

19



OFICINA ESPAÑOLA DE
PATENTES Y MARCAS

ESPAÑA



11 Número de publicación: **2 608 653**

51 Int. Cl.:

C07K 14/705 (2006.01)

C12N 15/62 (2006.01)

A61K 38/17 (2006.01)

A61K 38/00 (2006.01)

12

TRADUCCIÓN DE PATENTE EUROPEA

T3

86 Fecha de presentación y número de la solicitud internacional: **19.05.2010 PCT/GB2010/000988**

87 Fecha y número de publicación internacional: **25.11.2010 WO10133828**

96 Fecha de presentación y número de la solicitud europea: **19.05.2010 E 10720803 (5)**

97 Fecha y número de publicación de la concesión europea: **02.11.2016 EP 2432802**

54 Título: **Polipéptidos bifuncionales**

30 Prioridad:

20.05.2009 GB 0908613

45 Fecha de publicación y mención en BOPI de la traducción de la patente:

12.04.2017

73 Titular/es:

**IMMUNOCORE LTD. (100.0%)
101 Park Drive, Milton Park
Abingdon OX14 4RY, Oxfordshire , GB**

72 Inventor/es:

**JAKOBSEN, BENT, KARSTEN;
VUIDEPOT, ANNE LISE, BRIGITTE y
LI, YI**

74 Agente/Representante:

ISERN JARA, Jorge

ES 2 608 653 T3

Aviso: En el plazo de nueve meses a contar desde la fecha de publicación en el Boletín Europeo de Patentes, de la mención de concesión de la patente europea, cualquier persona podrá oponerse ante la Oficina Europea de Patentes a la patente concedida. La oposición deberá formularse por escrito y estar motivada; sólo se considerará como formulada una vez que se haya realizado el pago de la tasa de oposición (art. 99.1 del Convenio sobre Concesión de Patentes Europeas).

DESCRIPCIÓN

Polipéptidos bifuncionales

5 La presente invención se refiere a un polipéptido bifuncional que comprende un compañero de unión específico para un epítipo de péptido-MHC, tal como un anticuerpo o un receptor de linfocitos T ("TCR"), y un efector inmunológico, tal como un anticuerpo o una citoquina, con la parte del efector inmunológico estando unida al extremo N-terminal de la parte de unión al péptido-MHC.

10 Antecedentes de la invención

Los TCR median el reconocimiento de complejos de Complejo Específico de Histocompatibilidad Principal (MHC)-péptido ("complejos de pMHC") que se presentan como epítipos en células de presentación de antígenos (APC), y los TCR median el reconocimiento de tales epítipos de pMHC por linfocitos T. Como tal, los TCR son esenciales para el funcionamiento de la rama celular del sistema inmunológico.

15 También se conocen anticuerpos que se unen de forma específica para epítipos de pMHC presentados por células de presentación de antígenos (véase por ejemplo: Neethling FA. *et al.*, *Vaccine* (2008) 26 (25): 3092-102). Existen anticuerpos de fragmento de unión antígeno (Fab) (véase por ejemplo: Chames P. *et al.*, *Proc Natl Acad Sci U S A* (2000) 97 (14): 7969-74; Willemsen RA. *et al.*, *J Immunol* (2005) 174 (12): 7853-8; Willemsen R. *et al.*, *Cytometry A* (2008) 73 (11): 1093-9) o fragmentos de anticuerpo de una sola cadena (scFv) (véase por ejemplo: Denkberg G. *et al.*, *J Immunol* (2003) 171 (5): 2197-207; Marget M. *et al.*, *Mol Immunol* (2005) 42 (5): 643-9) que se unen de forma específica a epítipos de pMHC.

25 El TCR nativo es una proteína de superficie celular heterodimérica de la superfamilia de inmunoglobulina que está asociada con proteínas invariantes del complejo CD3 implicado en la mediación de la transducción de señales. Los TCR existen en las formas $\alpha\beta$ y $\gamma\delta$, que son estructuralmente similares, pero que tienen ubicaciones anatómicas y probablemente funciones muy distintas. Los ligandos de clase I y clase II de MHC también son proteínas de superfamilia de inmunoglobulina, pero están especializados para presentación de antígenos, con un sitio de unión de péptido altamente polimórfico que les permite presentar una diversidad de fragmentos peptídicos cortos en la superficie celular APC.

35 La porción extracelular de los TCR $\alpha\beta$ heterodiméricos nativos consiste en dos polipéptidos (las cadenas α y β), cada uno de los cuales tiene un dominio constante proximal a la membrana y un dominio variable distal de la membrana. Cada uno de los dominios constante y variable incluye un puente disulfuro intracadena. Los dominios variables contienen los bucles altamente polimórficos análogos a las regiones determinantes de complementariedad (CDR) de los anticuerpos. CDR3 de los TCR $\alpha\beta$ interactúan con el péptido presentado por MHC, y las CDR 1 y 2 de los TCR $\alpha\beta$ interactúan con el péptido y el MHC. La diversidad de las secuencias de TCR se genera a través de la reorganización somática de la variable ligada (V), diversidad (D), unión (J), y genes constantes (C).

40 Los polipéptidos de cadena α funcionales están formados por regiones V-J-C reordenadas, mientras que las cadenas β consisten en regiones V-D-J-C. El dominio constante extracelular tiene una región proximal de membrana y una región de inmunoglobulina. Hay un solo dominio de cadena constante, conocido como TRAC. El dominio constante de la cadena β está formado por uno de los dos dominios constantes β diferentes, conocidos como TRBC1 y TRBC2 (nomenclatura IMGT). Hay cuatro cambios de aminoácidos entre estos dominios β constantes. Todos estos cambios están dentro del exón 1 de TRBC1 y TRBC2: $N_4K_5 \rightarrow K_4N_5$ y $F_{37} \rightarrow Y$ (numeración IMGT, diferencias de TRBC1 \rightarrow TRBC2 siendo el cambio final de aminoácidos entre las dos regiones constantes de cadena β de TCR en el exón 3 de TRBC1 y TRBC2: $V_1 \rightarrow E$).

50 Hasta la fecha se han ideado un número de construcciones para la producción de los TCR recombinantes. Estas construcciones se dividen en dos clases amplias, los TCR de cadena sencilla y los TCR diméricos. Los TCR de cadena sencilla (scTCR) son construcciones artificiales que consisten en una única cadena de aminoácidos, que al igual que los TCR heterodiméricos nativos se unen a complejos de MHC-péptido. Los scTCR pueden consistir en una combinación de regiones variables de TCR α y β ($V\alpha$ y $V\beta$ respectivamente) y regiones constantes de TCR α y β ($C\alpha$ y $C\beta$ respectivamente), unidas por una secuencia conectora (L) en varias orientaciones posibles, por ejemplo, pero que no se limitan a, las siguientes $V\alpha$ -L- $V\beta$, $V\beta$ -L- $V\alpha$, $V\alpha$ - $C\alpha$ -L- $V\beta$ o $V\beta$ - $C\beta$ -L- $V\alpha$.

60 Un número de artículos describe la producción de heterodímeros de TCR que incluyen el puente disulfuro nativo que conecta las subunidades respectivas. Sin embargo, aunque tales TCR pueden ser reconocidos por anticuerpos específicos de TCR, no se ha demostrado que ninguno de ellos reconozca su ligando nativo en nada que no sea concentraciones relativamente elevadas y/o no sean estables.

65 En el documento WO 03/020763 se describe un TCR soluble que está plegado correctamente de manera que es capaz de reconocer su ligando nativo, es estable durante un periodo de tiempo y se puede producir en cantidades razonables. Este TCR comprende un dominio extracelular de cadena α de TCR dimerizado con respecto a un

dominio extracelular de cadena β de TCR respectivamente, por medio de un puente disulfuro intercadena entre cisteínas introducidas en las regiones constantes de las respectivas cadenas.

5 Los compañeros de unión a pMHC específicos, es decir, anticuerpos específicos para epítomos de pMHC, y los TCR de ambos tipos tanto heterodimérico como de una sola cadena, se han propuesto como vectores diana para la administración de agentes terapéuticos para células de presentación de antígeno. Para ese fin, se requiere que el agente terapéutico se asocie de algún modo con el compañero de unión a pMHC. Los agentes terapéuticos que se han sugerido para dicha administración dirigida en asociación con los compañeros de unión a pMHC incluyen anticuerpos (véase, por ejemplo: Mosquera LA. *et al.*, J Immunol (2005) 174 (7): 4381-8), citoquinas (véase por ejemplo: Belmont HJ. *et al.*, Clin Immunol (2006) 121 (1): 29-39; Wen J. *et al.*, Cancer Immunol Immunother (2008) 57 (12): 1781-94), y agentes citotóxicos. Cuando el agente terapéutico es un polipéptido, los medios de asociación con el compañero de unión a pMHC pueden ser por fusión peptídica, ya sea fusión directa o fusión a través de una secuencia conectora, al compañero de unión a pMHC. En estos casos, hay esencialmente solamente dos posibilidades de fusión. En el caso de anticuerpos de una sola cadena o los TCR, la fusión puede estar en principio en el extremo C- o N-terminal de la cadena de TCR; en el caso de anticuerpos heterodiméricos o los TCR, la fusión puede estar en principio en el extremo C- o N-terminal de cualquier cadena. Sin embargo, en la práctica, parece que todos los ejemplos conocidos de fusiones de agentes de unión a pMHC-agente terapéutico han sido con el agente terapéutico fusionado en el extremo C-terminal (véase por ejemplo: Mosquera LA. *et al.*, J Immunol (2005) 174 (7): 4381-8; Belmont HJ. *et al.*, Clin Immunol (2006) 121 (1): 29-39; Wen J. *et al.*, Cancer Immunol Immunother (2008) 57 (12): 1781-94). Esto se produce por funcionalidad de un anticuerpo o TCR, ya sea heterodimérico o de una sola cadena, depende del plegamiento y la orientación correctos de las regiones variables. La fusión del agente terapéutico en el extremo N-terminal del compañero de unión a pMHC le coloca más allá de una de las regiones variables, y se ha producido una suposición en la técnica de que el agente terapéutico situado en el extremo N-terminal interferirá con la unión del anticuerpo o TCR con el complejo de pMHC, reduciendo de ese modo su eficacia de unión.

Breve descripción de la invención

30 Al contrario de la suposición en la técnica, ahora se ha encontrado que las moléculas bifuncionales en las que una parte de efecto inmunológico está fusionada con el extremo N-terminal de un compañero de unión a pMHC son más eficaces en su introducción de la respuesta inmunológica relevante que la de la construcción correspondiente en la que la fusión se produce en el extremo C-terminal del compañero de unión a pMHC. Este aumento de la respuesta inmunológica de la construcción fusionada en N se consigue a pesar de las afinidades de unión a pMHC similares de las versiones N- y C-fusionadas.

35 Por lo tanto, la presente invención se refiere a una molécula bifuncional molécula que comprende un compañero de unión a polipéptido específico para un epítomo de pMHC dado, y un polipéptido efector inmunológico, estando el extremo N-terminal del compañero de unión a pMHC unido al extremo C-terminal del polipéptido efector inmunológico, con la condición de que dicho compañero de unión a polipéptido no sea un receptor de linfocitos T que comprenda la cadena alfa de SEQ ID No: 7 y la cadena beta de SEQ ID No: 9 en la que el compañero de unión a pMHC es un par de polipéptidos TCR $\alpha\beta$ heterodiméricos, o un polipéptido TCR $\alpha\beta$ de una sola cadena, y el extremo N-terminal de la cadena α o β del par de polipéptidos TCR heterodiméricos, o el extremo N-terminal del polipéptido scTCR, está unido a un aminoácido C-terminal del polipéptido efector inmunológico y en la que el polipéptido efector inmunológico es un anticuerpo que se une de forma específica a un antígeno presentado por un linfocito T.

45 El compañero de unión a pMHC puede ser un par de polipéptidos TCR $\alpha\beta$ heterodiméricos en el que cada uno de los polipéptidos α y β tienen TCR variable y regiones constantes, pero carecen de regiones TCR transmembrana y citoplasmática. Las regiones constantes de los polipéptidos α y β se pueden unir mediante un puente disulfuro entre restos de cisteínas sustituidos por Thr 48 del exón 1 de TRAC1 y Ser 57 del exón 1 de TRBC1 o TRBC2, o mediante el puente disulfuro nativo entre Cys4 del exón 2 de TRAC1 y Cys2 del exón 2 de TRBC1 o TRBC2.

El compañero de unión a pMHC puede ser un polipéptido TCR $\alpha\beta$ de una sola cadena.

55 El anticuerpo puede ser un anticuerpo scFv. El anticuerpo puede ser un anticuerpo anti-CD3 tal como, OKT3, UCHT-1, BMA031 o 12F6.

Descripción detallada de la invención

60 En consecuencia, la presente invención proporciona una molécula bifuncional que comprende un compañero de unión a polipéptido específico para un epítomo de pMHC dado, y un polipéptido efector inmunológico, estando el extremo N-terminal del compañero de unión a pMHC unido al extremo C-terminal del polipéptido efector inmunológico, CON LA CONDICIÓN DE QUE dicho compañero de unión a polipéptido no sea un receptor de linfocitos T que comprenda la cadena alfa de SEQ ID No: 7 y la cadena beta de SEQ ID No: 9.

65 Como se ha mencionado, el compañero de unión a pMHC polipeptídico es un TCR. En la invención, el compañero de unión a pMHC es un par de polipéptidos TCR $\alpha\beta$ heterodiméricos, o un polipéptido TCR $\alpha\beta$ de una sola cadena, y

el extremo N-terminal de la cadena α o β del par polipeptídico de TCR heterodimérico, o el extremo N-terminal del polipéptido scTCR, está unido a un aminoácido C-terminal del polipéptido efector inmunológico.

La unión del compañero de unión a pMHC y el polipéptido efector inmunológico puede ser directa, o indirecta a través de una secuencia conectora. Las secuencias conectoras normalmente son simples, porque están formadas por aminoácidos tales como glicina, alanina y serina que no tienen cadenas laterales voluminosas que probablemente limitan la flexibilidad. Las longitudes utilizables u óptimas de secuencias conectoras se determinan fácilmente en el caso de cualquier construcción dada de compañero de unión a pMHC-efector inmunológico. A menudo la secuencia conectora tendrá una longitud de menos de aproximadamente 12, tal como menos de 10, o de 5-10 aminoácidos.

En algunas realizaciones de la invención, el compañero de unión a pMHC es un par de polipéptidos TCR $\alpha\beta$ heterodiméricos en el que cada uno de los polipéptidos α y β tienen regiones TCR variables y constantes, pero carecen de regiones TCR transmembrana y citoplasmática. En tales casos, la parte de TCR es soluble. En moléculas bifuncionales particularmente precedentes de este tipo, está presente un puente disulfuro no nativo entre restos de las regiones constantes de los polipéptidos α y β de TCR. En particular, las regiones constantes de los polipéptidos α y β pueden estar unidas mediante un puente disulfuro entre restos de cisteína sustituidos por Thr 48 del exón 1 de TRAC1 y Ser 57 del exón 1 de TRBC1 o TRBC2, o por el puente disulfuro nativo entre Cys4 del exón 2 de TRAC*01 y Cys2 del exón 2 de TRBC1 o TRBC2.

En otras realizaciones de la invención, el compañero de unión a pMHC es un polipéptido TCR $\alpha\beta$ de una sola cadena del tipo $V\alpha$ -L- $V\beta$, $V\beta$ -L- $V\alpha$, $V\alpha$ - $C\alpha$ -L- $V\beta$ o $V\beta$ - $C\beta$ -L- $V\alpha$ en el que $V\alpha$ y $V\beta$ son regiones variables α y β de TCR respectivamente, $C\alpha$ y $C\beta$ son regiones constantes α y β de TCR respectivamente, y L es una secuencia conectora.

Se conoce en polipéptidos efectores inmunológicos. Son moléculas que inducen o estimulan una respuesta inmunológica, a través de activación directa o indirecta de la rama humoral o celular del sistema inmunológico, tal como mediante activación de los linfocitos T. Los ejemplos incluyen: anticuerpo Anti-CD2, anticuerpo Anti-CD3, anticuerpo Anti-CD4, anticuerpo Anti-CD8, anticuerpo Anti-CD44, anticuerpo Anti-CD45RA, anticuerpo Anti-CD45RB, anticuerpo Anti-CD45RO, anticuerpo Anti-CD49a, anticuerpo Anti-CD49b, anticuerpo Anti-CD49c, anticuerpo Anti-CD49d, anticuerpo Anti-CD49e, anticuerpo Anti-CD49f, anticuerpo Anti-CD16, anticuerpo Anti-CD28, anticuerpos Anti-IL-2R. El polipéptido efector inmunológico es un anticuerpo que puede ser un anticuerpo scFv, siendo uno de los mencionados un anticuerpo scFv anti-CD3. Los ejemplos de anticuerpos anti-CD3 incluyen, pero no se limitan a, OKT3, UCHT-1, BMA031 y 12F6.

Los principios de la invención se ilustran en los Ejemplos que siguen a continuación.

Ejemplo A. Preparación de los TCR $\alpha\beta$ solubles que tiene en polipéptidos efectores fusionados al extremo C- o N-terminal de la cadena β de TCR

A1. TCR de NY-ESO soluble con Anticuerpo Anti-CD3 como Polipéptido Efector

El TCR de NY-ESO soluble de este ejemplo tiene la propiedad de unirse al péptido SLLMWITQV cuando está presente en una molécula de HLA-A2.

La SEQ ID No: 1 (Figura 1) es la secuencia de aminoácidos de la cadena alfa de un TCR de NY-ESO, en el que C162 (usando la numeración de SEQ ID No: 1) sustituye a T48 de su región constante TRAC.

La SEQ ID No: 2 (Figura 2) es la secuencia de aminoácidos de la cadena beta de TCR de NY-ESO, en la que C170 (usando la numeración de SEQ ID No: 2) que incluye a S57 de su región constante TRBC2.

La SEQ ID No: 3 (Figura 3) es la secuencia de aminoácidos de un anticuerpo de scFv anti CD3 UCHT-1, que es la secuencia intra conector subrayada.

La Figura 4 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR de $\alpha\beta$ de NY-ESO soluble que tiene la cadena α de SEQ ID No: 1 y la cadena β de SEQ ID No: 2, y que tiene el anticuerpo de scFv anti CD3 UCHT-1 de SEQ ID No: 3 fusionado en el extremo N-terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 2 a través de una secuencia conectora L1, en particular GGECS (SEQ ID No: 4).

La SEQ ID No: 14 (Figura 16) es la secuencia de aminoácidos de la cadena beta de la figura 2 con el extremo N-terminal de un anticuerpo scFv anti-CD3 fusionado con el extremo C-terminal de la cadena beta de TCR a través de otra secuencia conectora peptídica (subrayada).

La SEQ ID No: 15 (Figura 17) es la secuencia de aminoácidos de la cadena beta de la figura 2 con el extremo C-terminal de un anticuerpo scFv anti-CD3 fusionado con el extremo N-terminal de la cadena beta de TCR a través de la misma secuencia conectora peptídica que en la SEQ ID No: 14 (de nuevo subrayada).

La construcción de la Figura 4 se preparó como sigue a continuación:

Ligación

Los genes sintéticos que codifican (a) la cadena α de TCR de SEQ ID No: 1 y (b) la secuencia de fusión de SEQ ID No: 2 y SEQ ID No: 3, se ligaron por separado en plásmidos de expresión basados en pGMT7, que contienen el promotor T7 para expresión de nivel elevado en la cepa BL21-DE3(pLysS) de *E. coli* (Pan *et al.*, Biotechniques (2000) 29 (6): 1234-8).

Expresión

Los plásmidos de expresión se transformaron por separado en la cepa BL21 (DE3) Rosetta pLysS de *E. coli*, y las colonias resistentes a ampicilina individuales se cultivaron a 37 °C en medio TYP (10 μ g/ml de ampicilina) con una DO₆₀₀ de ~0,6-0,8 antes de inducir la expresión de proteína con IPTG 0,5 mM. Las células se cosecharon tres horas después de la inducción por centrifugación durante 30 minutos a 4000 rpm en una centrifugadora J-6B de Beckman. Los sedimentos celulares se lisaron con 25 ml de Bug Buster (NovaGen) en presencia de MgCl₂ y DNasa. Los sedimentos de cuerpos de inclusión se recuperaron por centrifugación durante 30 minutos a 13000 rpm en una centrifugadora J2-21 de Beckman. A continuación, se realizaron tres lavados con detergente para retirar los residuos celulares y los componentes de la membrana. Cada vez, el sedimento de cuerpos de inclusión se homogeneizaba en un tampón Triton (Tris-HCl 50 mM a pH 8,0, Triton-X100 al 0,5 %, NaCl 200 mM, NaEDTA 10 mM,) antes de sedimentar mediante centrifugación durante 15 minutos a 13000 rpm en una centrifugadora J2-21 de Beckman. A continuación, se retiró el detergente y la sal mediante un lavado similar en el siguiente tampón: Tris-HCl 50 mM a pH 8,0, NaEDTA 1 mM. Por último, los cuerpos de inclusión se dividieron en alícuotas de 30 mg y se congelaron a -70 °C.

Replegamiento

Aproximadamente 20 mg de cadena α de TCR y 40 mg cuerpos de inclusión solubilizados de cadena β de scFv-TCR se descongelaron a partir de soluciones de reserva congeladas, diluidos en 20 ml de una solución de guanidina (clorhidrato de guanidina 6 M, Tris HCl 50 mM a pH 8,1, NaCl 100 mM, EDTA 10 mM, DTT 20 mM), y se incubó en un baño de agua a 37 °C durante 30 min-1 hr para asegurar la desnaturalización completa de la cadena. A continuación, la solución de guanidina que contenía cadenas de TCR totalmente reducidas y desnaturalizadas se inyectó en 1 litro del siguiente tampón de replegamiento: Tris 100 mM a pH 8,1, L-Arginina 400 mM, EDTA 2 mM, Urea 5 M. El par redox (clorhidrato de cistamina y diclorhidrato de cistamina (a concentraciones finales de 16 mM y 1,8 mM, respectivamente)) se añadieron aproximadamente 5 minutos antes de la adición de las cadenas α de TCR y β de scFv-TCR desnaturalizadas. La solución se dejó durante ~30 minutos. El scFv-TCR replegado se dializó en membranas de celulosa con tubo de diálisis (Sigma-Aldrich; Producto N.º D9402) frente a 10 l de H₂O durante 18-20 horas. Después de este tiempo, el tampón de diálisis se cambió dos veces a Tris 10 mM recién preparado a pH 8,1 (10 l) y la diálisis continuó a 5 °C \pm 3 °C durante otras ~8 horas. El scFv-TCR soluble y correctamente plegado se separó de los productos de degradación legados de forma errónea e impurezas con un método de purificación de 3 etapas como se describe a continuación. La segunda etapa de purificación puede ser cualquiera de una cromatografía de intercambio iónico o una cromatografía por afinidad, dependiendo del pI de la fusión anti-CD3 scFv-TCR soluble.

Primera etapa de purificación

El replegamiento dializado (en Tris 10 mM a pH 8,1) se cargó en una columna de intercambio aniónico POROS 50HQ y eluyendo la proteína unida con un gradiente de NaCl 0-500 mM sobre 6 volúmenes de columna usando un purificador Akta (GE Healthcare). Las fracciones del pico (que eluyen a una conductividad ~20 mS/cm) se almacenaron a 4 °C. Las fracciones del pico se analizaron con SDS-PAGE teñido con Colorante Instant Blue (Novexin) antes de su combinación.

Segunda etapa de purificación

Cromatografía de intercambio iónico

Purificación por intercambio catiónico

El tampón de las fracciones combinadas por intercambio aniónico se intercambió mediante dilución con MES 20 mM a pH 6-6,5, dependiendo del pI de la fusión de scFv-TCR. El scFv-TCR soluble y correctamente plegado se separó de los productos de degradación plegados de manera errónea cargando las fracciones combinadas diluidas (en MES 20 mM a pH 6-6,5) en una columna de intercambio catiónico POROS 50HS y eluyendo la proteína unida con un gradiente de NaCl 0-500 mM sobre 6 volúmenes de columna usando un purificador Akta (GE Healthcare). Las fracciones del pico (que eluyen a una conductividad ~10 mS/cm) se almacenaron a 4 °C.

Como alternativa, la purificación de intercambio iónico usando matriz de hidroxiapatita se puede usar como se explica a continuación.

Cromatografía de hidroxiapatita

El tampón de las fracciones combinadas por intercambio aniónico se intercambié mediante dilución con NaH_2PO_4 10 mM a pH 6,0. El scFv-TCR soluble y correctamente plegado se separó de los productos de degradación plegados de manera errónea cargando las fracciones combinadas diluidas (en NaH_2PO_4 10 mM a pH 6,0) en una columna de hidroxiapatita y eluyendo la proteína unida con un gradiente de NaH_2PO_4 10-500 mM/ NaCl 1 M sobre 6 volúmenes de columna usando un purificador Akta (GE Healthcare). Las fracciones del pico (que eluyen a una conductividad ~ 20 mS/cm) se almacenaron a 4 °C.

Cromatografía por afinidad

Para algunas fusiones de scFv-TCR con un pI cercano a 6-6,5, la etapa de intercambio iónico no se puede usar pero se puede sustituir por una etapa de cromatografía por afinidad. La columna de cromatografía por afinidad hacia proteína L (Pierce, número de producto 89928) aísla y purifica ciertas clases de inmunoglobulina a través de sus cadenas ligeras kappa. La proteína L también se puede unir a fragmentos variables de una sola cadena (scFv). El tampón de las fracciones combinadas por intercambio aniónico se intercambié mediante dilución con PBS/azida sódica al 0,02 %. El scFv-TCR soluble y correctamente plegado se separó de los productos de degradación plegados de manera errónea cargando las fracciones combinadas diluidas en una columna de Proteína L y eluyendo la proteína unida con un gradiente de Glicina 0-25 mM a pH 2,3/azida sódica al 0,02 % sobre 3 volúmenes de columna usando un purificador Akta (GE Healthcare). El scFv-TCR eluyó muy tarde en el gradiente y el pH de las fracciones eluidas se neutralizó mediante adición de Tris a pH 8,1 (concentración final de Tris 100 mM a pH 8,1). Las fracciones del pico se almacenaron a 4 °C.

Etapa final de purificación

Las fracciones del pico de la segunda etapa de purificación se analizaron con SDS-PAGE teñido con Colorante Instant Blue (Novexin) antes de su combinación. A continuación, las fracciones combinadas se concentraron para la etapa de purificación final, cuando el scFv-TCR soluble se purificó y se caracterizó usando una columna de filtración en gel Superdex S200 (GE Healthcare) equilibrada previamente en tampón de PBS (Sigma). El pico que eluye a un peso molecular relativo de aproximadamente 78 kDa se analizó con SDS-PAGE teñido con Colorante Instant Blue (Novexin) antes de su combinación.

Las construcciones de las Figuras 5, 6 y 7 se prepararon de una manera similar a la que se ha descrito para la construcción de la Figura 4:

La Figura 5 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR $\alpha\beta$ de NY-ESO soluble que tiene la cadena α de SEQ ID No: 1 y la cadena β de SEQ ID No: 2, y que tiene el anticuerpo scFv anti CD3 UCHT-1 de SEQ ID No: 3 fusionado en el extremo N terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 2 a través de una secuencia conectora L2, en particular AHHSEDPSSKAPKAP (SEQ ID No: 5).

La Figura 6 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR $\alpha\beta$ de NY-ESO soluble que tiene la cadena α de SEQ ID No: 1 y la cadena β de SEQ ID No: 2, y que tiene el anticuerpo scFv anti CD3 UCHT-1 de SEQ ID No: 3 fusionado en el extremo N terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 2 a través de una secuencia conectora L3, en particular GGEGGGSEGGGS (SEQ ID No: 6).

La Figura 7 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR $\alpha\beta$ de NY-ESO soluble que tiene la cadena α de SEQ ID No: 1 y la cadena β de SEQ ID No: 2, y que tiene el anticuerpo scFv anti CD3 UCHT-1 de SEQ ID No: 3 fusionado en el extremo C terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 2 a través de una secuencia conectora L4 que en este caso es el aminoácido individual S.

Las proteínas de fusión que tienen la cadena α de TCR de SEQ ID No: 1 y la cadena β de TCR de scFv anti-CD3 de SEQ ID No: 14, en la que el anti-CD3 scFv se fusiona con el extremo C-terminal de la cadena beta de TCR, o la cadena α de TCR de SEQ ID No: 1 y la cadena β de TCR de scFv anti-CD3 de SEQ ID No: 15, en la que el scFv anti-CD3 se fusiona con el extremo N-terminal de la cadena beta de TCR se prepararon de una manera similar a la que se ha descrito para las construcciones de las Figuras 4, 5, 6 y 7.

A2. TCR quimérico soluble con Citoquinas como Polipéptidos Efectores

La SEQ ID No: 7 (Figura 8) es la secuencia de aminoácidos de la cadena alfa de un TCR que tiene la propiedad de unirse a un péptido obtenido a partir de insulina de murino, LYLVCGERG (SEQ ID NO: 8), presentado por el complejo H-2K^d de murino. (LYLVCGERG- H-2K^d), en el que C158 (usando la numeración de SEQ ID No: 7) sustituye a T48 de su región constante TRAC.

La SEQ ID No: 9 (Figura 9) es la secuencia de aminoácidos de la cadena beta del mismo TCR que se une al complejo LYLVCGERG- H-2K^d de murino, en el que C171 (usando la numeración de SEQ ID No: 9) sustituye a S57 de su región constante TRBC2.

5 El TCR de SEQ ID No: 7 y 9 es un TCR quimérico que consiste en una cadena alfa y beta de TCR, cada una comprendiendo una región variable de murino una región constante humana. La versión quimérica del TCR se construyó para mejorar los problemas de replegamiento encontrados con el TCR totalmente murino, y se mostró que el TCR quimérico tenía la misma afinidad que el TCR murino para el complejo H-2K^d de péptido-murino obtenido a partir de insulina de murino.

10 La SEQ ID No: 10 (Figura 10) es la secuencia de aminoácidos de un polipéptido IL-4 de murino.

La SEQ ID No: 11 (Figura 11) es la secuencia de aminoácidos de un polipéptido IL-13 de murino.

15 La Figura 12 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR $\alpha\beta$ de de insulina quimérico que tiene la cadena α de SEQ ID No: 7 y la cadena β de SEQ ID No: 9, y que tiene el IL-4 de murino de SEQ ID No: 10 fusionado en el extremo N terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 9 a través de la secuencia conectora L5, en particular GGEGGGP (SEQ ID No: 12).

20 La Figura 13 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR $\alpha\beta$ de de insulina quimérico que tiene la cadena α de SEQ ID No: 7 y la cadena β de SEQ ID No: 9, y que tiene el IL-4 de murino de SEQ ID No: 10 fusionado en el extremo C terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 9 a través de la secuencia conectora L6, en particular GSGGP (SEQ ID No: 13).

25 La Figura 14 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR $\alpha\beta$ de de insulina quimérico que tiene la cadena α de SEQ ID No: 7 y la cadena β de SEQ ID No: 9, y que tiene el IL-13 de murino de SEQ ID No: 11 fusionado en el extremo N terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 9 a través de la secuencia conectora L5, en particular GGEGGGP (SEQ ID No: 12).

30 La Figura 15 muestra en forma de diagrama de bloques la estructura de un TCR $\alpha\beta$ de de insulina quimérico que tiene la cadena α de SEQ ID No: 7 y la cadena β de SEQ ID No: 9, y que tiene el IL-13 de murino de SEQ ID No: 11 fusionado en el extremo C terminal de la cadena β de TCR de SEQ ID No: 9 a través de la secuencia conectora L6, en particular GSGGP (SEQ ID No: 13).

35 Las construcciones de las Figuras 12 - 15 se prepararon como sigue a continuación.

Ligación

40 Los genes sintéticos que codifican (a) la cadena α de TCR de SEQ ID No: 7 y (b) la secuencia de fusión de SEQ ID No: 9 y SEQ ID No: 10 o 11, se ligaron por separado en plásmidos de expresión basados en pGMT7, que contienen el promotor T7 para expresión de nivel elevado en la cepa BL21-DE3(pLysS) de *E. coli* (Pan *et al.*, Biotechniques (2000) 29 (6): 1234-8).

Expresión

45 Los plásmidos de expresión que contienen la cadena α de TCR y citoquina – cadena β , respectivamente se transformaron por separado en la cepa BL21 (DE3) Rosetta pLysS de *E. coli*, y las colonias resistentes a ampicilina individuales se cultivaron a 37 °C en medio TYP (10 μ g/ml de ampicilina) con una DO₆₀₀ de ~0,6-0,8 antes de inducir la expresión de proteína con IPTG 0,5 mM. Las células se cosecharon tres horas después de la inducción por centrifugación durante 30 minutos a 4000 rpm en una centrifugadora J-6B de Beckman. Los sedimentos celulares se lisaron con 25 ml de Bug Buster (NovaGen) en presencia de MgCl₂ y DNasa. Los sedimentos de cuerpos de inclusión se recuperaron por centrifugación durante 30 minutos a 13000 rpm en una centrifugadora J2-21 de Beckman. A continuación, se realizaron tres lavados con detergente para retirar los residuos celulares y los componentes de la membrana. Cada vez, el sedimento de cuerpos de inclusión se homogeneizaba en un tampón Triton (Tris-HCl 50 mM a pH 8,0, Triton-X100 al 0,5 %, NaCl 200 mM, NaEDTA 10 mM,) antes de sedimentar mediante centrifugación durante 15 minutos a 13000 rpm en una centrifugadora J2-21 de Beckman. A continuación, se retiró el detergente y la sal mediante un lavado similar en el siguiente tampón: Tris-HCl 50 mM a pH 8,0, NaEDTA 1 mM. Por último, los cuerpos de inclusión se dividieron en alícuotas de 30 mg y se congelaron a -70 °C. El rendimiento de la proteína de cuerpos de inclusión se cuantificó por solubilización con guanidina-HCl 6 M y se tomó una medición de la DO en un espectrofotómetro U-2001 de Hitachi. A continuación, la concentración de proteínas se calculó usando el coeficiente teórico de extinción.

Replegamiento

65 Aproximadamente 20 mg de cadena α de TCR y 40 mg cuerpos de inclusión solubilizados de cadena β de citoquina-TCR se descongelaron a partir de soluciones de reserva congeladas, diluidos en 20 ml de una solución de guanidina

(clorhidrato de guanidina 6 M, Tris HCl 50 mM a pH 8,1, NaCl 100 mM, EDTA 10 mM, DTT 20 mM), y se incubó en un baño de agua a 37 °C durante 30 min-1 hr para asegurar la desnaturalización completa de la cadena. A continuación, la solución de guanidina que contenía cadenas de TCR totalmente reducidas y desnaturalizadas se inyectó en 1 litro de tampón de replegamiento frío (5-10 °C): Tris 100 mM a pH 8,1, L-Arginina 400 mM, EDTA 2 mM, Urea 5 M. El par redox (clorhidrato de cistamina y diclorhidrato de cistamina (a concentraciones finales de 10 mM y 2,5 mM, respectivamente)) se añadieron aproximadamente 5 minutos antes de la adición de las cadenas α de TCR y β de citoquina-TCR desnaturalizadas. La solución se dejó durante ~30 minutos. El citoquina-TCR replegado se dializó en membranas de celulosa con tubo de diálisis (Sigma-Aldrich; Producto N.º D9402) frente a 10 l de H₂O durante 18-20 horas. Después de este tiempo, el tampón de diálisis se cambió dos veces a Tris 10 mM recién preparado a pH 8,1 (10 l) y la diálisis continuó a 5 °C \pm 3 °C durante otras ~8 horas.

Purificación

La fusión de citoquina-TCR solubles se separó a partir de productos de degradación e impurezas mediante un método de purificación de 3 etapas a TA como se describe a continuación.

Primera etapa de purificación

El replegamiento dializado se filtró usando una cápsula Sartopore de 0,2 μ m (Sartorius) antes de purificación en columna. El replegamiento filtrado se cargó en una columna de intercambio aniónico POROS 50HQ y eluyendo la proteína unida con un gradiente de NaCl 0-500 mM sobre 6 volúmenes de columna usando un purificador Akta (GE Healthcare). Las fracciones del pico que eluyen a NaCl 250 mM, que consisten en la proteína plegada correctamente, se almacenaron a 4 °C. Las fracciones del pico se analizaron con SDS-PAGE teñido con Colorante Instant Blue (Novexin) antes de su combinación.

Segunda etapa de purificación

Las fracciones combinadas que contienen citoquina-TCR soluble se mezclaron con un volumen equivalente de Tris 50 mM/(NH₄)₂SO₄ 1 M a pH 8 para dar una concentración final de (NH₄)₂SO₄ 0,5 M y una conductividad de 75-80 mS/cm a TA. La citoquina-TCR soluble se separó de los productos de degradación impurezas cargando esta muestra en una columna de interacción hidrófoba de butilo (5 ml de HiTrap de GE Healthcare) equilibrada previamente (Tris 50 mM/(NH₄)₂SO₄ 0,5 M a pH 8) y recogiendo el flujo continuo usando un purificador Akta (GE Healthcare). La muestra de flujo continuo que contenía la citoquina-TCR soluble se analizó con SDS-PAGE teñido con Colorante Instant Blue (Novexin) antes de su combinación y se almacenó a 4 °C.

Etapas final de purificación

Las fracciones combinadas se diluyeron con un volumen equivalente de Tris 10 mM a pH 8 y se concentraron a 10 ml (concentración de \leq 3 mg/ml). La citoquina-TCR soluble se purificó usando una columna de filtración en gel Superdex S200 (GE Healthcare) equilibrada previamente en tampón de PBS (Sigma). El pico que eluye a un peso molecular relativo de aproximadamente 63 kDa se analizó con SDS-PAGE teñido con Colorante Instant Blue (Novexin) antes de su combinación.

Ejemplo B. Propiedades de los TCR $\alpha\beta$ solubles que tienen polipéptidos efectores fusionados con el extremo C- o N-terminal de la cadena β de TCR

B1. TCR de NY-ESO soluble con Anticuerpo Anti-CD3 como Polipéptido Efecto

a. Redirección y activación de linfocitos CD8⁺ T por el TCR de NY-ESO soluble fusionado con anticuerpo anti-CD3 frente a células de presentación de péptido NY-ESO

El siguiente ensayo se realizó para demostrar la activación de linfocitos T citotóxicos (CTL) mediante una fusión de scFv-TCR anti-CD3 a través de un complejo específico de péptido-MHC. La producción de IFN- γ , tal como se mide usando el ensayo ELISPOT, se usó como una lectura para activación de linfocitos T citotóxicos (CTL) y la evaluación de la potencia de la porción de scFv anti-CD3 de la fusión.

Reactivos

Medio de ensayo: FCS al 10 % (Gibco, N.º de Cat 2011-09), 88 % RPMI 1640 (Gibco, N.º de Cat 42401), glutamina al 1 % (Gibco N.º de Cat 25030) y penicilina/estreptomina al 1 % (Gibco N.º de Cat 15070-063).

Péptido: (SLLMWITQV) disuelto inicialmente en DMSO (Sigma, N.º de cat D2650) a 4 mg/ml y congelado. Las células T2 se expulsaron con el péptido descrito y se usaron como células diana. Tampón de lavado: PBS 0,01 M PBS/Tween 20 al 0,05 % PBS (Gibco N.º de Cat 10010).

El kit Enzimático de ELISPOT de PVDF de IFN γ Humano (Diacclone, Francia; N.º de Cat 856.051.020) contiene todos los otros reactivos requeridos. (Solución de anticuerpos de captura y detección, leche en polvo desnatada, BSA, estreptavidina-fosfatasa alcalina y BCIP/NBT así como las placas de 96 pocillos de de ELISPOT de PVDF de IFN- γ Humano)

5

Método

Preparación de células diana

10 Las células diana usadas en este método eran cualquiera de (1) células naturales de presentación de epítipo (tales como células Mel624 o Mel526) o (2) células T2 pulsadas con el péptido de interés, descritas en la sección de reactivos. Las suficientes células diana (50 000 células/pocillo) se lavaron mediante centrifugación tres veces a 1200 rpm, 10 min en una Megafuge 1.0 (Heraeus). A continuación, las células se volvieron a suspender en medio de ensayo a 10⁶ células/ml.

15

Preparación de células efectoras

20 Las células efectoras (linfocitos T) usadas en este método fueron cualquiera de linfocitos CD8⁺ T (obtenidos por selección negativa (usando el Kit de Aislamiento Negativo de CD8, Dynal, N.º de Cat 113.19) de PBL), linfocitos T de una línea de células EBV o las PBMC. Las células efectoras se descongelaron y se colocaron en medio de ensayo antes de su lavado mediante centrifugación a 1200 rpm, 10 min en una Megafuge 1.0 (Heraeus). A continuación, las células se volvieron a suspender en medio de ensayo a una concentración final requerida de 4X.

25

Preparación de reactivo/compuesto de ensayo

Las concentraciones variables de compuestos de ensayo (las fusiones TCR-anti-CD3; de 10 nM a 0,03 pM) se prepararon por dilución en medio de ensayo para dar una concentración final de 4X.

30

ELISPOT

35 Las placas se prepararon como sigue a continuación: 100 μ l de anticuerpo de captura anti-IFN- γ se diluyeron en 10 ml de PBS estéril por placa. A continuación, se tomaron alícuotas de 100 μ l del anticuerpo de captura diluido en cada pocillo. A continuación, las placas se incubaron durante la noche a 4 °C. Después de la incubación, las placas se lavaron (programa 1, placa de tipo 2, lavador de placas de 96 pocillos Ultrawash Plus; Dynex) para retirar el anticuerpo de captura. A continuación, las placas se bloquearon mediante la adición de 100 μ l de leche desnatada al 2 % en PBS estéril a cada pocillo y las placas se incubaron a temperatura ambiente durante dos horas. A continuación, la leche desnatada se lavó de las placas (programa 1, placa de tipo 2, lavador de placas de 96 pocillos Ultrawash Plus, Dynex) y cualquier tampón de lavado restante se retiró girando rápidamente y dando golpecitos a las placas ELISPOT en una toalla de papel.

40

A continuación, los componentes del ensayo se añadieron a la placa ELISPOT en el siguiente orden:

- 45 50 μ l de células diana 10⁶ células/ml (dando un total de 50 000 células diana/pocillo)
- 50 μ l de reactivo (las fusiones de scFv-TCR anti-CD3; concentraciones variables)
- 50 μ l de medio (medio de ensayo)
- 50 μ l de células efectoras (entre 1000 y 50000 células CD8⁺/pocillo; entre 500 y 1000 células EBV/pocillo; entre 1000 y 50000 PBMC/pocillo).

50 A continuación, las placas se incubaron durante la noche (37 °C / CO₂ al 5 %). Al día siguiente, las placas se lavaron tres veces (programa 1, placa de tipo 2, lavador de placas de 96 pocillos Ultrawash Plus, Dynex) con tampón de lavado y se dan golpecitos en la toalla de papel para retirar el exceso de tampón de lavado. A continuación, se añaden a cada pocillo 100 μ l de anticuerpo de detección primario. El anticuerpo de detección primario se preparó mediante la adición de 550 μ l de agua destilada a un vial de anticuerpo de detección suministrado con el kit Diacclone. A continuación, se diluyeron 100 μ l de esta solución en 10 ml de PBS/BSA al 1 % (el volumen requerido para una sola placa). A continuación, las placas se incubaron a temperatura ambiente durante al menos 2 hr antes de ser lavadas tres veces (programa 1, placa de tipo 2, lavador de placas de 96 pocillos Ultrawash Plus, Dynex) con tampón de lavado, el exceso de tampón de lavado se retiró dando golpecitos a la placa en una toalla de papel.

60 la detección secundaria se realizó mediante la adición de 100 μ l de estreptavidina-fosfatasa alcalina diluida a cada pocillo e incubando la placa a temperatura ambiente durante 1 hora. La estreptavidina-fosfatasa alcalina se preparó mediante la adición de 10 μ l de estreptavidina-fosfatasa alcalina a 10 ml de PBS/BSA al 1 % (el volumen requerido para una sola placa). A continuación, las placas se lavaron tres veces (programa 1, placa de tipo 2, lavador de placas de 96 pocillos Ultrawash Plus, Dynex) con tampón de lavado y se dieron golpecitos en una toalla de papel de aluminio para retirar el exceso de tampón de lavado. A continuación, se añadieron 100 μ l de solución de BCIP/NBT, tal como se suministra con el kit Diacclone, a cada pocillo. Durante el desarrollo, las placas se cubrieron en papel de aluminio y se dejaron durante 5 - 15 min. Las placas en desarrollo se comprobaron regularmente para aplicaciones

65

puntuales durante este periodo de tiempo para determinar el tiempo óptimo para terminar la reacción. Las placas se lavaron en un fregadero de agua corriente para terminar el desarrollo de la reacción, y se secan agitando antes de su desmontaje en sus tres partes componentes. A continuación, las placas se secaron a 50 °C durante 1 hr antes de hacer el recuento de las aplicaciones puntuales que se han formado en la membrana usando un lector de placas Immunospot (CTL; Cellular Technology Limited).

RESULTADOS

Las construcciones de fusión de scFv-TCR anti-CD3 de las Figuras 4-7 se sometieron a ensayo con el ensayo ELISPOT (como se ha descrito anteriormente). El número de aplicaciones puntuales de ELISPOT observadas en cada pocillo se representó frente a la concentración de la construcción de ensayo usando Prism (Graph Pad). A partir de estas curvas de dosis-respuesta, se determinaron los valores de CE₅₀ (los valores de CE₅₀ se determinan a la concentración de la fusión de scFv-TCR anti-CD3 que induce un 50 % de la respuesta máxima).

Construcción de Ensayo	CE ₅₀	CE ₅₀	CE ₅₀
Fig 7	5,044e-9	1,864e-9	2,383e-9
<i>Fusión C-terminal</i>			
Fig 5 <i>Fusión N-terminal</i>	8,502e-11		
Fig 4 <i>Fusión N-terminal</i>		4,825e-11	
Fig 6 <i>Fusión N-terminal</i>			3,95e-11

Estos resultados muestran que las construcciones N-fusionadas de las Figuras 4, 5 y 6 eran al menos 2 veces más potentes en su capacidad para activar los linfocitos T citotóxicos que la construcción C-fusionada de la Figura 7.

b. Redirección de linfocitos CD8⁺ T por el TCR de NY-ESO soluble fusionado un anticuerpo anti-CD3 para eliminar la línea de linfocitos B transformados por IM9 EBV (ensayo de citotoxicidad no radiactivo)

El siguiente ensayo se realizó para demostrar la activación de linfocitos T citotóxicos (CTL) mediante una fusión TCR-anti-CD3 a través de un complejo específico de péptido-MHC y la evaluación de la potencia de la porción de scFv anti-CD3 de la fusión para activar los CTL para eliminar las células IM9. Este ensayo es una alternativa colorimétrica para los ensayos de citotoxicidad de liberación de ⁵¹Cr y mide de forma cuantitativa la lactato deshidrogenasa (LDH) que es una enzima que se libera después de la lisis celular. La LDH liberada en sobrenadantes de cultivo se mide con un ensayo enzimático acoplado de 30 minutos, que da como resultado la conversión de una sal de tetrazolio (INT) en un producto de rojo formazán. La cantidad de color formada es proporcional al número de células plisadas. Los datos de absorbancia se recogen usando un lector de placas de 96 pocillos convencional a 490 nm.

Materiales

- Ensayo de Citotoxicidad No Radiactivo CytoTox96® (Promega) (G1780) contiene Mezcla de Sustrato, Tampón de Ensayo, Solución de Lisis, y Solución de Parada
- Medio de ensayo: FCS al 10 % (inactivado por calor, Gibco, N.º de cat 10108-165), RPMI 1640 al 88 % sin rojo fenol (Invitrogen, N.º de cat 32404014), glutamina al 1 %, 200 mM (Invitrogen, N.º de cat 25030024), penicilina/estreptomina al 1 % (Invitrogen N.º de cat 15070063)
- Placa de cultivo tisular de 96 pocillos de fondo redondo de micropocillo Nunc (Nunc, N.º de cat 163320)
- Placas Maxisorb Nunc-Immuno (Nunc, N.º de cat 442404).

Método

Preparación de células diana

Las células diana usadas en este método eran la línea de linfocitos B transformada por IM9 EBV obtenida a partir de un paciente de mieloma múltiple (HLA-A2⁺ NY-ESO⁺). La línea de células de melanoma Mel526 se usó como un control y es HLA-A2⁺ NY-ESO⁻. Las células diana se prepararon en medio de ensayo: la concentración de células diana se ajustó a 2 x 10⁵ células/ml para dar 1 x 10⁴ células / pocillo 50 µl.

Preparación de células y efectoras

Las células efectoras usadas en este ensayo eran linfocitos CD8⁺ T. La proporción de efector con respecto a diana usada era 10:1 (2 x 10⁶ células/ml para dar 1 x 10⁵ células/pocillo en 50 µl).

5

Preparación de reactivo/compuesto de ensayo

Las concentraciones variables de las fusiones de of the NY-ESO TCR-anti-CD3, que tienen la cadena alfa de TCR de SEQ ID No: 1 y la fusión de scFv anti-CD3 de cadena beta de TCR de SEQ ID No: 14, o que tienen la cadena alfa de TCR de SEQ ID No: 1 y la fusión de scFv anti-CD3 de cadena beta de TCR de SEQ ID No: 15, se prepararon como se ha descrito en el ejemplo A1 y se prepararon para este ensayo por dilución (concentración final de 10⁻¹³ a 10⁻⁸ M) en medio de ensayo.

10

Preparación del ensayo

15

Los componentes del ensayo se añadieron a la placa en el siguiente orden:

- 50 µl de células diana, IM9 o Mel526 (preparadas como se ha explicado anteriormente), a cada pocillo.
- 50 µl de reactivo (preparado como se ha explicado anteriormente) a cada pocillo.
- 50 µl de células efectoras (preparadas como se ha explicado anteriormente) a cada pocillo. Varios controles se prepararon cómo se explica a continuación:
- Liberación espontánea del efector: 50 µl de células efectoras solo.
- Liberación espontánea de células diana: 50 µl de células diana solo.
- Liberación máxima de diana: 50 µl de células diana más 80 ug/ml de digitonina al comienzo del ensayo para lisar las células
- Control del medio de ensayo: 105 µl de medio solo.

20

25

30

35

Los pocillos experimentales se preparan por triplicado y los pocillos de control por duplicado en un volumen final de 150 µl.

La placa se centrifugó a 250 x g durante 4 minutos y a continuación se incubó a 37 °C durante 24 horas.

40

45

La placa se centrifugó a 250 x g durante 4 minutos. A continuación, 37,5 µl del sobrenadante de cada pocillo de la placa de ensayo se transfirieron al pocillo correspondiente de una placa Nunc Maxisorb de 96 pocillos de fondo plano. La mezcla de sustrato se reconstituyó usando tampón de ensayo (12 ml). 3 a continuación, se añadieron 37,5 µl de la mezcla de sustrato a cada pocillo de la placa. La placa se cubrió con papel de aluminio y se incubó a temperatura ambiente durante 30 minutos. Se añadieron 37,5 µl de solución de parada a cada pocillo de la placa para parar la reacción. La absorbancia a 490 nm se registró en un lector de placas de ELISA en una hora después de la adición de la solución de parada.

Cálculo de resultados

50

El promedio de los valores de la absorbancia del fondo del medio de cultivo se resto de todos los valores de absorbancia de Liberación Experimental, Liberación Espontánea de Células Diana y Liberación Espontánea de Células Efectoras y Liberación Máxima de Diana.

55

Los valores corregidos obtenidos en las primeras dos etapas se usaron en la siguiente fórmula para calcular el porcentaje de toxicidad:

$$\% \text{ de citotoxicidad} = 100 \times \frac{(\text{Experimental} - \text{Espontánea Efectora} - \text{Espontánea Diana})}{(\text{Liberación Máxima de Diana} - \text{Espontánea de Diana})}$$

Resultados

60

Las construcciones de fusión de scFv-TCR anti-CD3 de NY-ESO que tienen (i) la cadena alfa de TCR de SEQ ID No: 1 y la fusión de scFv anti-CD3 de cadena beta TCR de SEQ ID No: 14 (fusión C-terminal) o (ii) la cadena alfa de TCR de SEQ ID No: 1 y la fusión de scFv anti-CD3 de cadena beta TCR de SEQ ID No: 15 (fusión N-terminal) se

sometieron a ensayo mediante el ensayo de liberación de LDH (como se ha descrito anteriormente). El % de citotoxicidad observado en cada pocillo se representó frente a la concentración de la construcción de ensayo usando Prism (Graph Pad). A partir de estas curvas de dosis-respuesta, se determinaron los valores de CE₅₀ (los valores de CE₅₀ se determinan a la concentración de la fusión de TCR que induce un 50 % de la respuesta máxima).

5

Construcción de Ensayo	CE ₅₀
fusión C-terminal (SEQ ID No: 1 y SEQ ID No: 14)	1,2e ⁻⁹
fusión N-terminal (SEQ ID No: 1 y SEQ ID No: 15)	3,2e ⁻¹¹

Estos resultados muestran que la fusión N-terminal que comprende la cadena alfa de TCR de SEQ ID No: 1 y la fusión de scFv anti-CD3 de cadena beta TCR de SEQ ID No: 15 era al menos 2 veces más potente en su capacidad para redirigir los linfocitos T citotóxicos para eliminar las células diana que la construcción de fusión C-terminal que comprende la cadena alfa de TCR de SEQ ID No: 1 y la fusión de scFv anti-CD3 de cadena beta TCR de SEQ ID No: 14.

10

B2. TCR quimérico soluble con Citoquinas como Polipéptidos Efectores

15

a. Citoquina de IL-4 murino como polipéptido efector

El siguiente ensayo se usó para someter a ensayo la actividad biológica de la porción de citoquina de las construcciones de fusión de IL-4 -TCR de murino de las Figuras 12-13. Se trata de un bio ensayo que usa la línea de células de murino, CTLL-2, que son dependientes de IL-4 de murino para su crecimiento y en el presente documento se usan para demostrar la actividad biológica de la porción de citoquina de una fusión IL-4 - TCR de murino.

20

Materiales

Células CTLL-2, ensayo de viabilidad celular luminiscente CellTiter-Glo[®] de Promega (N.º de Cat G7572) que incluye Tampón CellTiter-Glo[®] y Sustrato CellTiter-Glo[®] (lío filizado)
Medio de ensayo: RPMI suplementado con un 10 % de suero bovino fetal inactivado por calor (Gibco, N.º de cat 10108-165), RPMI 1640 al 88 % (Gibco, N.º de cat 42401-018), glutamina al 1 % (Gibco, N.º de cat 25030-024), penicilina/estreptomycin al 1 % (Gibco, N.º de cat 15070-063).

25

Las células CTLL-2 se cosecharon, se lavaron una vez en medio de ensayo (se centrifugaron a 1200 rpm durante 5 mins), se hizo su recuento y la viabilidad se evaluó usando solución de azul de Tripano. Si la viabilidad será inferior a un 80 %, se realizaba un gradiente de ficoll para retirar las células muertas (800 x g durante 15 mins con desprendimiento). Las células se lavaron dos veces más y el volumen sea justo para dar un volumen final de 1 x 10⁵ células/ml. Las células CTLL-2 se añadieron a una placa Nunc de 96 pocillos de fondo plano de color blanco (5000 células/pocillo), seguido por 50 µl de concentraciones valoradas de IL-4 murino patrón (Peprotech), o construcciones de fusión IL-4 -TCR quimérico de murino de las Figuras 12 y 13 (7 puntos de 1 en 10 dilución es, de 10⁻⁸ a 10⁻¹⁴ M). Los controles incluían solo células, solo medio de ensayo, y células con 200 U/ml de Proleuquina (Chiron). La placa se incubó a 37 °C, CO₂ al 5 % durante la noche. Siguiendo las instrucciones del fabricante, el reactivo CellTiter-Glo se descongeló y se añadió a la placa (100 µl por pocillo). La placa se incubó durante 10 minutos para estabilizar la señal luminiscente y a continuación se registró usando el lector de luminiscencia. La señal de fondo (solo células) se restó de las lecturas y un gráfico representado en Prism (Graph Pad) de modo que las CE₅₀ de las construcciones de fusión de IL-4 - TCR de murino de las Figuras 12 y 13 se pueden comparar con el IL-4 de murino recombinante 'libre'.

30

35

40

45

Resultados

Construcción de Ensayo	CE ₅₀	CE ₅₀	CE ₅₀
m-IL4	4,984e-13	3,767e-13	5,148e-13
Figura 13 fusión C-term	7,464e-12		
Figura 12 fusión N-term		5,913e-13	8,897e-13

Estos resultados muestran que la construcción N-fusionada de la Figura 12 era al menos 2 veces más potente en su capacidad para activar la proliferación celular de la construcción C-fusionada de la Figura 13.

b. Citoquina IL-13 de murino como polipéptido efector

El siguiente ensayo se usó para someter a ensayo la actividad biológica de la porción de citoquina de las construcciones de fusión de IL-13 - TCR de murino de las Figuras 14-15.

5 Este ensayo se realizó para demostrar la actividad de la porción de citoquina de una fusión de citoquina-TCR, es decir, la inhibición de la producción de IL-1 β por monocitos humanos. Este ensayo se puede usar para someter a ensayo las fusiones de citoquina-TCR en las que la citoquina es IL-13 de murino.

Materiales

10 Monocitos obtenidos a partir de capas leucocíticas (capas leucocíticas del Servicio de Transfusión de NBS Bristol)
 Kit 2 de Monocitos Dynabeads MyPure de Dynal para células humanas intactas (113.35) Medio de ensayo: suero
 bovino fetal al 10 % (inactivado por calor, Gibco, N.º de cat 10108-165), RPMI 1640 al 88 % (Gibco, N.º de cat
 42401-018), glutamina al 1 % (Gibco, N.º de cat 25030-024), penicilina/estreptomocina al 1 % (Gibco, N.º de cat
 15070-063)

15 Tampón de lavado: PBS 0,01 M/Tween 20 al 0,05 % (1 sobrecito de solución salina tamponada con fosfato con
 Tween 20, pH 7,4 de Sigma, N.º de cat P-3563 disuelto en 1 litro de agua destilada da una composición final de PBS
 0, 01 M, NaCl 0,138 M, KCl 0,0027 M, Tween 20 al 0,05 %). PBS (Gibco, N.º de cat 10010-015).

HBSS sin Ca²⁺ ni Mg²⁺ (Gibco, N.º de cat 1018-165)

20 Kits para ELISA Eli-pair de Citoquina: IL-1 β (Diacclone N.º de cat DC-851.610.020) estos kits contienen los otros
 reactivos necesarios, es decir, anticuerpo de captura, anticuerpo biotinilado de detección, estreptavidina-HRP,
 patrones de IL-1 β , TMB listo para usar. El siguiente método se basa en las instrucciones proporcionadas con cada
 kit.

Placas Maxisorb Nunc-Immuno (Nunc, N.º de cat 442404).

25 Placa de cultivo tisular de 96 pocillos de fondo redondo de micropocillos Nunc (Nunc, N.º de cat 163320)

BSA (Sigma, N.º de cat A3059)

H₂SO₄ (Sigma N.º de cat S1526)

Azul de Tripano (Sigma N.º de cat T8154)

30 Lipopolisacáridos (LPS) obtenidos a partir de la cepa 0111:B4 de *E. coli* (Sigma, N.º de cat L4391), patrón de IL-13
 de murino recombinante (Peprtech, N.º de cat 210-13) usado cuando los reactivos de fusión de IL-13-TCR de
 murino se someten a ensayo.

Aislamiento de monocitos

35 Las PBMC se aislaron a partir de capas leucocíticas: una capa leucocítica se diluyó 1 en 2 con HBSS (sin Ca²⁺ ni
 Mg²⁺), la sangre diluida se depositó en capas en Lymphoprep (hasta 35 ml de sangre con respecto a 15 ml de
 Lymphoprep) y se centrifugó durante 15 min a 800 x g (temp ambiente) con el desprendimiento; las células en la
 superficie de contacto se retiraron y se lavaron cuatro veces con HBSS y se centrifugaron a 1200 rpm durante 10
 40 min. Después del lavado final, las células se volvieron a suspender en 50 ml de medio de ensayo y se hizo su
 recuento y la viabilidad se evaluó usando una solución de azul de Tripano. Kit 2 de Monocitos Dynabeads MyPure de
 Dynal se usó para aislar los monocitos. Las PBMC se volvieron a suspender en PBS/BSA al 0,1 % en 100 μ l de
 tampón por 10⁷ células, 20 μ l de Reactivo de Bloqueo por 10⁷ células y se añadieron 20 μ l de Mezcla de Anticuerpos
 por 10⁷ células y las células se incubaron durante 20 min a 4 °C. Las células se lavaron y se volvieron a suspender
 en 0,9 ml de PBS/BSA al 0,1 % por 10⁷ células. Las perlas lavadas previamente se añadieron (100 μ l por 10⁷
 45 células), se mezclaron y se incubaron durante un periodo adicional de 15 min a 20 °C con rotación suave. Las
 rosetas se volvieron a suspender mediante pipeteo con cuidado y se añadió 1 ml de de PBS/BSA al 0,1 % por 10⁷
 células. El tubo se colocó en el imán Dynal durante 2 minutos. El sobrenadante que contenía células aisladas de
 forma negativa se transfirió a un tubo fresco y se hizo el recuento. Las células se usaron inmediatamente o se
 congelaron en FCS al 90 %/DMSO al 10 % para su uso en el futuro.

50

Preparación de ensayo celular

La placa de ensayo ELISA se revistió con 100 μ l/pocillo de anticuerpo de captura de IL-1 β en PBS y se dejó a 4 °C
 durante la noche. Los monocitos se descongelaron, se lavaron dos veces en medio de ensayo y se volvieron a
 55 suspender a 5 x 10⁵ células/ml. Los monocitos se sembraron en una placa de 96 pocillos de fondo redondo (100 μ l
 por pocillo, es decir, 5 x 10⁴ por pocillo). LPS, citoquina recombinante de Peprtech y proteínas de fusión de
 citoquina-TCR de ensayo se prepararon por dilución en medio de ensayo para dar una concentración final de 4X. En
 cada pocillo se añadió LPS (10 ng/ml final) seguido por 50 μ l de concentraciones valoradas (6 puntos de 1 en 10
 dilución es en serie) de IL-13 recombinante de Peprtech (10⁻⁸ a 10⁻¹³ M final) o proteínas de fusión de citoquina -
 60 TCR de ensayo (10⁻⁷ a 10⁻¹³ M final) en pocillos por triplicado. La placa se incubó a 37 °C, CO₂ al 5 % durante la
 noche.

ELISA de IL-1 β

65 La placa de ELISA de IL-1 β revestida con anticuerpo se lavó tres veces en tampón de lavado y se bloqueó con 250
 μ l de PBS/BSA al 5 %/pocillo durante al menos 2 horas a temperatura ambiente (o durante la noche a 4 °C). La

5 placa de ELISA se lavó tres veces en tampón de lavado y se secó con golpecitos. Los patrones de IL-1 β se diluyeron en PBS/BSA al 0,1 %. La placa que contenía las células se centrifugó a 1200 rpm durante 5 mins. El sobrenadante de cada pocillo se transfirió a continuación a la placa de ELISA de IL-1 β revestida previamente. Se añadieron 100 μ l de sobrenadante celular (diluido a 1 en 3 con PBS/BSA al 0,1 %) o patrón a los pocillos relevantes y se añadieron 50 μ l de anticuerpo de detección/pocillo (dilución de acuerdo con las instrucciones del kit). La placa se incubó durante 2 horas a temperatura ambiente. Las placas se lavaron tres veces en tampón de lavado. Se añadieron 100 μ l de estreptavidina-HRP por pocillo (dilución de acuerdo con las instrucciones del kit) y las placas se incubaron a temp ambiente durante 20 min. Las placas se lavaron tres veces en tampón de lavado. Se añadieron 100 μ l TMB de listo para usar por pocillo y se dejó que las placas se desarrollarán durante 5 - 20 min (dependiendo de la fuerza de la señal) en la oscuridad (con papel de aluminio). La reacción se detuvo mediante la adición de 100 μ l/pocillo de H₂SO₄ 1 M.

10 La absorbancia de las placas se leyó en un lector de microplacas a 450 nm y con filtro de referencia ajustado a 650 nm. La cantidad de inhibición para cada punto de valoración se calcula como un porcentaje de la muestra que contiene monocitos y LPS sin proteína de fusión de citoquina - TCR que da la señal máxima, produciendo de este modo una curva de dosis-respuesta.

15

Resultados

Construcción de Ensayo	CE ₅₀	CE ₅₀
m-IL13	1,535e-10	9,534e-11
Figura 15 fusión C-term	6,21e-10	
Figura 14 fusión N-term		1,493e-10

20 Estos resultados muestran que la construcción N-fusionada de la Figura 14 era al menos 2 veces más potente en su capacidad para inhibir la producción de IL-1 β por monocitos humanos que la construcción C-fusionada de la Figura 15.

REIVINDICACIONES

- 5 1. Una molécula bifuncional que comprende un compañero de unión a polipéptido específico para un epítipo de pMHC dado, y un polipéptido efector inmunológico, estando el extremo N-terminal del compañero de unión a pMHC unido al extremo C-terminal del polipéptido efector inmunológico, CON LA CONDICIÓN DE QUE dicho compañero de unión polipeptídico no sea un receptor de linfocitos T que comprenda la cadena alfa de SEQ ID No: 7 y la cadena beta de SEQ ID No: 9 en la que el compañero de unión a pMHC es un par de polipéptidos TCR $\alpha\beta$ heterodiméricos, o un polipéptido TCR $\alpha\beta$ de una sola cadena, y el extremo N-terminal de la cadena α o β del par de polipéptidos TCR heterodiméricos, o el extremo N-terminal del polipéptido scTCR, está unido a un aminoácido C-terminal del polipéptido efector inmunológico y en la que el polipéptido efector inmunológico es un anticuerpo que se une de forma específica a un antígeno presentado por un linfocito T.
- 10
- 15 2. Una molécula bifuncional como se reivindica en la reivindicación 1 en la que el compañero de unión a pMHC es un par de polipéptidos TCR $\alpha\beta$ heterodiméricos en la que cada uno de los polipéptidos α y β tienen regiones TCR variables y constantes, pero carecen de regiones TCR transmembrana y citoplasmática.
- 20 3. Una molécula bifuncional como se reivindica en la reivindicación 2 en la que las regiones constantes de los polipéptidos α y β están unidas por un puente disulfuro entre restos de cisteína sustituidos por Thr 48 del exón 1 de TRAC1 y Ser 57 del exón 1 de TRBC1 o TRBC2, o mediante el puente disulfuro nativo entre Cys4 del exón 2 de TRAC1 y Cys2 del exón 2 de TRBC1 o TRBC2.
- 25 4. Una molécula bifuncional como se reivindica en la reivindicación 1 en la que el compañero de unión a pMHC es un polipéptido TCR $\alpha\beta$ de una sola cadena.
- 30 5. Una molécula bifuncional como se reivindica en una cualquiera de las reivindicaciones 1 a 4 en la que el anticuerpo es un anticuerpo scFv.
6. Una molécula bifuncional como se reivindica en una cualquiera de las reivindicaciones 1 a 5 en la que el anticuerpo es un anticuerpo anti-CD3.
- 35 7. Una molécula bifuncional como se reivindica en la reivindicación 6 en la que el anticuerpo es OKT3.
8. Una molécula bifuncional como se reivindica en la reivindicación 6 en la que el anticuerpo es UCHT-1.
9. Una molécula bifuncional como se reivindica en la reivindicación 6 en la que el anticuerpo es BMA031.
10. Una molécula bifuncional como se reivindica en la reivindicación 6 en la que el anticuerpo es 12F6.

FIG 1

SEQ ID No: 1 - secuencia de aminoácidos de cadena alfa de TCR de NY-ESO

	10	20	30	40
	*	*	*	*
	KQEV TQIPA ALSVPE GENLV LNC SFTD SAIY NLQW FRQDP			
	50	60	70	80
	*	*	*	*
	GKGL TSLLL ITPW QREQ TSGRL NASLD KSSGR STLY IAAS			
	90	100	110	120
	*	*	*	*
	QPGD SATYL CAVR PLLD GTYI PTFG RGTSL IVHP YIQNP D			
	130	140	150	160
	*	*	*	*
	PAVY QLRDS KSSDK SVCL FTDF DSQT NVSQ SKDSD VYIT D			
	170	180	190	200
	*	*	*	*
	K <u>C</u> VLD MRS MD FKSN SAVAW SNK SDFAC ANAF NNSI IPED T			
	FFP SPES S			

FIG 2

SEQ ID No: 2 - secuencia de aminoácidos de cadena beta de NY-ESO

```

          10          20          30
          *          *          *
NAGVTQTPKFQVLKTGQSMTLQCAQDMNHEYMSWYRQD

  40          50          60          70
  *          *          *          *
PGMGLRLIHYSVAIQTTDQGEVPNGYNVSRSTIEDFPLRL
  80          90          100          110
  *          *          *          *
LSAAPSQTSVYFCASSYLGNTGELFFGEGSRLTVLEDLKN
  120          130          140          150
  *          *          *          *
VFPPEVAVFEPSEAEISHTQKATLVCLATGFYPDHVELSW
  160          170          180          190
  *          *          *          *
WVNGKEVHSGVCTDPQPLKEQPA'LNDSRYALSSRLRVSA
  200          210          220          230
  *          *          *          *
TFWQDPRNHFRQCQVQFYGLSENDEWTQDRAKPVTVQIVSA
  240
  *
EAWGRAD
    
```

FIG 3

SEQ ID No: 3 - secuencia de aminoácidos de scFv de UCHT-1 (con la secuencia intraconectora subrayada):

```

      10          20          30          40
      *          *          *          *
DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQDIRNYLNWYQQKP
      50          60          70          80
      *          *          *          *
GKAPKLLIYYTSRLESGVPSRFSGSGSGTDYTLTISSLQPE
      90          100         110         120
      *          *          *          *
DFATYYCQQGNTLPWTFGQGTKVEIKRTSGPGDGGKGGP
      130         140         150
      *          *          *
GKGGGGEGTKGTGPGGEVQLVESGGGLVQPGGSLRLSC
160          170          180          190
*          *          *          *
AASGYSFTGYTMNWVRQAPGKGLEWVALINPYKGVSTYN
200          210          220          230
*          *          *          *
QKFKDRFTISVDKSKNTAYLQMNSLRAEDTAVYYCARSGY
240          250
*          *
YGDSDWYFDVWGQGTLLTVSS
    
```

FIG 4

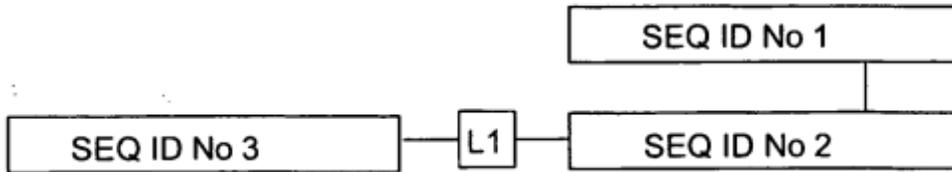


FIG 5

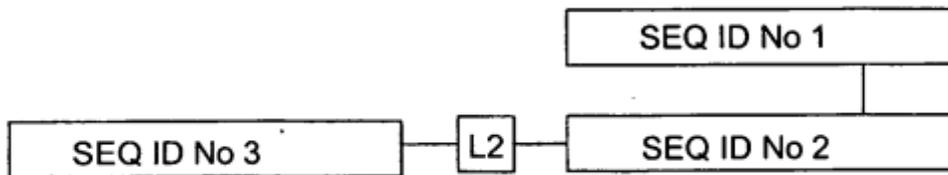


FIG 6

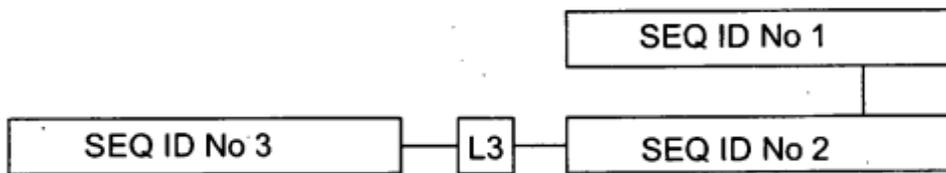


FIG 7

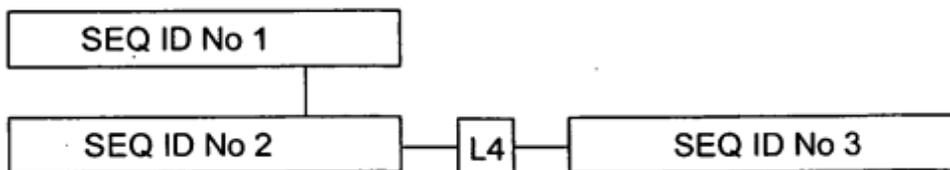


FIG 8

SEQ ID No: 7 - secuencia de aminoácidos de cadena alfa de TCR de insulina de Wong quimérica

	10	20	30	
	*	*	*	
	SQLAEENPWALSVHEGESVTVNC SYKSPMINLQWYRQKS			
40	50	60	70	80
*	*	*	*	*
GEGPAQLILIRSNEREKRNGRLRATLDTSSQSSLSITATR				
	90	100	110	120
	*	*	*	*
SEDTAVYFCATDPLGYILTFGTGTSLLVDPNIQNPDPVY				
	130	140	150	160
	*	*	*	*
QLRDSKSSDKSVCLFTDFDSQTNVSQSKDSDVYITDK <u>Q</u> VL				
	170	180	190	200
	*	*	*	*
DMRSMDFKSNSAVAWSNKSDFACANAFNNSIIPEDTFFPS				

P E S S

FIG 9

SEQ ID No: 9 - secuencia de aminoácidos de cadena beta de TCR de insulina de Wong quimérica

```

      10      20      30      40
      *      *      *      *
GGIITQTPKFLIGQEGQKLTCLKCQQNFNHDTMYWYRQDSG
      50      60      70      80
      *      *      *      *
KGLRLIYYSLLAGHLQKGDLSEGYDASREKKSSFSLTVTS
      90     100     110     120
      *      *      *      *
TQKNEMAVFLCASSKRKNGAETLYFGSGTRLTVLEDLKNV
      130     140     150     160
      *      *      *      *
FPPEVAVFEPSEAEISHTQKATLVCLATGFYPPDHVELSWW
      170     180     190
      *      *      *
VNGKEVHSGVCTDPQPLKEQPALNDSRYALSSRLRVSAT
200      210      220      230
*      *      *      *
FWQDPRNHFRCQVQFYGLSENDEWTQDRAKPVTQIVSAE
240
*
AWGRAD

```

FIG 10

SEQ ID No: 10 - secuencia de aminoácidos de IL-4 murino

HIHGCDKNHLREIIGILNEVTGEGTPCTEMDVPNVLTKNTTESELVCRASKVLRIF
YKHHGKTPCLKKNSSVLMELQRLFRAFRCCLDSSISCTMNESKSTSLKDFLESLSIM
QMDYS

FIG 11

SEQ ID No: 11 - secuencia de aminoácidos de IL-13 murino

GPVPRSVSLPLTLKELIEELSNITQDQTPLCNGSMVWSVDLAAGGFCVALDSLNTIS
NCNAIYRTQRILHGLCNRKAPTTVSSLPDTKIEVAHFITKLLSYTKQLFRHGPF

FIG 12

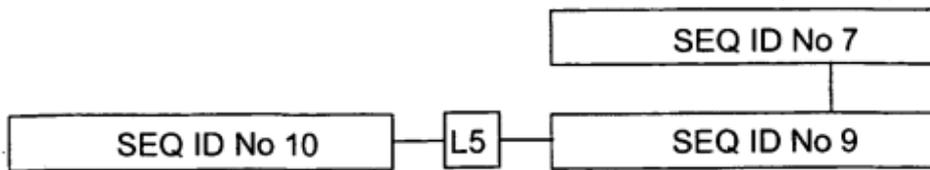


FIG 13

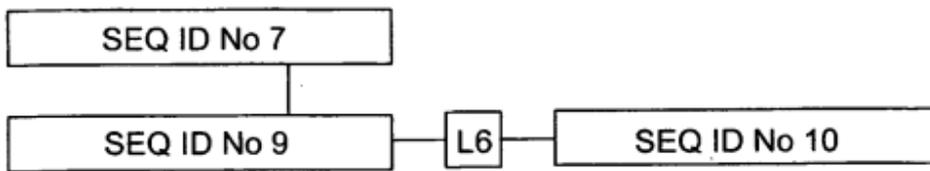


FIG 14

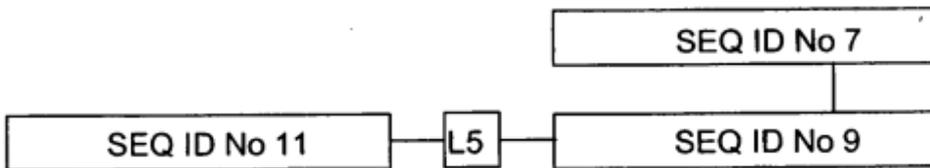


FIG 15

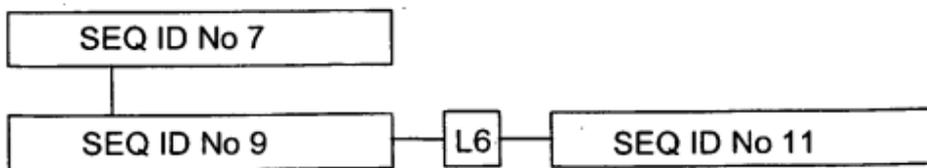


FIG 16

SEQ ID No: 14 - Secuencia de aminoácidos de cadena beta de TCR de NY-ESO fusionada con scFv anti-CD3, estando scFv anti-CD3 fusionado al extremo C-terminal de la cadena beta de TCR a través de un conector peptidico:

NAGVTQTPKFQVLKTGQSMTLQCAQDMNHEYMSWYRQDPGMGLRLIHYSVAIQTT
DQGEVPNGYNVSRSTIEDFPLRLLSAAPSQTSVYFCASSYLGNTGELFFGEGSRLT
VLEDLKNVFPPEVAVFEPSEAEISHTQKATLVCLATGFYDPDHVELSWWVNGKEVHS
GVCTDPQPLKEQPALNDSRYALSSRLRVSATFWQDPRNHFRCQVQFYGLSENDE
WTQDRAKPVTQIVSAEAWGRADGGGGSAIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQD
IRNYLNWYQQKPGKAPKLLIYYTSRLESGVPSRFSGSGSGTDYTLTISSLQPEDFAT
YYCQQGNTLPWTFGQGKVEIKGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSEVQLVE
SGGGLVQPGGSLRLSCAASGYSTGYTMNWVRQAPGKGLEWVALINPYKGVSTY
NQKFKDRFTISVDKSKNTAYLQMNSLRAEDTAVYYCARSGYYGSDWYFDVWGQ
GTLVTVSS

FIG 17

SEQ ID No: 15 - Secuencia de aminoácidos de cadena beta de TCR de NY-ESO fusionada con scFv anti-CD3, estando scFv anti-CD3 fusionado al extremo N-terminal de la cadena beta de TCR a través de un conector peptidico:

AIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQDIRNYLNWYQQKPGKAPKLLIYYTSRLESG
VPSRFSGSGSGTDYTLTISSLQPEDFATYYCQQGNTLPWTFGQGKVEIKGGGS
GGGGSGGGGSGGGGSGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLRLSCAASGYSTGYTM
NWVRQAPGKGLEWVALINPYKGVSTYNQKFKDRFTISVDKSKNTAYLQMNSLRAE
DTAVYYCARSGYYGSDWYFDVWGQGLTVTVSSGGGGSNAGVTQTPKFQVLKTG
QSMTLQCAQDMNHEYMSWYRQDPGMGLRLIHYSVAIQTTDQGEVPNGYNVSRSTI
EDFPLRLLSAAPSQTSVYFCASSYLGNTGELFFGEGSRLTVLEDLKNVFPPEVAVFE
PSEAEISHTQKATLVCLATGFYDPDHVELSWWVNGKEVHSGVCTDPQPLKEQPALN
DSRYALSSRLRVSATFWQDPRNHFRCQVQFYGLSENDEWTQDRAKPVTQIVSAEA
WGRAD