro 4 (DNAJB4), ARNm	6.72	2.98E-02
40	AW025556	wu07gl0.xl NCI_CGAP_Kid3 Homo sapiens clon de ADNclIMAGE: 2528034 3, secuencia de ARNm	6.7	2.31E-03
	NM_003514	Homo sapiens histona 1, H2am (HIST1H2AM), ARNm	6.7	9.11E-03
	NM_032603	Homo sapiens lisil similar a oxidasa 3 (LOXL3), ARNm	6.65	2.58E-03
45	AW172652	xj8Of06xl Soares_NFL_T_GBC_S1 Homo sapiens clon ADNc IMAGE: 2663555 3, secuencia de ARNm	6.62	2.17E-04
	NM_006350	Homo sapiens follistatina (FST), variante de transcripción FST317, ARNm	6.57	7.59E-05
50	BQ018586	T I-H-DH1-awu-c-08-0-UI.s1 NCI_CGAP_DH1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5823679 3, secuencia de ARNm	6.43	3.44E-03
	BF448158	nae30hl2.xl Lupski_sympathetic_trunk ADNc Homo sapiens clon IMAGE:4090607 3, secuencia de ARNm	6.43	8.65E-05
	NM_001557	Homo sapiens interleucina 8 receptores, beta (IL8RB), ARNm	6.38	2.96E-03
55	NM_002166	Homo sapiens inhibidor de la unión de ADN 2, proteína dominante de hélice-bucle-hélice negativa (LD2), ARNm	6.37	2.10E-03
60	NM_080671	Homo sapiens canal de voltaje de potasio, familia relacionada Isk, miembro 4 (KCNE4), ARNm	6.36	1.17E-02
	BM712945	UI-E-EJO-ahi-c-16-0-UI.rl UI-E-EJO Homo sapiens clon de ADNc UI-E-EJO-ahi-c-16-0-UI 5, secuencia de ARNm	6.33	3.62E-04
65	BM991890	UI-H-DF1-auk-h-02-0-UI.sl NCI_CGAP_DF1 ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 5870641 3, secuencia de ARNm	6.32	8.14E-05

ES 2 569 421 T3

	NM_017823	Homo sapiens doble especificidad fosfatasa 23 (DUSP23), ARNm	6.26 Abajo	9.36E-03
	NM_032461	Homo sapiens, familia de SPANX miembro B1 (SPANXB1), ARNm	6.26 Abajo	5.62E-03
5	NM_006027	Homo sapiens exonucleasa I (EXO1), variante de transcripción 1, ARNm	6.26 Abajo	7.81E-03
	NM_003545	Homo sapiens histona 1, H4e (HIST1H4E), ARNm	6.19 Abajo	7.48E-03
10	NM_001451	Homo sapiens caja de cabeza de horquilla FI (FOXF1), ARNm	6.17 Abajo	1.02E-03
	NM_001955	Homo sapiens endotelina 1 (EDN1), ARNm	6.16 Abajo	2.54E-03
	NM_003617	Homo sapiens regulador de proteína G de señalización 5 (RGS5), ARNm	6.07 Abajo	9.24E-03
15	NM_021103	Homo sapiens timosina beta 10 (TMSB10), ARNm	6.06 Abajo	2.32E-02
	NM_001424	Homo sapiens proteína de membrana epitelial 2 (EMP2), ARNm	6.06 Abajo	2.23E-03
20	BG354579	CDCA6 división de ciclo celular asociada de gen de expresión de ADNc humano 6 bibliotecas Homo sapiens clon de ADNc de 407614, secuencia de ARNm	5.96 Abajo	1.40E-03
	BM665452	IU-E-CQ1 -aex-n-03-0-UI.s1 UI-E-CQ1 ADNc Homo sapiens clon UI-E-CQ1-aex-n-03-0-UI 3, secuencia de ARNm	5.94 Abajo	2.64E-04
25	NM_079423	Homo sapiens miosina, polipéptido ligero 6, alcalino, músculo liso y no músculo (MYL6), variante de transcripción 2, ARNm	5.87 Abajo	3.58E-02
	AW134473	UI-H-BI1-abv-a-11-0-UI.sl NCI_CGAP_Sub3 ADNc Homo sapiens IMAGE clon: 2712885 3, secuencia de ARNm	5.85 Abajo	1.03E-03
	NM_032334	Homo sapiens proteína hipotética MGC14595 (MGC1 4595), ARNm	5.79 Abajo	9.11E-03
30	BF029356	601765592F1 NIH_MGC_53 Homo sapiens ADNc clon IMAGE: 3997510 5, secuencia de ARNm	5.78 Abajo	3.55E-03
	NM_175887	Homo sapiens proteína hipotética LOC222171 (LOC222171), ARNm	3.51 Abajo	5.72E-04
35	NM_139241	Homo sapiens FYVE, RhoGEF y PH dominio que contiene 4 (FGD4), ARNm	5.72 Abajo	3.12E-03
	NM_015915	Homo sapiens espástica paraplejia 3A (autosómica dominante) (SPG3A), ARNm	5.7 Abajo	2.15E-03
	NM_052937	Homo sapiens similar a proteína hipotética FLJ1O883 (LOC115294), ARNm	5.69 Abajo	7.86E-03
40	NM_015251	Homo sapiens proteínas KIAAO431 (KIAAO431), ARNm	5.6 Abajo	3.87E-04
	NM_021956	Homo sapiens receptor de glutamato, ionotrópico, kainato 2 (GRIK2), variante de transcripción 1 ARNm	5.58 Abajo	2.31E-03
45	NM_017527	Homo sapiens antígeno de linfocitos 6 complejo, locus K (LY6K), ARNm	5.57 Abajo	1.69E-02
	NM_015192	Homo sapiens fosfolipasa C, beta 1 (fosfoinositida-específico) (PLCB1), variante de transcripción 1, ARNm	5.53 Abajo	7.81E-03
	NM_020223	Homo sapiens familia con similitud de secuencia 20, miembro C (FAM20C), ARNm	5.51 Abajo	1.19E-03
50	NM_002619	Homo sapiens factor plaquetario 4 (quimiocina (motivo C-X-C) ligando 4) (PF4), ARNm	5.51 Abajo	3.31E-04
	NM_002053	Homo sapiens proteína 1 de unión de guanilato, interferón-inducible, 67kDa (GBP1), ARNm	5.51 Abajo	1.27E-03
55	H55853	yq94c05.ri Soares fetal bazo hígado 1NFLS Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 203432 5, secuencia de ARNm	5.5 Abajo	6.78E-03
	NM_000947	Homo sapiens primasa, 2A polipéptido, 58kDa (PRIM2A), ARNm	5.48 Abajo	8.13E-03
	NM_005596	Homo sapiens factor nuclear I / B (NFIB), ARNm	5.46 Abajo	1.00E-04
60	NM_014285	Homo sapiens componente exosome 2 (EXOSC2), ARNm	5.45 Abajo	1.45E-02
	NM_004623	Homo sapiens dominio de repetición de tetratricopèptido 4 (TTC4), ARNm	5.43 Abajo	1.84E-02
65	NM_052846	Homo sapiens microfibrillas elastina interfacer 3 (EMILIN3), ARNm	5.43 Abajo	1.11E-04

ES 2 569 421 T3

	AW152368	xg63e03.xl NCI_CGAP_Ut4 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE-0.2633020 3 similar a contiene Alu elemento repetitivo;, ARNm	5.41 Abajo	5.48E-04
5	NM_000475	Homo sapiens subfamilia de receptor nuclear 0, grupo B, miembro 1 (NROB1), ARNm	5.39 Abajo	1.85E-03
	NM_012394	Homo sapiens prefoldina 2 (PFDN2), el ARNm	5.38 Abajo	3.93E-02
10	NM_019018	Homo sapiens proteína hipotética FLJ11127 (FLJ11127), ARNm	5.32 Abajo	1.05E-02
	NM_004298	Homo sapiens nucleoporina l55kDa (NUP155), variante de transcripción 2, ARNm	5.3 Abajo	5.08E-02
	NM_003516	Homo sapiens histona 2, H2aa (HIST2H2AA), ARNm	5.3 Abajo	3.90E-02
15	NM_004324	Homo sapiens proteína X asociada a BCL2 (BAX), variante de transcripción beta, 24 ARNm	5.27 Abajo	2.42E-02
	NM_006012	Homo sapiens ClpP proteasa caseinolítica, dependiente de ATP, la subunidad proteolítica homóloga (E. coli) (CLPP), proteína mitocondrial que codifica el gen nuclear, ARNm	5.22 Abajo	3.42E-03
20	NM_021968	Homo sapiens histonas 1, H4j (HIST1H4J), ARNm	5.19 Abajo	1.84E-02
	BF111710	7I47c10.xl Soares_NSF_F8_9W_OT_PA_P_S1 Homo sapiens clon de ADNc IMAGE:3524371 3, secuencia de ARNm	5.19 Abajo	1.23E-03
25	NM_006837	Homo sapiens COP9 constitutiva fotomorfogénica homólogo subunidad 5 (Arabidopsis) (COPS5), ARNm	5.16 Abajo	3.83E-02
	NM_001884	Homo sapiens hialuronano y proteína de enlace de proteoglicanos 1 (HAPLN1), ARNm	5.15 Abajo	6.63E-03
	NM_018663	Homo sapiens proteína membrana peroxisomal 2, 22kDa (PXMP2), ARNm	5.14 Abajo	1.79E-02
30	BX093329	BX093329 Soares_parathyroid_tumor_NbHPA Homo sapiens clon de ADNc IMAGp998A124183: IMAGE:1648403, secuencia de ARNm	5.14 Abajo	9.07E-03
35	NM_001001992	Homo sapiens ubiquitina proteasa específica 16 (USP16), variante de transcripción 2, ARNm	5.13 Abajo	1.18E-02
	NM_003405	Homo sapiens tirosina 3-monooxigenasa / triptófano proteína de activación monooxigenasa 5, polipéptido eta (YWHAH), ARNm	5.11 Abajo	1.09E-02
40	NM_003238	Homo sapiens factor de crecimiento transformante, beta 2 (TGFB2), ARNm	5.09 Abajo	2.36E-03
	T95596	ye4ObO3.sl Soares bazo hígado fetal 1NFLS ADNc Homo sapiens clon IMAGE: 120173 3, secuencia de ARNm	5.08 Abajo	3.51E-04
45	NM_004753	Homo sapiens deshidrogenasa / reductasa(familia SDR) miembro 3 (DHRS3), ARNm	5.07 Abajo	6.56E-03
	NM_000165	Homo sapiens proteínas brecha de la salida, alfa 1, 43 kDa (conexina 43) (GJA1), ARNm6	5.04 Abajo	2.07E-03
50	H99504	yx25g05.sl Soares melanocito 2NbHM Homo sapiens clon de ADNc IMAGE: 262808 3, Secuencia de ARNm	5.04 Abajo	1.13E-03
	NM_012464	Homo sapiens toloide tipo 1 (TLL1), ARNm	5.03 Abajo	3.47E-02
	NM_052947	Homo sapiens corazón alfa-quinasa (HAK), ARNm	5.02 Abajo	1.06E-04
55				
60				
65				

TABLA VIII: DATOS DE PCR EN TIEMPO REAL PARA CÉLULAS DIFERENCIADAS AF-I

Hormona	Ct Valores para AFCA007 Clon A cultivado para 2 sem en Amniomax	Ct valores para AFCA007 Clon A cultivado para 2 sem en Amniomax + 10 ácido retinóico micromolar	$\Delta\Delta Ct$ para AFCA007 Clon A cultivado para 2 sem en Amniomax	$\Delta\Delta Ct$ para AFCA007 Clon A cultivado para 2 sem en Amniomax + 10 ácido retinóico micromolar
GIP	34	31	0.00062	0.004
Neurotensina	37	35	0.000183	0.0004
Gastrina	Sin expresión	36		0.0004
Secretina	32	32	0.02	0.014
Somatostatina	31	28	0.002	0.014
CCK	33	31	0.003	0.008
GAPDH	22	22		

*: Para $\Delta\Delta Ct$ análisis, el control positivo era ARN humano intestinal.

TABLA IX: ANÁLISIS PCR DE LA EXPRESIÓN DE MARCADORES ENDODÉRMICOS EN AFCA007 (P8) DESPUÉS DE 14 DÍAS DE ENSAYO DE DIFERENCIACIÓN

Tratamiento	HNF3	Pdx-I	GATA4	Glu-2	HNF1a	AFP
Sin tratamiento	-	-	-	+	-	
FGF45Ong/ml	+	+	+	+	+	
Todo trans RA (10 μ M)	+	-	+	+	+	+
L-685,458 (10 μ M)	+		+	+	+	
Ciclopamina (10 MM)			+	+		
BMP5 (5 ng/ml)	+		+	+	+	
BMP6 (50 ng/ml)	+		+	+	+	
Excendina 4 (10 nM)	+		+	+	+	
BMP7 (10 ng/ml)			+	+	+	
BMP4 50 ng/ml	+			+	+	

TABLA X: CITOQUINA, CITOQUINA Y NIVEL DE EXPRESION DE RECEPTOR DE FACTOR DE CRECIMIENTO PARA AFCA007 A (AF-I) Y AFCA015 C (AF-II) CELULAS

		AFCA007 A	AFCA007 A	AFCA015C	AFCA015 C
5	POS	23,029.50	22,843.43	23,281.28	23,086.51
	NEG	1.00	0.98	0.86	0.86
10	Angiogenin	44.50	89.98	101.17	26.71
	BDNF	702.50	670.09	590.28	411.52
	BLC	276.50	365.08	192.90	0.86
15	BMP-4	66.00	96.36	126.89	117.22
	BMP-6	135.00	182.17	247.34	133.53
	CK beta 8-1	139.50	100.28	80.16	43.87
20	CNTF	235.50	234.64	82.73	0.86
	EGF	125.50	106.66	66.01	0.86
25	Eotaxin	90.00	95.87	152.61	99.21
	Eotaxin-2	635.00	554.86	528.55	290.54
	Eotaxin-3	174.50	245.43	246.48	170.42
30	FGF-6	422.00	411.67	318.07	213.32
	FGF-7	378.50	348.41	225.05	15.12
	Flt-3 Ligand	298.00	264.56	146.18	66.60
35	Fractalkine	545.50	399.41	330.50	105.21
	GCP-2	323.00	266.52	182.18	0.86
	GDNF	249.00	213.56	100.74	15.55
40	GM-CSF	1,003.50	687.75	663.15	343.31
	1-309	108.00	90.47	91.74	36.57
45	IFN-gamma	227.50	189.04	217.34	7.40
	IGFBP-1	156.00	197.37	182.61	3700
	IGFBP-2	627.00	415.10	383.66	281.53
50	IGFBP-4	154.00	136.57	103.74	0.86
	IGF-I	121.00	200.32	218.62	191.01
	IL-10	474.50	379.30	320.22	64.89
55	IL-13	768.00	627.43	636.57	184.58
	IL-15	829.50	542.60	558.56	226.62
	IL-16	243.50	235.62	146.18	2.25
60	IL-lalpha	1,206.00	1,058.47	1,048.95	662.05
	IL-lbeta	349.00	282.21	258.49	64.89
65	IL-1 ra	278.50	337.13	225.05	111.65

ES 2 569 421 T3

	IL-2	684.50	581.34	489.97	254.50
	IL-3	1,052.50	1,066.31	1,075.53	904.86
5	IL-4	396.00	404.80	383.23	224.47
	IL-5	763.00	676.96	754.89	303.41
10	IL-6	1,172.00	1,113.88	485.25	327.43
	IL-7	675.00	567.61	473.68	241.63
	Leptin	269.50	267.99	229.77	118.08
15	LIGHT	295.50	254.75	214.33	85.48
	MCP-i	1,027.00	901.06	1,080.25	990.24
	MCP-2	546.00	461.20	389.66	120.66
20	MCP-3	378.50	372.93	288.49	85.91
	MCP-4	642.50	532.30	390.95	159.69
	M-CSF	692.00	566.63	504.11	267.37
25	MDC	446.50	442.07	312.07	138.24
	MIG	760.00	725.51	701.30	363.47
30	MIP-1-delta	290.50	347.92	295.78	117.65
	MIP-3-alpha	406.50	399.90	311.64	64.46
	NAP-2	216.50	241.51	208.33	44.29
35	NT-3	45.50	124.31	61.30	0.86
	PARC	181.50	208.16	13846	0.86
	PDGF-BB	594.00	313.10	126.03	152.83
40	RANTES	418.50	350.86	248.63	108.21
	SCF	307.50	152.26	84.45	45.58
	SDF-1	654.50	594.09	237.48	116.37
45	TARC	227.50	264.56	148.75	2.25
	TGF-beta 1	824.50	750.02	693.59	407.23
	TGF-beta 3	278.00	341.54	277.35	57.16
50	TNF-alpha	804.50	968.73	992.37	552.23
	TNF-beta	549.50	510.23	888.20	285.82
55	P05	24,267.79	23,873.40	25,002.74	25,119.43
	NEG	1.00	0.89	0.78	0.78
	Acrp30	29.13	0.89	100.74	98.12
60	AgRP	1.00	0.89	19.30	0.78
	Angiopoietin-2	144.13	84.27	62.74	58.01
	Amphiregulin	1.00	0.89	0.78	0.78
65	Axl	1,478.63	882.74	542.12	536.93

ES 2 569 421 T3

	bFGF	5,455.13	4,386.44	4,419.49	7,225.00
	b-NGF	94.13	8.27	69.72	58.79
5	BTC	1.00	0.89	0.78	0.78
	CCL-28	141.13	76.23	0.78	0.78
	CTACK	383.13	315.86	304.37	297.86
10	Dtk	90.13	51.19	48.77	48.67
	EGF-R	1,730.13	851.89	1,363.21	1,485.42
15	ENA-78	207.13	109.31	514.97	192.34
	Fas/TNFRSF6	4,740.63	1,570.79	1,026.94	575.87
	FGF-4	342.13	141.50	156.21	88.77
20	FGF-9	267.13	166.98	140.69	100.07
	GCSF	320.63	151.78	152.33	115.25
	GITR-Ligand	183.63	112.44	170.17	81.77
25	GITR	211.13	116.91	63.51	18.30
	CR0	10,097.13	9,584.54	2,380.16	1,317.60
	GRO-alpha	1,061.13	754.43	356.73	124.60
30	HCC-4	90.63	18.55	67.00	8.18
	HGF	1.00	0.89	265.19	333.29
35	ICAM-1	11,257.63	6,308.40	2,116.03	1,415.33
	ICAM-3	75.13	19.89	54.98	61.52
	IGFBP-3	603.63	406.61	435.46	34692
40	IGFBP-6	523.63	334.63	253.56	176.77
	IGF-I SR	929.13	526.87	484.72	463.73
	IL-1 R4IST2	330.63	297.97	272.95	171.71
45	IL-11 RI	57.13	40.91	40.24	16.74
	IL-1 1	192.13	106.63	79.80	19.86
	IL-12p40	134.13	113.33	99.19	93.06
50	IL-12p70	183.63	165.64	166.29	85.27
	IL-17	47.13	0.89	0.78	0.78
55	IL-2 Rapha	229.13	158.04	115.87	36.21
	IL-6 R	158.63	30.62	55.75	46.72
	IL-8	2,792.13	2,894.57	528.93	164.70
60	1-TAC	499.63	184.42	139.53	89.16
	Lymphotactin	581.63	277.86	295.45	215.71
	MIF	2,280.63	1,794.32	1,532.31	1,042.71
65	MIP-1alpha	557.13	448.19	319.49	261.65

ES 2 569 421 T3

	MIP-1beta	193.13	133.45	182.58	225.44
5	MIP-3beta	360.13	203.19	126.34	101.23
	MSP-alpha	251.13	174.13	121.69	89.94
	NT-4	115.13	27.94	2.62	0.78
10	Osteoprotegerin	2,391.13	1,761.24	1,558.30	1,582.37
	Oncostatin M	541.13	340.45	179.48	98.51
15	PIGF	88.13	50.74	40.24	11.29
	sgpl30	604.13	503.63	369.92	379.24
	sTNF Rh	17.63	0.89	0.78	8.57
20	sTNF-RI	903.63	551.91	685.63	469.18
	TECK	255.63	91.87	140.69	100.46
	TIMP-1	1099.63	732.53	661.58	832.85
25	TIMP-2	11,468.63	7,205.68	14,022.74	14,546.57
	Thrombopoietin	580.13	364.59	405.21	28190
	TRAIL R3	1,881.13	728.50	988.93	1,186.39
30	TRAIL R4	437.13	412.42	172.89	233.23
	uPAR	1,055.13	631.49	668.56	960.95
	VEGF	418.13	293.95	290.79	452.44
35	VEGF-D	39.13	0.89	20.85	12.46
	P05	17,605.50	17,898.76	18,624.45	19,358.48
40	NEG	1.00	1.04	1.02	1.09
	Activin A	7.00	106.51	131.02	216.38
	ALCAM	227.00	372.00	229.19	194.01
45	B7.1(CD80)	18.00	138.72	100.34	3.55
	BMP-5	42.50	129.37	90.63	42.29
	BMP-7	72.00	136.12	111.59	1.09
50	Cardiotrophin-1	578.00	1,221.99	49865	233.30
	CD14	118.00	231.72	134.09	180.37
	CXCL- 16	1.00	187.56	201.07	175.45
55	DR6(TNFRSF21)	107.00	382.39	190.84	1.09
	Endoglin	1,213.50	735.17	1,168.45	1,359.16
60	ErbB3	183.50	269.13	226.63	167.81
	E-Selectin	150.00	250.94	178.06	82.68
	Fas Ligand	134.00	269.65	162.72	88.14
65	ICAM-2	364.50	416.16	273.16	203.83

ES 2 569 421 T3

	IGF-11	172.00	206.26	140.22	89.77
	IL-1 R 11	178.00	226.52	190.33	124.70
5	IL-10 Rbeta	124.50	111.18	91.14	194.56
	IL-13Ralpha2	94.50	117.94	80.40	1.09
	IL-18BPalpha	3.00	132.49	234.82	1.09
10	IL-18 Rbeta	59.50	191.71	112.61	1.09
	IL-2 Ralpha	128.00	156.90	149.94	50.48
	IL-2 Rbeta	1.00	57.15	196.98	1.09
15	11-2 Rgamma	1.00	1.04	1.02	1.09
	IL-21R	153.50	166.78	146.36	70.67
20	IL-5 Ralpha	133.00	166.78	150.96	21.01
	IL-9	169.00	184.96	155.56	57.58
	IP-10	91.50	211.46	161.19	94.14
25	LAP	3,066.00	2,460.08	5,775.28	6,813.80
	Leptiri R	225.50	223.41	168.35	230.03
	LIF	93.50	181.84	495.07	217.48
30	L-Selectin	87.50	103.91	122.84	1.09
	M-CSF R	1.00	193.27	65.57	167.27
	MMP-1	206.50	170.93	135.11	379.56
35	MMP-13	158.50	149.11	119.26	57.58
	MMP-9	1.00	137.16	56.37	167.81
40	MPIF-1	1.00	291.47	1.02	1.09
	NGF R	1.00	123.13	388.21	1.09
	PDGF AA	331.50	311.21	470.01	493.62
45	PDGF-AB	48.50	111.70	137.67	248.58
	PDGF Ralpha	1.00	184.96	174.48	1.09
	PDGF Rbeta	1,199.50	859.86	3,513.79	4,030.00
50	PECAM-1	41.50	138.72	280.32	190.74
	Prolactin	285.00	272.77	195.44	59.76
	SCF R	64.50	245.75	128.46	88.68
55	SDF-1 beta	425.50	364.73	248.11	452.14
	Siglec-5	152.50	153.79	1.02	1.09
60	TGF-alpha	69.50	227.04	140.74	166.72
	TGF beta2	173.50	138.72	182.15	118.70
	Tie-1	8.50	124.69	373.89	101.78
65	Tie-2	153.00	90.92	231.24	18.28

5	TIMP-4	49.50	97.68	93.70	17.74
	VE-Cadherin	77.00	139.24	131.02	85.41
	VEGF R2	59.50	164.70	101.37	78.86
10	VEGF R3	37.50	121.06	222.54	54.85

TABLA XI: PROTEINAS SUSCEPTIBLES DE DETECCIÓN POR CONJUNTO DE ANTICUERPOS

15	Citoquina	Nombre completo
	Activina A	EDF (factor de diferenciación eritroide), FRP (folículo estimulante de la hormona liberadora de la proteína), Restrictina-P, WEHI-MIF (factor inductor del mesodermo WEHI)
20	AGRP	Proteína relacionada con agouti
	ALCAM	Molécula de adhesión celular de leucocitos activados
25	Amfiregulina	Anfirregulina
	ANG	Angiogenina
	Angiopoyetina-1	Angiopoyetina-1
30	Angiopoyetina similar a Factor	Factor similar a Angiopoyetina
	Angiostatina	Angiostatina
35	APRIL	Ligando inducente de proliferación
	AXL	Una proteína de quinasa de tirosina también llamado UFO o arca. El ligando para este receptor es GPF (factor de crecimiento potenciador). El ligando se denomina también factor estimulante axl, que es idéntico con uno de los genes de gas, gas-6
40	B7-1 (CD80)	B7-1 (CD80)
45	BAFF	Factor de activación de células B perteneciente a la familia TNF
	BDNF	Factor neurotrófico derivado de cerebro
50	Betacelulina	Betacelulina
	beta-Galactosidasa	beta-Galactosidasa
	beta-NGF	Factor de crecimiento nervioso-beta
55	bFGF	Factor de crecimiento de fibroblastos básico
	BLC	Linfocito B quimioatrayente
	BMP-2	Proteínas morfogenéticas óseas -2
60	BMP-4	Proteínas morfogenéticas óseas -4
	BMP-5	Proteínas morfogenéticas óseas -5
65	BMP-6	Proteínas morfogenéticas óseas -6

ES 2 569 421 T3

	BMP-7	Proteínas morfogenéticas óseas -7
5	BTC	Betacelulina
	CCL28	CCK-1
	CD27	Grupo de diferenciación 27
10	CD30	Grupo de diferenciación 30
	CD40	Grupo de diferenciación 40
	CD40 Ligando	Grupo de diferenciación 40 ligando
15	Ck beta 8-1	Quimiocina -beta-8
	CNTF	Factor ciliar de neuronotrófica, factor neurotrófico ciliar
20	Cripto-1	CRGF (factor de crecimiento Cripto)
	CTACK	(CD80BAFF CTAC (quimioquina atrayente de células T cutánea); Skinkine; Eskine
25	CTLA-4	Antígeno asociado de linfocitos T de citotóxicos 4
	CXCL16	CXC ligando quimiocina 16
	Dkk-4	Dickkopf-4
30	DR6	Receptor de muerte 6
	Dtk	Quinasa de tirosina desarrollada
	EGF	Factor de crecimiento epidérmico
35	EGR-R	Proteína relacionada del factor de crecimiento epidérmico
	ENA-78	Proteína activadora de neutrófilos epitelial 78, atrayente epitelial de neutrófilos celiderivados -78
40	Endostatina	Endostatina
	Eotaxina	Eotaxina
45	Eotaxina-2	MPIF-2 (Factor Inhibidor de progenitor mieloide -2), quimioquina-beta-6
	Eotaxina-3	MIP-4-alfa (proteína inflamatoria de macrófagos-4-alfa), TSC-1 (quimioquina de estroma tímico-l)
50	Eritropoyetina	Eritropoyetina
	E-Selectina	E-Selectina
	Fas Ligando	FasL ligando CD95, ligando Apo-1
55	Fas/TNFRSF6	Fas o cd95
	FGF-2	Factor de crecimiento de fibroblastos-2
60	FGF-4	Factor de crecimiento de fibroblastos-4
	FGF-6	Factor de crecimiento de fibroblastos-6
	FGF-7	Factor de crecimiento de fibroblastos-7
65	FGF-8	Factor de crecimiento de fibroblastos-8

ES 2 569 421 T3

	FGF-9	Factor de crecimiento de fibroblastos-9
	FKN o FK	Fractalquina
5	Flt-3 Ligando	Fms similar a tirosina quinasa-3 ligando (también conocido como ligando STK1)
	Folistatina	Supresión de la hormona estimulante de folículo (FSP)
10	GCP-2	Proteína de granulocitos quimiotáctica 2
	GCSF	Factor estimulante de colonias de granulocitos
	GDF-1 5	Factor de crecimiento / diferenciación 1 de 5
15	GDNF	Factor neurotrófico derivado de gliales
	GITR	Receptor del factor de necrosis inducido por tumor de glucocorticoide
20	GITR-Ligando	Receptor del factor de necrosis inducido por tumor de glucocorticoide
	GM-CSF	Factor estimulante de colonias de granulocitos-macrófagos
25	GRO	Oncogene relacionado con crecimiento
	GRO-a	Oncogene relacionado con crecimiento-alfa
30	HB-EGF	Factor de crecimiento epidérmico de unión a heparina
	HCC-4	Hemofiltrado CC quimiocina 4
	HGF	Factor de crecimiento de hepatocitos
35	HPTA	Hepatopoyitina A
	HRG	Heregulina/NDF/GGF/Neuregulina
40	HRG-alpha	Heregulina/NDF/GGF/Neuregulina
	HRG-beta	Heregulina/NDF/GGF/Neuregulina
	HVEM	Mediador de entrada de herpesvirus
45	1-309	1-309
	ICAM-1	Molécula de adhesión intercelular 1
	ICAM-2	Molécula de adhesión intercelular 2
50	ICAM-3	Molécula de adhesión intercelular 3
	IFN-alfa	Interferon alfa
55	IFN-beta	Interferon beta
	IFN-gamma	Interferon gamma
	IFN-omega	Interferon omega
60	IGFBP-1	Proteínas de unión del factor de crecimiento insulínico tipo 1
65	IGFBP-2	Proteínas de unión del factor de crecimiento insulínico tipo 2

ES 2 569 421 T3

5	IGFBP-3	Proteínas de unión del factor de crecimiento insulínico tipo 3
	IGFBP-4	Proteínas de unión del factor de crecimiento insulínico tipo 4
	IGFBP-6	Proteínas de unión del factor de crecimiento insulínico tipo 6
10	IGF-I SR	Receptor soluble similar a insulina de factor de crecimiento
	IGF-I	Factor de crecimiento similar a la insulina -I
15	IGF-II	Factor de crecimiento similar a la insulina II
	IL-1 RI	Interleucina 1 Proteína relacionada con receptor-1
	IL-1 R4/ST2	Interleucina 1 receptor 4 también conocido como ST2
20	IL-10	Interleucina 10
	IL-10 R alpha	Interleucina 10 receptor soluble alfa
	IL-10 R beta	Interleucina 10 receptor beta
25	IL-11	Interleucina 11
	IL-12	Interleucina 12
30	IL-12 p40	Interleucina 12p40
	IL-12 p70	Interleucina 12p70
	IL-13	Interleucina 13
35	IL-15	Interleucina 15
	IL-16	Interleucina 16
	IL-17	Interleucina 17
40	IL-18 BPa	Interleucina 18 proteína vinculante A
	IL-18 R alfa	Interleucina 18 receptor alfa
45	IL-18 R beta	Interleucina 18 receptor beta
	IL-18	Interleucina 18
	IL-1a	Interleucina I alfa
50	IL-1 b	Interleucina I beta
	IL-1ra	Interleucina 1 receptor antagonista
	IL-2	Interleucina 2
55	IL-2 R alfa	Interleucina 2 receptor soluble alfa
	IL-2 R beta	Interleucina 2 receptor soluble beta
60	IL-2 R gamma	Interleucina 2 receptor gamma
	IL-21 R	Interleucina 21 receptor
	IL-3	Interleucina 3
65	IL-4	Interleucina 4

ES 2 569 421 T3

	IL-5	Interleucina 5
5	IL-5 R alfa	Interleucina 5 receptor alfa
	IL-6	Interleucina 6
	IL-7	Interleucina 7
10	IL-8	Interleucina 8
	IL-9	Interleucina 9
	IL-9 R	Interleucina 9 receptor
15	Inhibina A	Inhibina A
	Inhibina B	Inhibina B
20	IP-11 O	IFN - Proteína inducible 10, Proteína Inmune 10
	1-TAC	Interferon-inducible célula T Alfa Quimioatrayente
25	LAP	Proteína activadora de hígado
	TGF-LAP	Factor de crecimiento tumoral - péptido asociado a la latencia
30	LT-BP-1	Proteína de unión latente de TGF-beta 1
	LECT2	Quimiotaxina de leucocitos derivada de células -2
	LEPTIN R	Receptor LEPTIN
35	LFA-I alfa	Antígeno asociado a función de linfocitos 1
	LIF	Factor inhibitorio de leucemia
40	LIGHT	LIGHT
	LIX	Quimioquina inducida a C-X-C de LPS
	L-Selectina	L-Selectina
45	Limfotactina	Limfotactina
	MAC-1	Lectina específica de macrófagos galactosa-1
50	MM P-I 3	Metaloproteinasas de la matriz 13
	MMP-19	Metaloproteinasas de la matriz 19
	MCP-1	Proteína quimiotáctica de monocitos 1
55	MCP-2	Proteína quimiotáctica de monocitos 2
	MCP-3	Proteína quimiotáctica de monocitos 3
	MCP-4	Proteína quimiotáctica de monocitos 4
60	MCSF	Factor estimulante de colonias de macrófagos
	M-CSF R	Receptor de factor estimulante de colonias de macrófagos
	MDC	Quimioquina derivada de macrófagos
65	MIF	Factor inhibitorio de la migración de macrófagos

ES 2 569 421 T3

	MIG	Monoquina inducida por el interferón gamma
5	MIP-1a	Proteína inflamatoria de macrófagos 1 alfa
	MIP-11b	Proteína inflamatoria de macrófagos 1 beta
	MIP-1d	Proteína inflamatoria de macrófagos 1 delta
10	MIP-2	Proteína inflamatoria de macrófagos 2
	MIP-3 alfa	Proteína inflamatoria de macrófagos 3 alfa
	MIP-3 beta	Proteína inflamatoria de macrófagos 3 beta
15	MMP-1	Metaloproteinasa de la matriz 1
	MMP-10	Metaloproteinasa de la matriz 10
20	MMP-11 (Estromelisina-3)	Metaloproteinasa de la matriz 11
	MMP-12	Metaloproteinasa de la matriz 12
	MMP-13	Metaloproteinasa de la matriz 13
25	MMP-14	Metaloproteinasa de la matriz 14
	MMP-2	Metaloproteinasa de la matriz 2
	MMP-20	Metaloproteinasa de la matriz 20
30	MMP-3	Metaloproteinasa de la matriz 3
	MMP-7	Metaloproteinasa de la matriz 7
	MMP-8	Metaloproteinasa de la matriz 8
35	MMP-9	Metaloproteinasa de la matriz 9
	MPIF-1	Factor inhibidor de mieloides progenitor 1
40	MSP a-cadena	Cadena a de macrófagos de proteína estimuladora
	MSP b-cadena	Cadena b de macrófagos de proteína estimuladora
	NAP-2	Péptido activador de neutrófilos 2
45	NGF	Factor de crecimiento nervioso
	NGF R	Receptor de factor de crecimiento nervioso
50	NT-3	Neurotrofina-4
	NT-4	Neurotrofina-3
	OPG	Osteoprotegerina
55	OSM	Oncostatina M
	PARC	Quimioquina regulada por activación pulmonar
60	PDGF R alfa	Receptor alfa del factor de crecimiento derivado de plaquetas
	PDGF R beta	Receptor beta del factor de crecimiento derivado de plaquetas
65	PDGF-AA	Factor de crecimiento derivado de plaquetas AA

ES 2 569 421 T3

	PDGF-BB	Factor de crecimiento derivado de plaquetas BB
5	PECAM-I	Molécula de adhesión celular endotelial de plaquetas
	PF4	Factor de plaquetas 4
	PIGF	Factor de crecimiento de placenta
10	Prolactina	Prolactina
	P-selectina	P-selectina
15	RANTES	Regulado tras la activación, expresado de células T normal y presumiblemente secretado
	SCF	Factor de célula madre
	SCF R	Receptor de factor de célula madre
20	SDF-1	Factor derivado de células estromal
	SLPI	Inhibidor de la proteasa de leucocitos secretor
	SMDF	Factor derivado de las neuronas motoras y sensoras
25	SPARC	Osteonectina
	ST2	Interleucina 1 receptor 4
30	TARC	Quimioquina regulada por timo y activación
	TECK	Quimioquina expresada por timo
	TGFa	Factor de necrosis tumoral alfa
35	TGF-a	Factor de crecimiento transformante alfa
	TGF-beta 1	Factor de necrosis tumoral 1 beta
	TGF-beta 2	Factor de necrosis tumoral 2 beta
40	TGF-beta 3	Factor de necrosis tumoral 3 beta
	Trombospondina (TSP)	Trombosponda
45	Timopoyetina	Timopoyetina (Tpo)
	Tie-11	Quinasa tirosina con Ig y EGF dominios de homología 1
	Tie-2	Quinasa tirosina con inmunoglobulina y factor de crecimiento de homología de dominio 2
50	TIMP-1	Inhibidor tisular de metaloproteinasas -1
	TIMP-2	Inhibidor tisular de metaloproteinasas -2
55	TIMP-3	Inhibidor tisular de metaloproteinasas -3
	TIMP-3	Inhibidor tisular de metaloproteinasas -3
	TIMP-4	Inhibidor tisular de metaloproteinasas -4
60	TNF-a	Factor de necrosis tumoral alfa
	TN F-b	Factor de necrosis tumoral beta
65	TPO	Trombopoyetina

ES 2 569 421 T3

5	TRAIL Ri	Receptor de ligando relacionado con TNF inductor de apoptosis 1
	TRAIL R2	Receptor de ligando inductor de apoptosis relacionado con TNF 2
	TRAIL	Ligando inductor de apoptosis relacionado con TNF
10	TRANCE	Citoquina inductor de activación relacionada con factor de necrosis tumoral
	TSLP	Linfopoyetina derivada de estromal tímica
15	uPA	Ab activador de plasminógeno de uroquinasa
	uPAR	Receptor de Ab activador de plasminógeno de uroquinasa
20	VCAM-1	Molécula de adhesión celular vascular (VCAM-1, CD106, o INCAM-1 10)
	VE-Cadherina	Cadherina epitelial vascular
25	VEGF	Factor de crecimiento endotelial vascular
	VEGF R2	Receptor de factor de crecimiento endotelial vascular 2
	VEGF R3	Receptor de factor de crecimiento endotelial vascular 3
30	VEGF-B	Factor de crecimiento endotelial vascular B
	VEGF-C	Factor de crecimiento endotelial vascular C
35	VEGF-D	Factor de crecimiento endotelial vascular D

40

45

50

55

60

65

REIVINDICACIONES

- 5 1. Una población sustancialmente pura de células derivadas del líquido amniótico, en el que dichas células son:
- capaces de diferenciarse en células que presentan las características del linaje de células beta, sustancialmente negativas para la expresión de los marcadores de proteínas CD117 y Oct-4, donde los marcadores no están presentes o se expresa en al menos 70% de la población total de células,
- 10 sustancialmente positivas para la expresión de GATA-6 y SSEA-4, donde GATA-6 y SSEA-4 están presentes o se expresan en al menos aproximadamente 50% de la población total de células, y ya sea sustancialmente
- i) positivo para la expresión de SOX-17 y citoqueratina, en donde SOX-17 y citoqueratina están presentes o se expresan en por lo menos aproximadamente 50% de la población total de células;
- 15 ii) negativo para la expresión de SOX-17, en el que SOX-17 no está presente o expresado en al menos 70% de la población total de células y positivo en la expresión de citoqueratina, en el que la citoqueratina está presente o expresado en al menos aproximadamente 50% de la población total de células; o
- 20 iii) negativo para la expresión de SOX-17 y citoqueratina, en donde SOX-17 y citoqueratina no están presentes o se expresan en al menos 70% de la población celular total.
2. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con la reclamación 1, en la que dichas células son sustancialmente positivas para la expresión de SOX-17 y citoqueratina, en donde SOX-17 y citoqueratina están presentes o se expresa en al menos aproximadamente 50% de la población total de células, y sustancialmente positivas para la expresión de la HNF-1 beta, HNF-3 beta y GATA-6 marcadores de proteínas, donde los marcadores están presentes o se expresan en por lo menos aproximadamente 50% de la población celular total.
- 25 3. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con la reclamación 1, en la que dichas células son sustancialmente negativas para la expresión de SOX-17, donde SOX-17 no está presente o expresado en al menos 70% de la población total de células, y positivo en la expresión de citoqueratina, donde la citoqueratina está presente o expresada en por lo menos aproximadamente 50% de la población total de células, y no expresa los marcadores de HNF-3 beta y GATA-4.
- 30 4. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con la reclamación 3, donde dichas células no expresan ninguno de los marcadores HNF-3 beta, GATA-4 o Tra2-54.
- 35 5. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con la reclamación 1, donde dichas células son sustancialmente negativas para la expresión de SOX-17 y citoqueratina, donde SOX-17 y citoqueratina no están presentes o expresados en al menos aproximadamente 70% de la población total de células, y no expresan los marcadores de HNF-3 beta y GATA-4.
- 40 6. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con la reclamación 5, donde dichas células no expresan ninguno de los marcadores HNF-3 beta, GATA-4 o Tra2-54.
- 45 7. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con cualesquiera de las anteriores reclamaciones, donde dichas células son sustancialmente positivas para la expresión del gen HES-1, donde HES-1 está presente o se expresa en al menos aproximadamente 50% de la población total de células.
- 50 8. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con cualquiera de las anteriores reclamaciones, capaces de propagarse in vitro.
9. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con cualquiera de las anteriores reclamaciones, capaces de propagarse in vitro en condiciones de hipoxia.
- 55 10. La población de células derivadas de líquido amniótico de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones anteriores, capaces de diferenciarse en una célula productora de hormonas intestino.
- 60 11. Una población de células derivadas de líquido amniótico como se define en una cualquiera de las reclamaciones 1 a 10, para uso en un método de tratamiento de un paciente con diabetes mellitus o a riesgo de desarrollar diabetes.
- 65 12. En el uso in vitro de la población de células de acuerdo con una cualquiera de las reclamaciones 1 a 10, en un método en el que las células de dicha población se diferencian en células de producción de la hormona páncreas.

figura 1

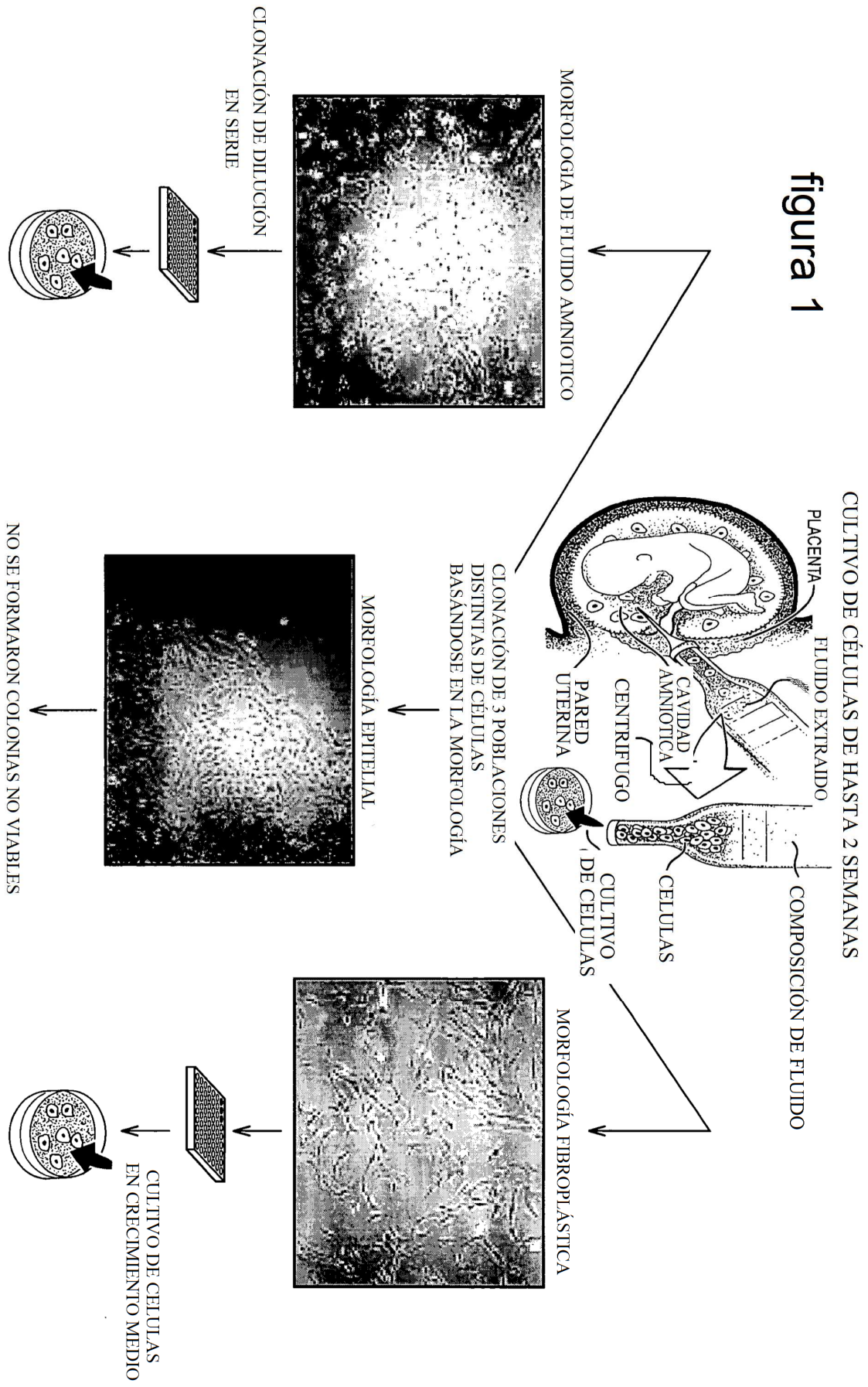


Figura 2

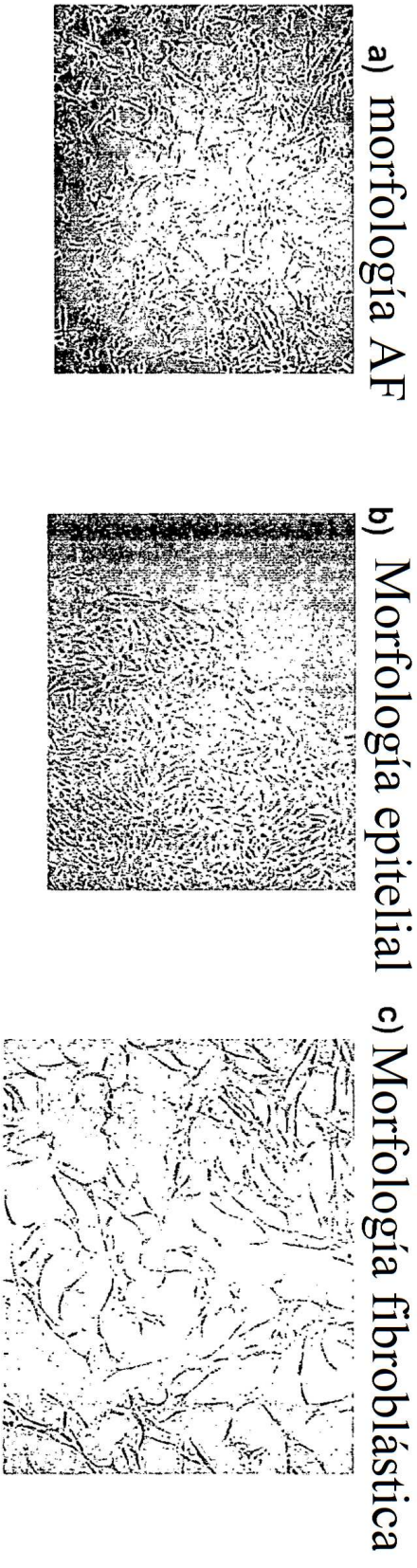


Figura 3

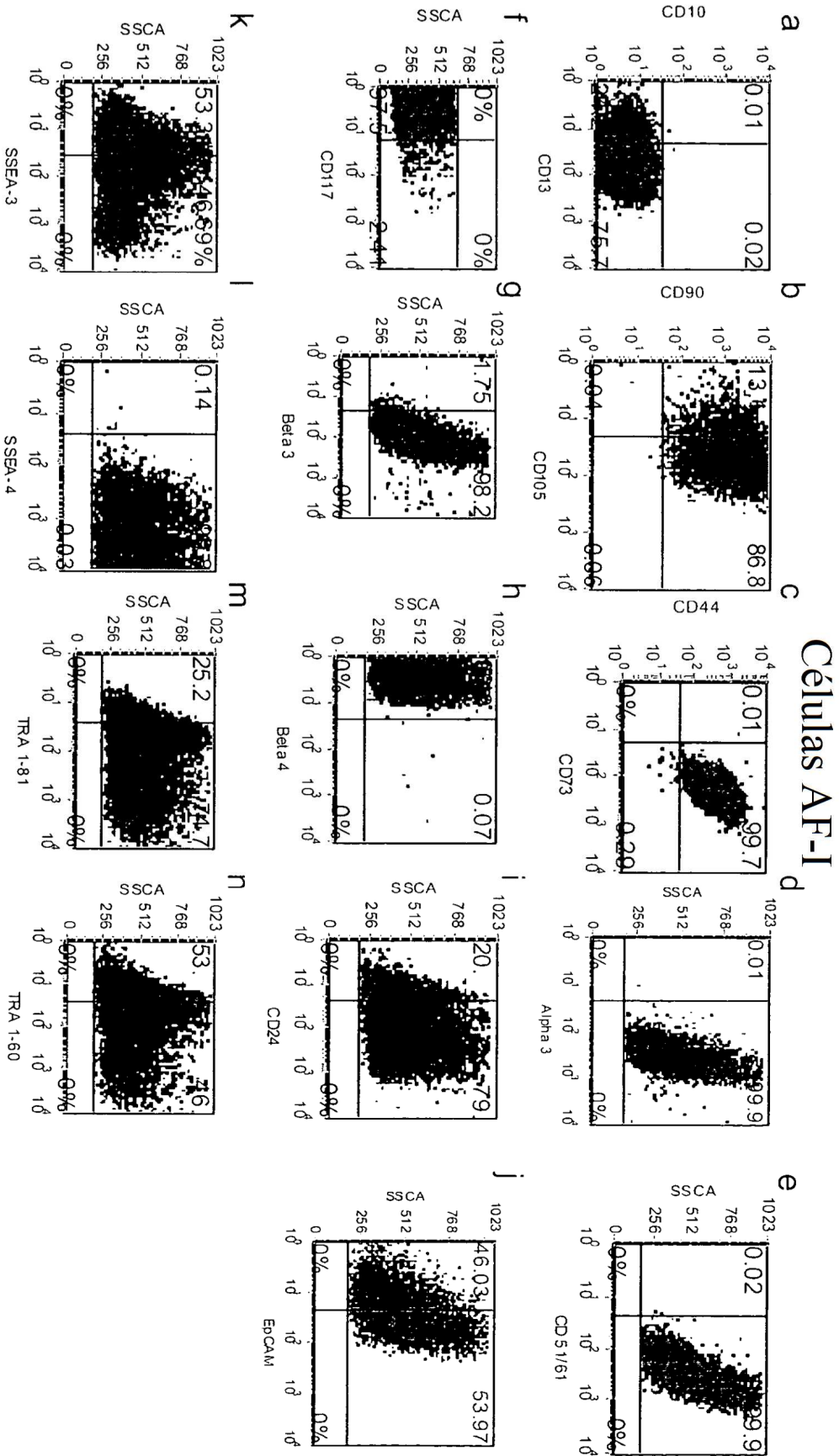


Figura 4

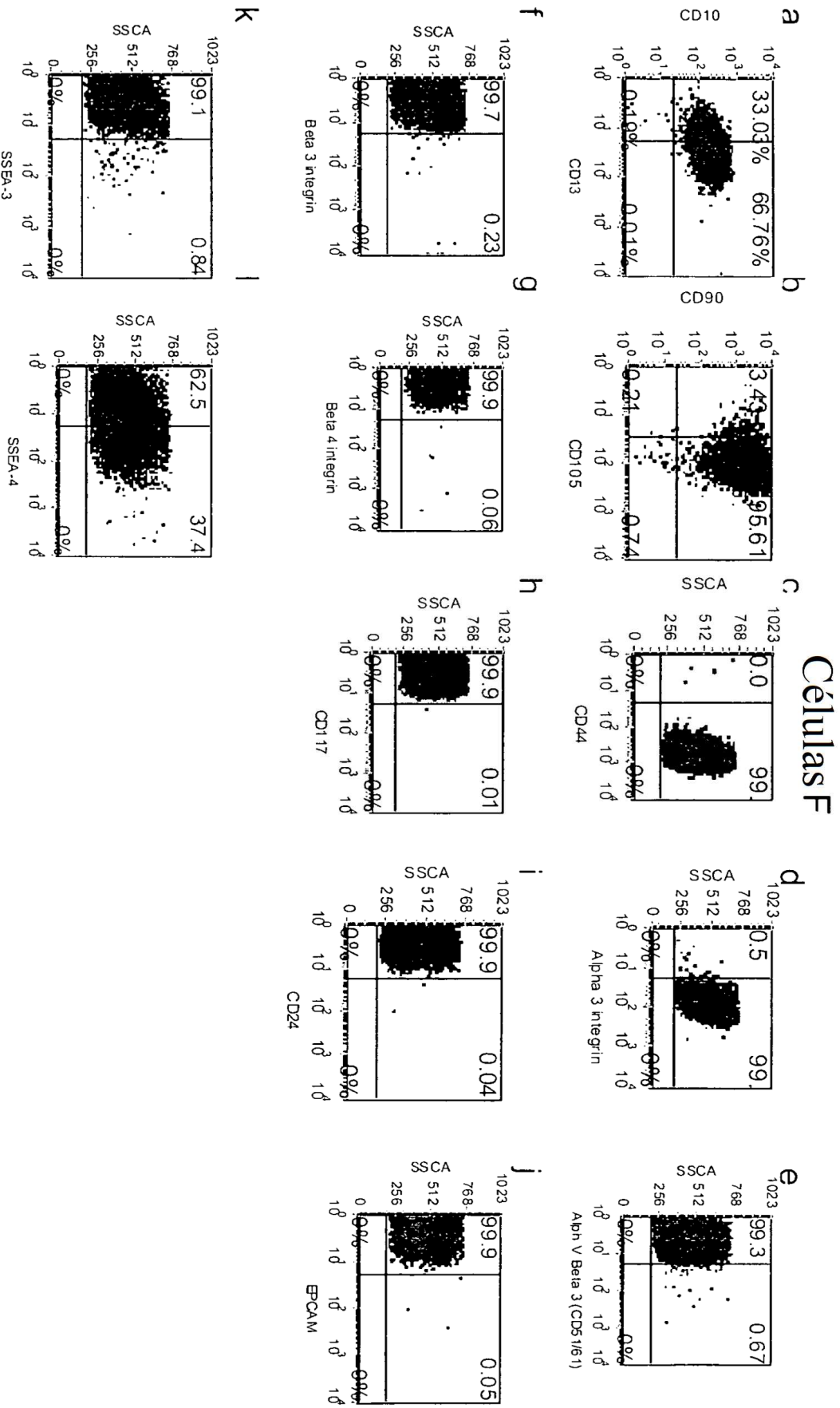


Figura 5

Células E

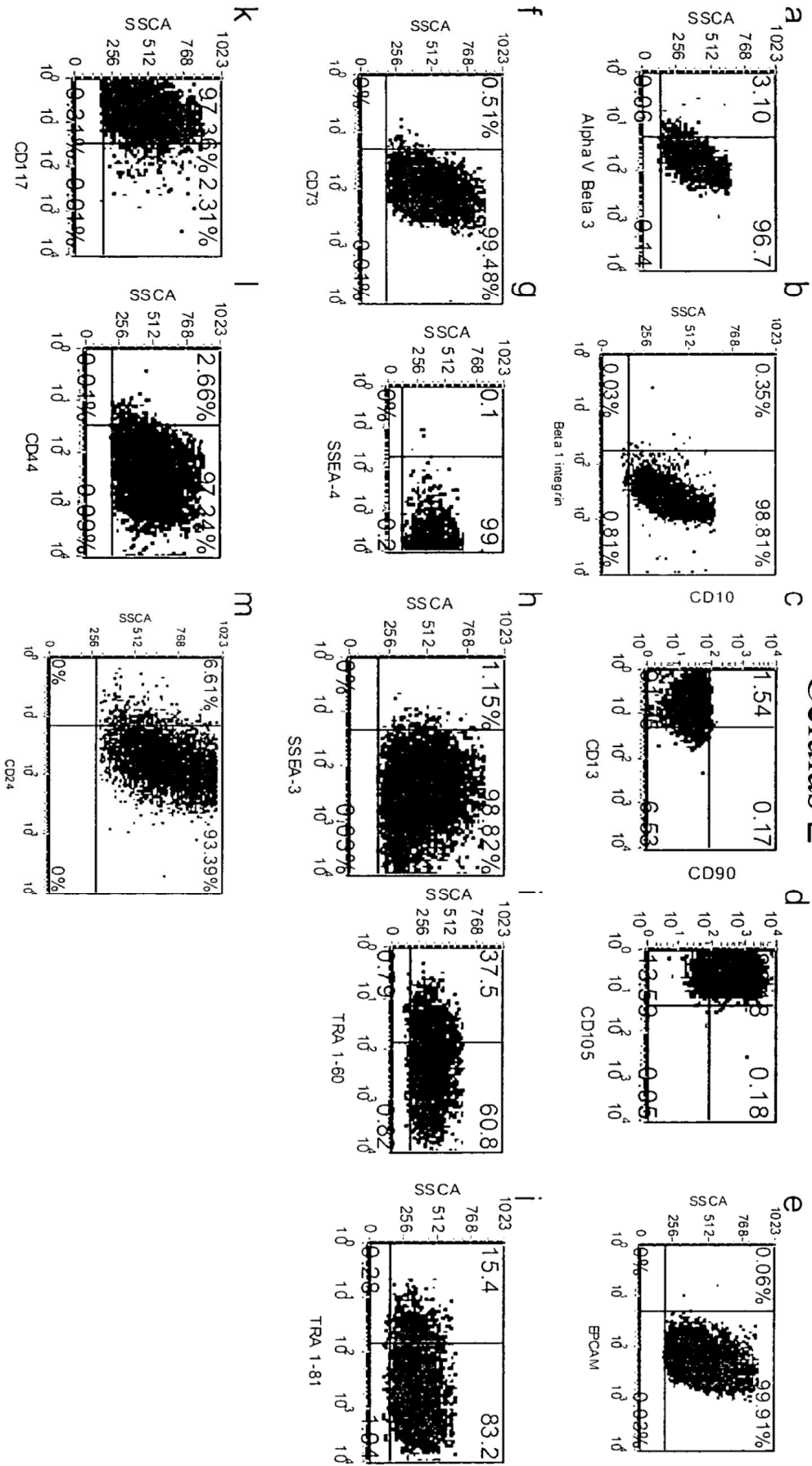


Figura 6

Células F



Figura 7

Células E

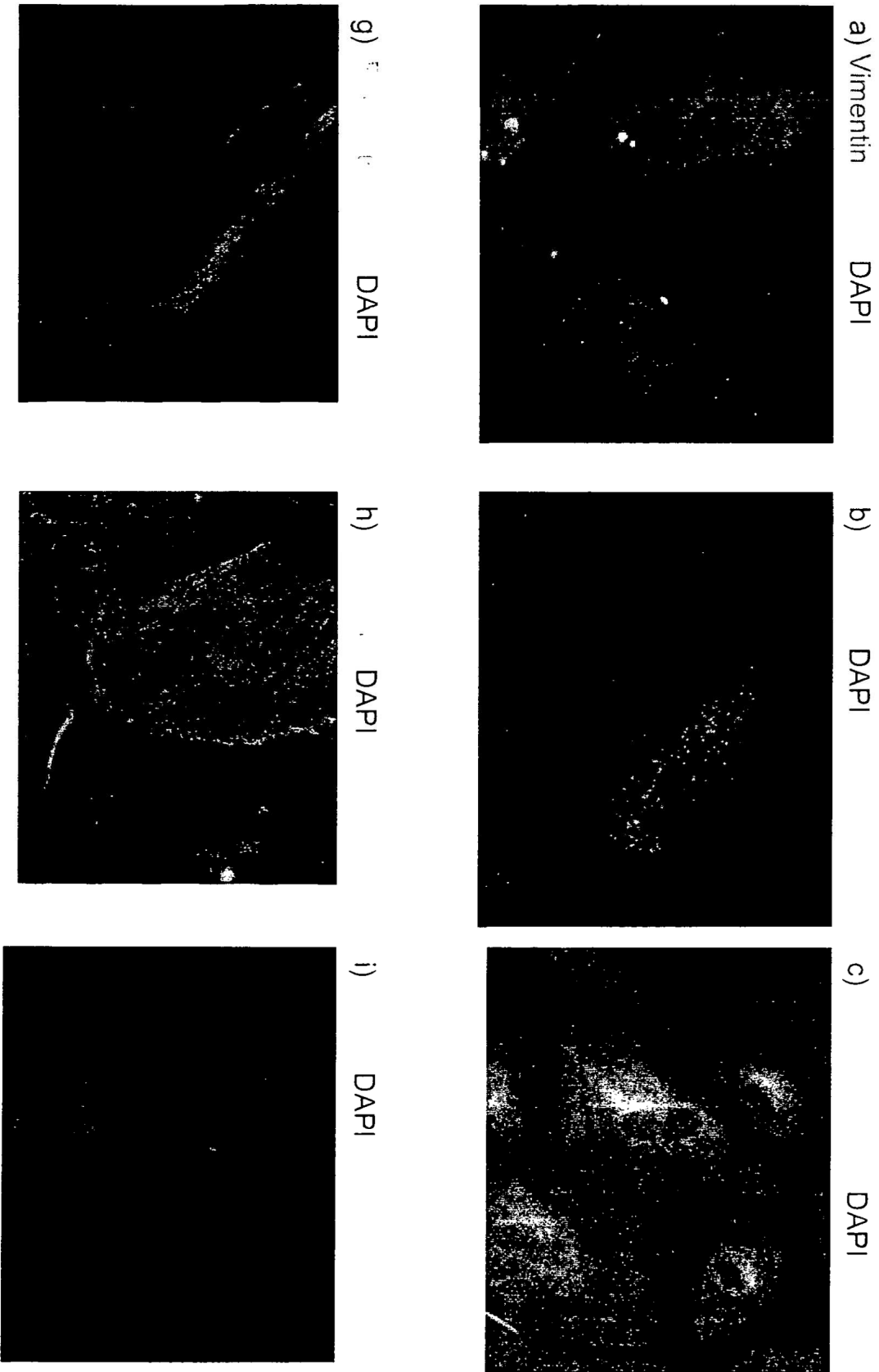


Figura 8

Células AF-1

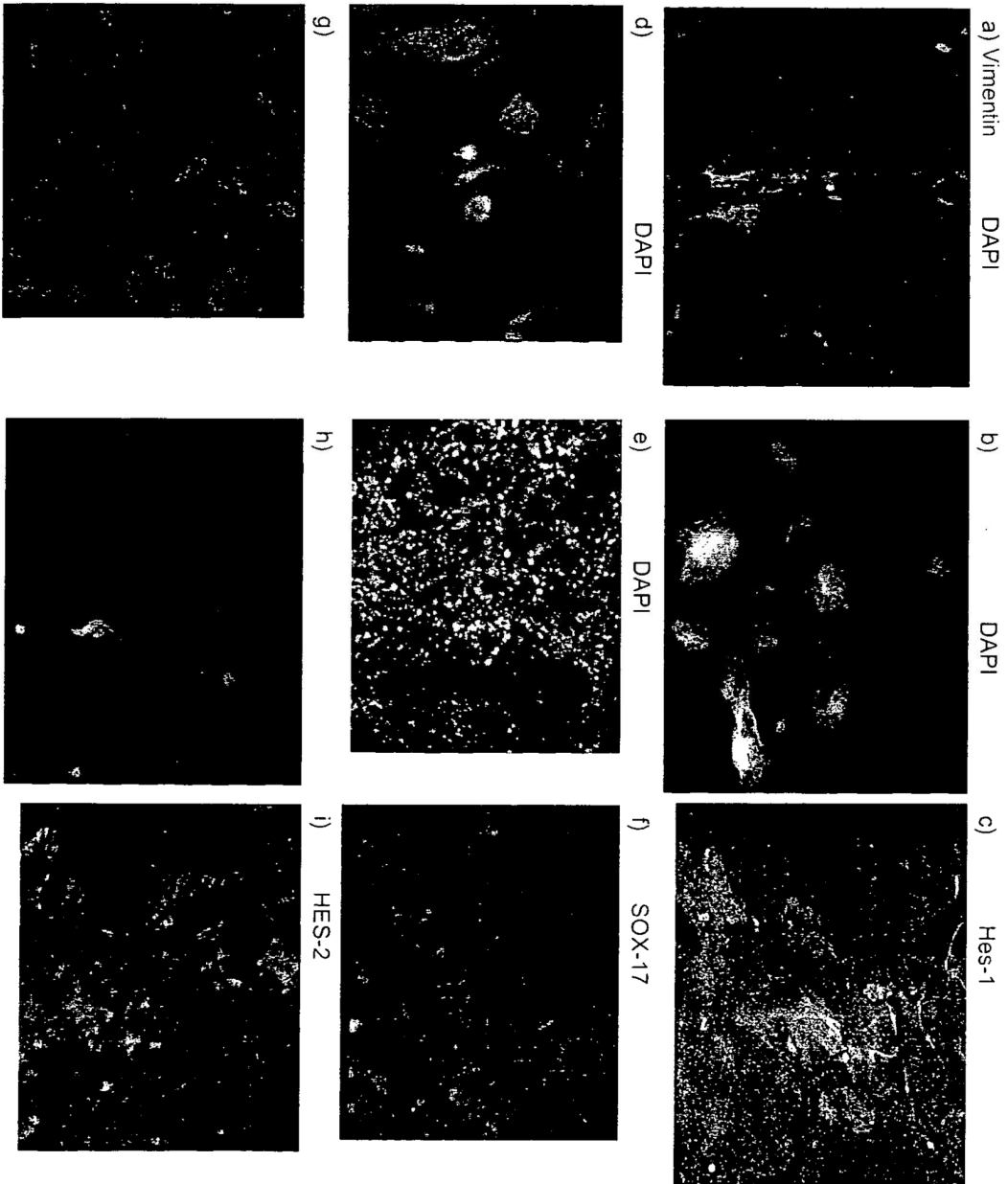


Figura 9

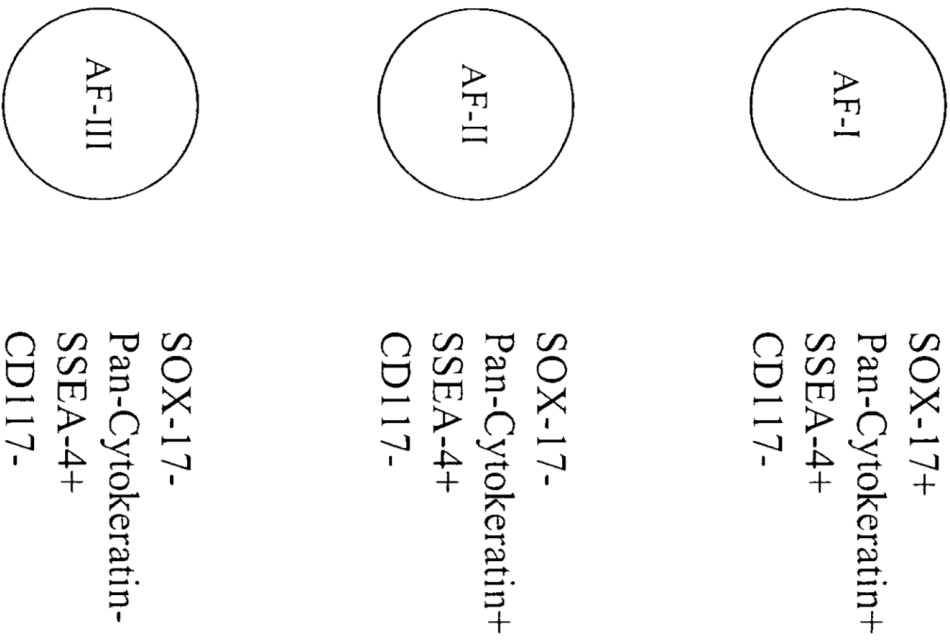


FIGURA 10

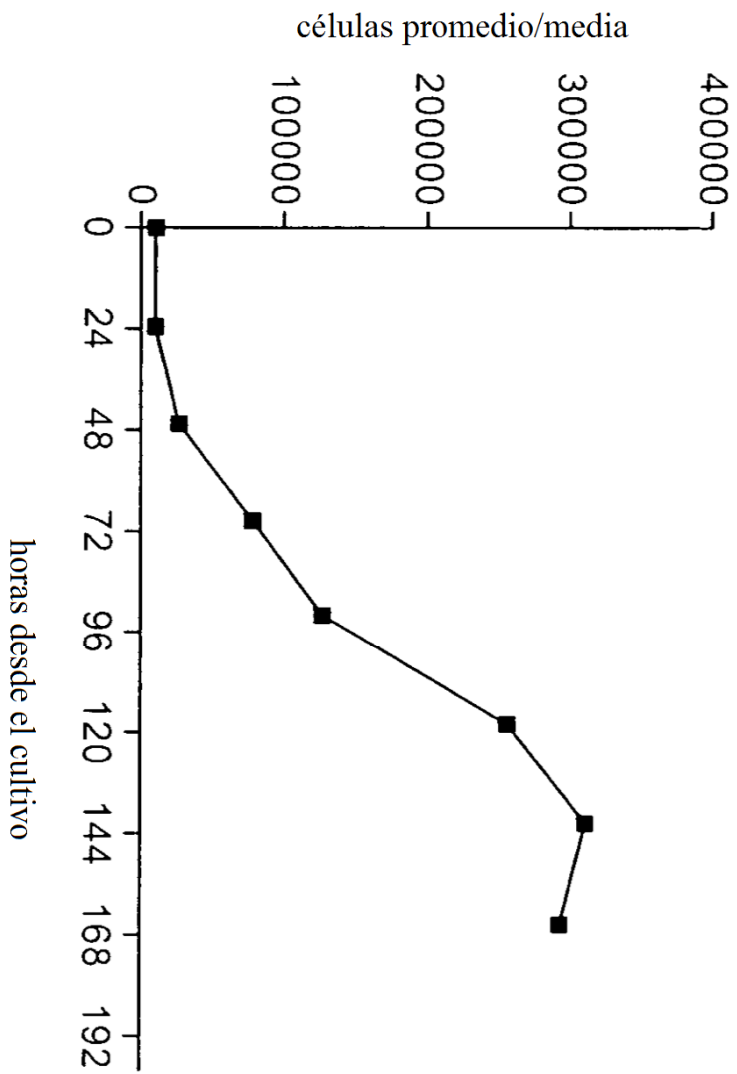


FIGURA 11

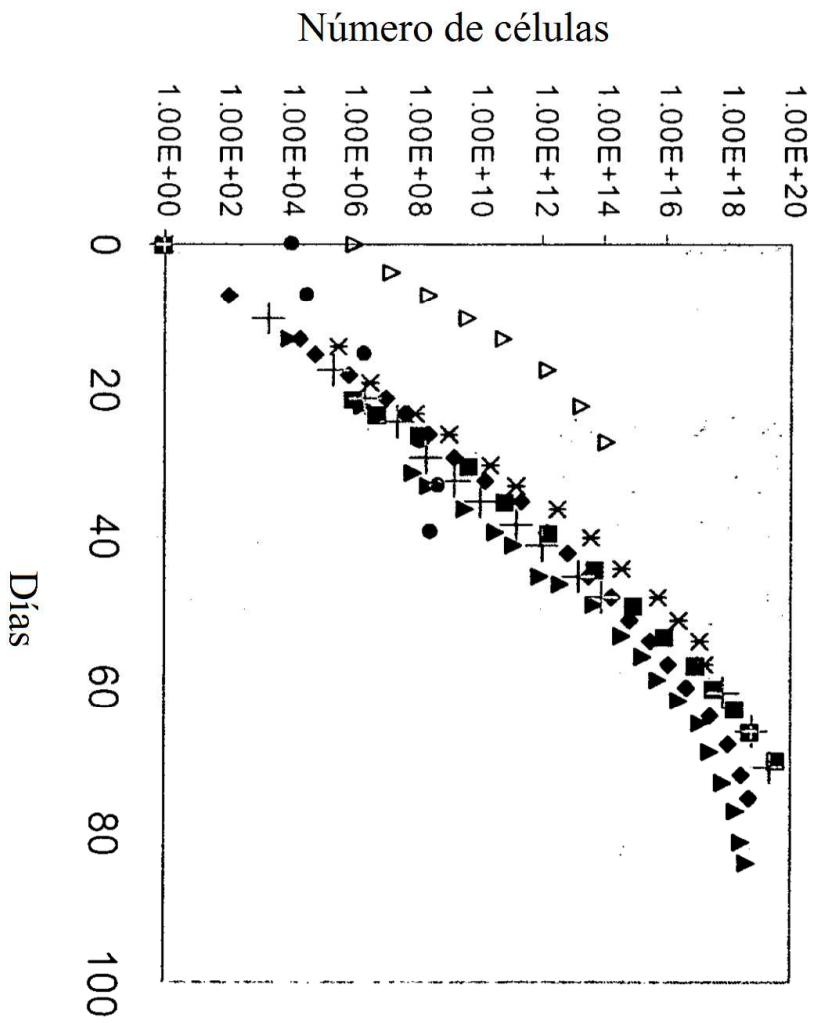
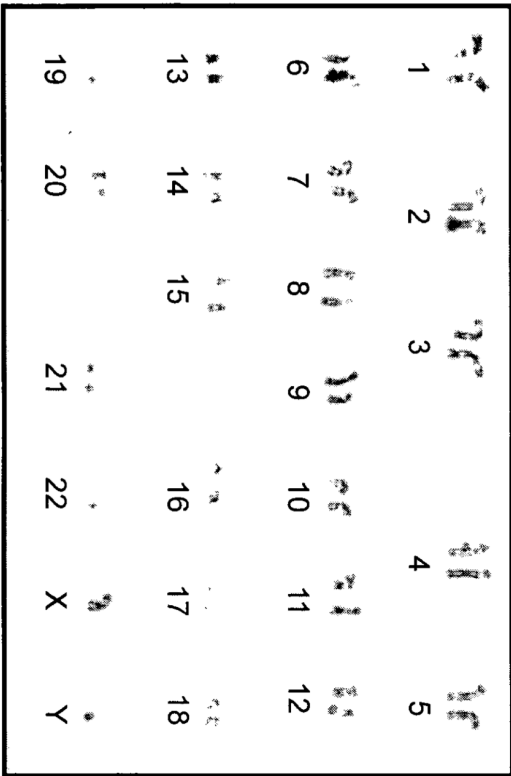


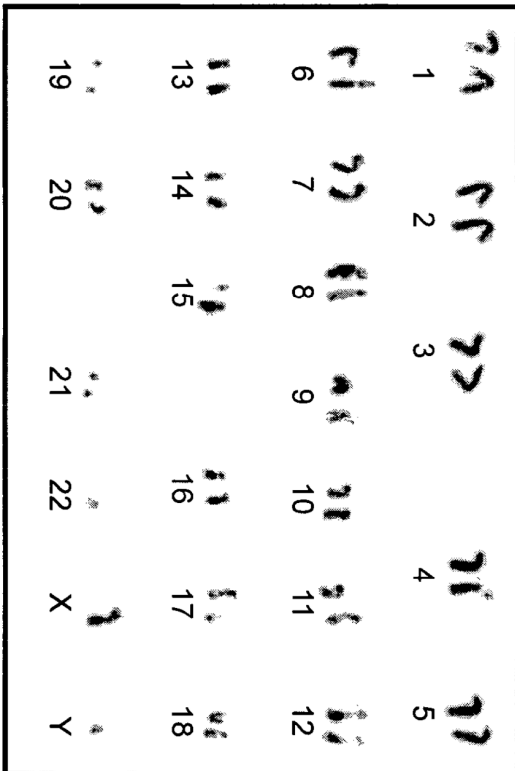
Figura 12



a) AF-I



b) AF-II



c) AF-III

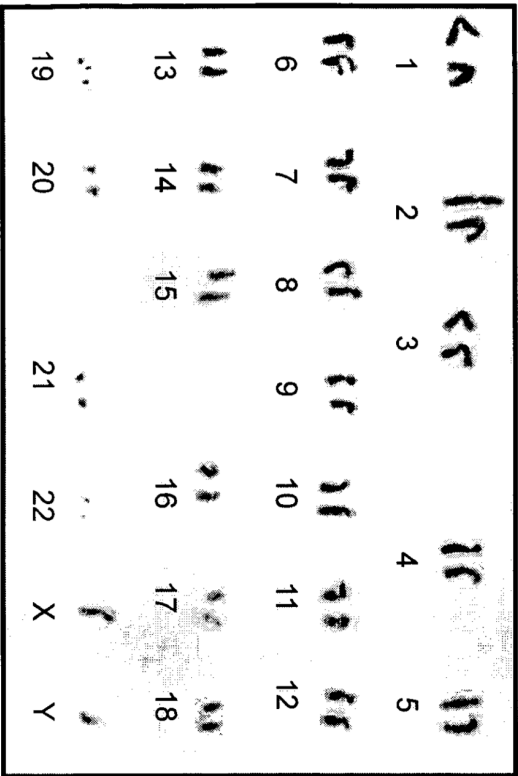


Figura 13

FIGURA 14

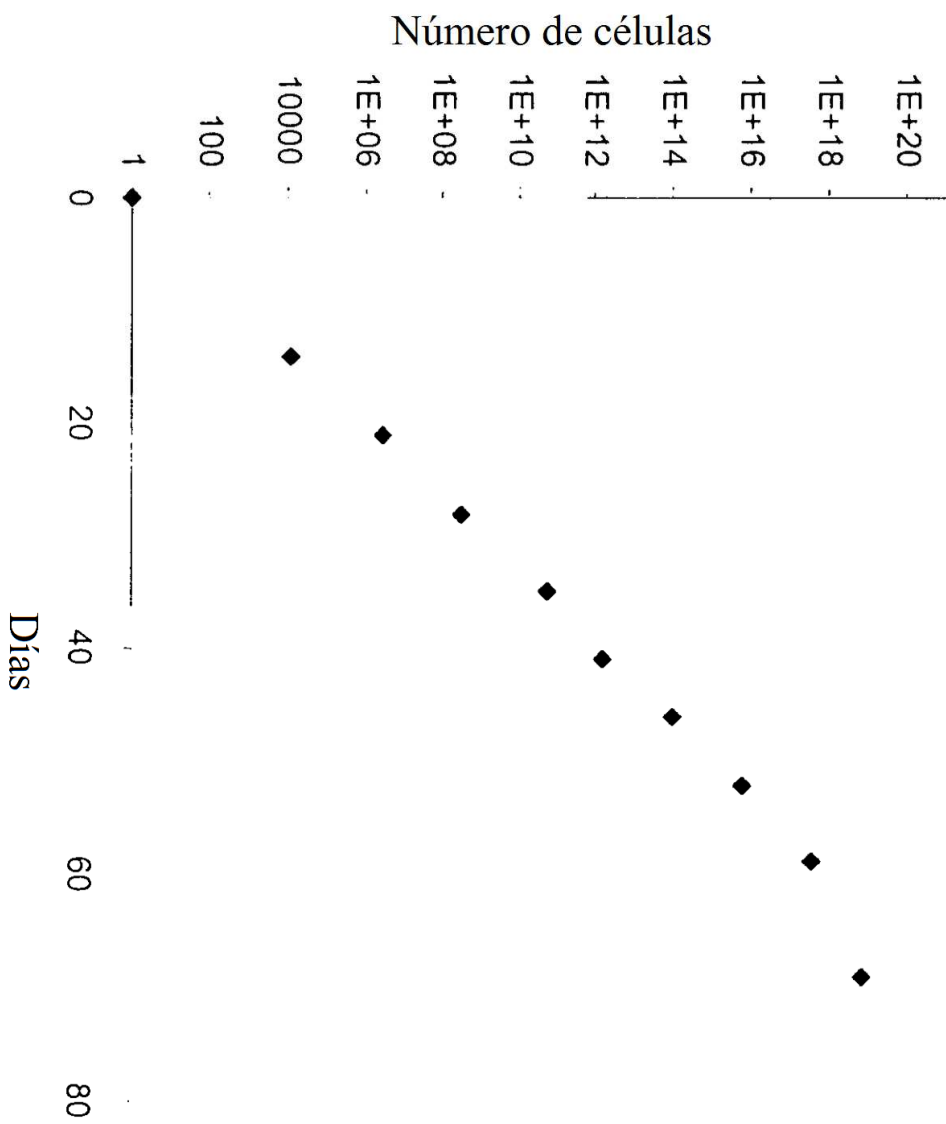
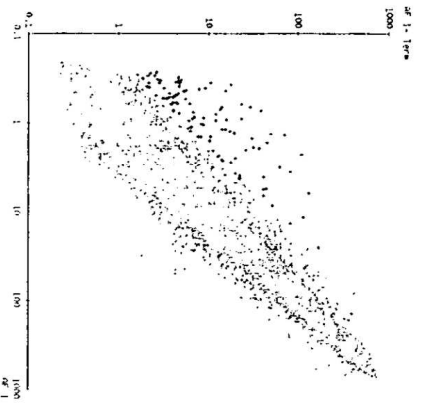
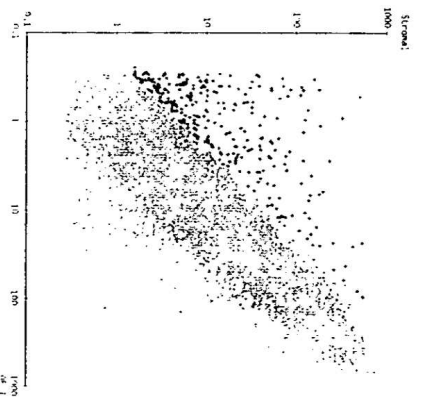


FIGURA 15

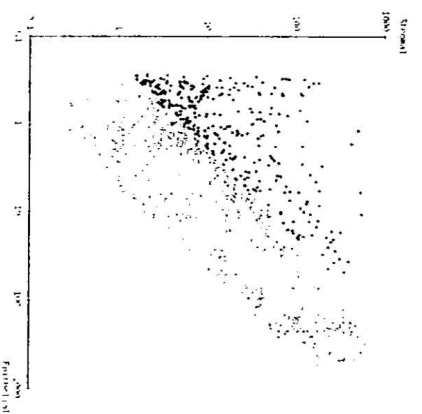
Coefficiente de correlación =0.98
AF-I vs AF-I Termino



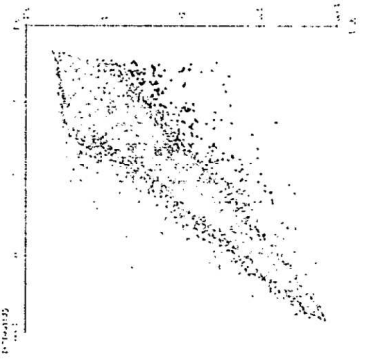
Coefficiente de correlación =0.93
AF-I vs Estromal



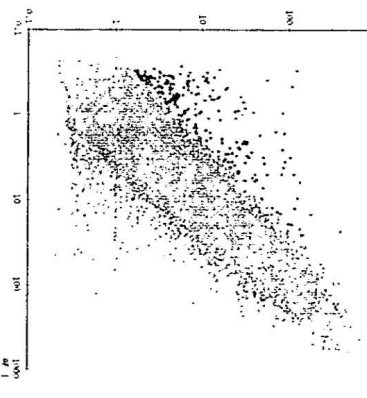
Coefficiente de correlación =0.92



Coefficiente de correlación =0.9
E vs AF-I



Coefficiente de correlación =0.94
AF-II vs AF-I



Coefficiente de correlación =0.93

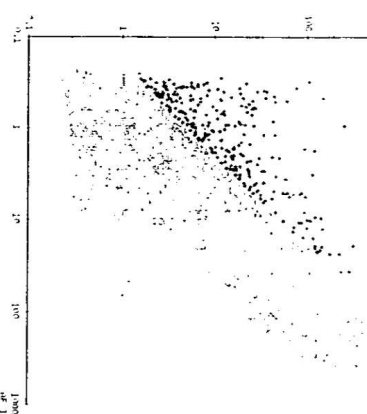


FIGURA 16

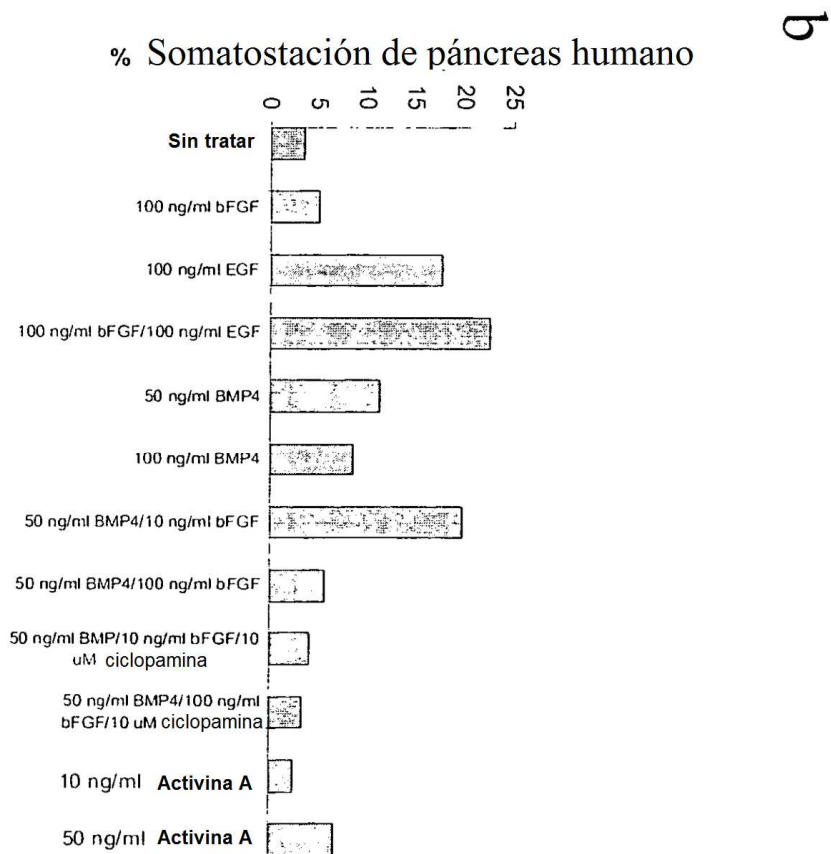
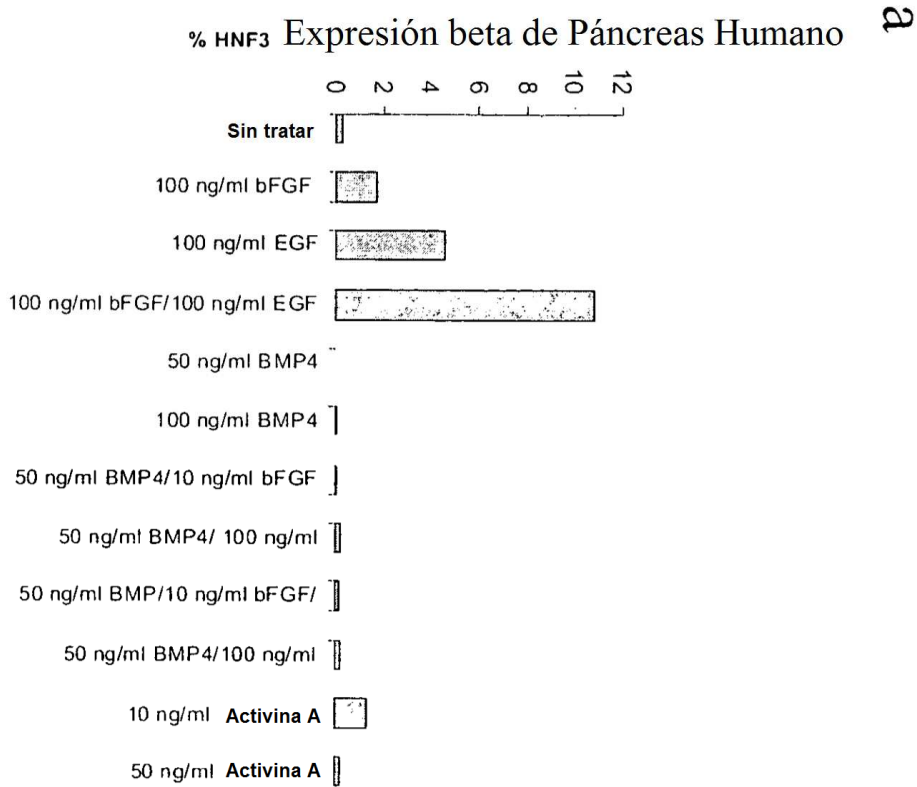


FIGURA 17

