19

OFICINA ESPAÑOLA DE
PATENTES Y MARCAS

ESPAÑA

11 Número de publicación: **2 724 729**

51 Int. Cl.:

C12N 1/21 (2006.01)

C12N 7/00 (2006.01)

A61K 35/74 (2015.01)

A61K 39/112 (2006.01)

12

TRADUCCIÓN DE PATENTE EUROPEA

T3

86 Fecha de presentación y número de la solicitud internacional: **17.05.2012 PCT/KR2012/003920**

87 Fecha y número de publicación internacional: **22.11.2012 WO12157989**

96 Fecha de presentación y número de la solicitud europea: **17.05.2012 E 12785922 (1)**

97 Fecha y número de publicación de la concesión europea: **27.03.2019 EP 2710116**

54 Título: **Cepas avirulentas modificadas de Salmonella Gallinarum y composición farmacéutica usando las mismas**

30 Prioridad:

17.05.2011 US 201161487137 P
17.10.2011 US 201113274854

45 Fecha de publicación y mención en BOPI de la traducción de la patente:

13.09.2019

73 Titular/es:

CJ CHEILJEDANG CORPORATION (100.0%)
Dongho-ro 330, Ssangnim-dong, Jung-gu
Seoul 100-400, KR

72 Inventor/es:

CHOI, HYANG;
SHIN, SOO AN;
YANG, SI YONG y
CHO, YOUNG WOOK

74 Agente/Representante:

CAMPELLO ESTEBARANZ, Reyes

ES 2 724 729 T3

Aviso: En el plazo de nueve meses a contar desde la fecha de publicación en el Boletín Europeo de Patentes, de la mención de concesión de la patente europea, cualquier persona podrá oponerse ante la Oficina Europea de Patentes a la patente concedida. La oposición deberá formularse por escrito y estar motivada; sólo se considerará como formulada una vez que se haya realizado el pago de la tasa de oposición (art. 99.1 del Convenio sobre Concesión de Patentes Europeas).

DESCRIPCIÓN

Cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* y composición farmacéutica usando las mismas

5 [Campo técnico]

La presente invención proporciona cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* y diversos usos de las mismas.

10 [Técnica antecedente]

Actualmente, más de 2.000 cepas de *Salmonella* se clasifican generalmente en serotipos específicos del huésped y serotipos no específicos del huésped patógenos tanto para animales como para seres humanos. Son representativos entre los patógenos adaptados a las aves *Salmonella Gallinarum* (SG) y *Salmonella Pullorum* (SP), que se sabe que causan tifosis aviar y pullorosis, respectivamente. Estas enfermedades aviares causadas por *Salmonella* se producen con poca frecuencia en los países avanzados, pero han causado un daño económico tremendo a la avicultura en los países en desarrollo.

Serológicamente, las cepas de *Salmonella Gallinarum* tienen las mismas estructuras de antígeno somático (antígeno O) y se clasifican como no móviles porque no tienen flagelos. Después de entrar en un animal huésped a través de pienso contaminado o un entorno contaminado, la *Salmonella* atraviesa el tracto gastrointestinal e invade las células epiteliales intestinales mediante la interacción con un micropliegue (M) de las células de Peyer y penetra en la membrana intestinal. La *Salmonella* se transporta por las células M a los macrófagos en las membranas intestinales adyacentes, y después la infección por *Salmonella* se convierte en una enfermedad sistémica.

El sistema de secreción de tipo III (TTSS) es un apéndice de proteínas que se encuentra en bacterias gramnegativas, que consiste en una estructura de complejo de proteínas de tipo aguja a través de la cual las proteínas efectoras de virulencia pasan del citoplasma bacteriano directamente al citoplasma huésped (Mota LJ *et al.*, Ann Med. (2005);37(4):234-249). El sistema de secreción de tipo III es esencial para la administración de la patogenicidad de *Salmonella* (Schlumberger MC *et al.*, Curr Opin Microbiol. (2006);9(1):46-54). La *Salmonella* de tipo silvestre aprovecha el TTSS cuando se adhiere e invade las células huésped, y después sobrevive durante la fagocitosis de los macrófagos y circula por todo el cuerpo a través del torrente sanguíneo, causando una infección sistémica. Por lo tanto, la infección por *Salmonella* no puede continuar sin el funcionamiento normal del TTSS. La isla de patogenicidad de *Salmonella* 1 (en lo sucesivo en el presente documento denominada "SPI-1") es una región discreta del cromosoma de *Salmonella* que codifica el sistema de secreción de tipo III y las proteínas efectoras virulentas que son necesarias para la invasión de las células epiteliales intestinales en la fase temprana de la infección (Kimbrough TG *et al.*, Microbes Infect, (2002);4(1):75-82). La isla de patogenicidad de *Salmonella* 2 (en lo sucesivo en el presente documento, "SPI-2") es también una región discreta del cromosoma de *Salmonella* que codifica el sistema de secreción de tipo III y las proteínas efectoras que participan en la supervivencia y la proliferación durante la fagocitosis por macrófagos en órganos inmunes intestinales u órganos inmunes tales como el bazo y el hígado después de la translocación a través de las células epiteliales (Waterman SR *et al.*, Cell Microbiol, (2003);5(8):501~511, Abrahams GL, Cell Microbiol, (2006);8(5):728-737). Los genes en la SPI-1 y la SPI-2 y sus funciones se resumen en la Tabla 1, a continuación.

45

[Tabla 1]

	Gen	Características
SPI-1	avrA	supuesta proteína de membrana interna
	sprB	regulador transcripcional
	hilC	proteínas con hélice-giro-hélice reguladoras bacterianas, familia araC
	orgA	supuesta biosíntesis flagelar/proteína de la ruta secretora de tipo III
	prgK	proteína de invasión celular; lipoproteína, puede unir membranas internas y externas
	prgJH	proteína de invasión celular
	hilD	proteínas con hélice-giro-hélice reguladoras, familia araC
	hilA	activador de la transcripción de genes de invasión
	iagB	proteína de invasión celular
	sptP	proteína tirosina fosfato

	sicP	chaperona, relacionada con la virulencia
	iacP	supuesta proteína portadora de acilo
	sipADCB	proteína de invasión celular
	sicA	presentación superficial de antígenos; proteínas secretoras
	spaSRQPO	presentación superficial de antígenos; proteínas secretoras
	invJICB	presentación superficial de antígenos; proteínas secretoras
	invAEGFH	proteína de invasión
SPI-2	ssaUTSRQPON VMLKJIHG	Aparato del sistema de secreción
	sseGF	Efector del sistema de secreción
	sscB	Chaperona del sistema de secreción
	sseEDC	Efector del sistema de secreción
	sscA	Chaperona del sistema de secreción
	sseBA	Efector del sistema de secreción
	ssaE	Efector del sistema de secreción
	ssaDCB	Aparato del sistema de secreción
	ssrA	Regulador del sistema de secreción: componente sensor
	ssrB	Regulador del sistema de secreción: activador transcripcional, homólogo con degU/uvrY/bvgA

Además de estos sistemas de secreción de tipo III, el gen fimbrial (*faeH*) (Edwards RA *et al.*, PNAS (2000); 97(3):1258-1262) y el factor virulento (operón *spvRABCD*) presente en plásmidos virulentos de *Salmonella* están implicados en la virulencia de la *Salmonella* (Gulig PA *et al.*, Mol Microbiol (1993);7(6):825-830).

5

Las enfermedades aviares causadas por *Salmonella* son difíciles de controlar porque se transmiten de diversas maneras, incluida la transmisión por huevos, y el pienso o la infección ambiental, y muestran altas tasas de reaparición incluso después del tratamiento posterior a la infección con antibióticos. Por lo tanto, es importante prevenir la aparición de la enfermedad mediante el uso de una vacuna, así como la desinfección de las granjas de cría y el pienso. En la industria avícola, se ha puesto mucho esfuerzo en el uso de vacunas vivas (cepas atenuadas de *Salmonella Gallinarum* - SG9S, SG9R) y vacunas muertas (vacunas en gel, vacunas a base de aceite, etc.) para prevenir la aparición de la tifosis aviar. Sin embargo, los efectos de la vacuna varían de acuerdo con la concentración de la vacuna utilizada, la afección de las aves vacunadas y el entorno de los gallineros. Se informa que la eficacia de estas vacunas es significativamente menor que la de las vacunas para otras enfermedades. El tratamiento con antibióticos, aunque reduce las lesiones resultantes, convierte las aves infectadas en portadores crónicos (véase: Incidence and Prevention of Hen Salmonellosis, the National Veterinary Research & Quarantine Service, Corea).

Por lo tanto, se están demandando nuevos enfoques de control de la *Salmonella* que sean mejores que las vacunas o antibióticos convencionales. Muchos científicos han prestado atención recientemente a los bacteriófagos, que infectan y lisan las bacterias específicamente y son seguros para los humanos, como una potente alternativa a los antibióticos. Hay muchos informes sobre el uso de bacteriófagos en la prevención o terapia de las enfermedades por *Salmonella* (Atterbury RJ *et al.*, Appl Environ Microbiol, (2007);73(14):4543-4549) y como desinfectantes o detergentes para prevenir la putrefacción de alimentos (documentos PCT 1998-08944, PCT 1995-31562, EP 1990-202169, PCT 1990-03122), y sobre técnicas de visualización de fagos para el diagnóstico (Ripp S *et al.*, J Appl Microbiol, (2006);100(3):488-499). Las vacunas de *Salmonella* preparadas eliminando o modificando uno o dos genes dentro del clúster del gen SPI-2 se han divulgado recientemente (documentos US 6923957, US7211264, US7887816).

La disertación de Mi Ah Kim con el título "Development of oral vaccine candidate using attenuated *Salmonella Gallinarum* (22 de febrero de 2010, Chonbuk National University, Disertación, páginas 69pp) divulga una cepa de *Salmonella Gallinarum* en la que el gen *prgK-H* se ha eliminado y una cepa de *Salmomello Gallinarum* adicional en la que se ha eliminado el gen *sprP*.

D.H.Shah (Microbiology, vol. 151, n.º 12, del 1 de diciembre de 2005) ha identificado genes de virulencia de *Salmonella Gallinarum* en un modelo de infección de pollo utilizando un sistema de mutagénesis etiquetada con firma basada en PCR.

I. Rychlik *et al.* (FEMS Microbiology letters, vol. 159, n.º 2, 15 de febrero de 1998) han identificado genes homólogos

a los genes *faeH* y *fael* en el plásmido de virulencia de *Salmonella Gallinarum*.

Además, S. Barth y R. Bauerfeind (Berl. Münch. Tierärztl. Wschr, vol. 118, 1 de enero de 2005) divulgan una cepa de *Salmonella typhimurium* a partir de la cual se han identificado características y funciones de proteínas Spv 5 específicas.

Para uso industrial, los bacteriófagos se producen separando las progenies de fagos de las células huésped que se lisan durante la proliferación de bacteriófagos que se han inoculado en las células huésped cultivadas de forma masiva. Sin embargo, en cuanto a los bacteriófagos específicos para bacterias patógenas, sus lisados pueden 10 contener células huésped patógenas que no se eliminan, y/o materiales virulentos como tales proteínas patógenas del huésped. Esta probabilidad actúa como un gran factor de riesgo para la seguridad de los bacteriófagos producidos sobre la base de células huésped patógenas.

Muchas bacterias tienen fagos lisógenos en sus cromosomas; sin embargo, la mayoría de los fagos son crípticos y 15 no pueden producir progenie debido a la acumulación de muchas mutaciones como remanentes ancestrales. Los fagos lisógenos, aunque inactivos, pueden ayudar a la capacidad de supervivencia de la *Salmonella* en la infección del huésped porque contienen los genes necesarios para el crecimiento lítico y lisógeno y algunos de los genes codifican factores patógenos. Sin embargo, es probable que estos genes experimenten una recombinación homóloga con el genoma viral de otros fagos similares que infectan de nuevo a los animales, produciendo de este 20 modo fagos modificados genéticamente. En cuanto a la típica *Salmonella typhimurium*, tiene profagos *fels-1*, *fels-2*, *gifsy-1* y *gifsy-2* y dos fagos crípticos. En contraste, podría usarse *Salmonella Gallinarum* como un huésped productor de fagos, ya que *Salmonella Gallinarum* no tiene profagos ni fagos crípticos, y después los fagos producidos no se modifican genéticamente por recombinación (Edwards RA *et al*, Trends Microbiol, (2002); 10(2):94-99).

25 Con el fin de minimizar los restos tóxicos durante la producción de progenie y la oportunidad de mutación del fago, los presentes inventores diseñaron el concepto de que los grupos de genes de virulencia de *Salmonella Gallinarum* podrían inactivarse para producir bacteriófagos. No hay casos precedentes en los que bacterias avirulentas, que se hayan convertido a partir de bacterias virulentas mediante la inactivación de un clúster de genes de virulencia, se 30 hayan utilizado como una célula huésped de bacteriófago.

Además de la producción de bacteriófagos, la *Salmonella* privada de virulencia mediante la inactivación de grupos de genes de virulencia se usa por sí misma para desarrollar vacunas vivas atenuadas para controlar la *Salmonella* o aplicarse a la bioindustria, lo que garantiza un valor añadido significativo.

35 En la presente invención, se utilizan cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* obtenidas al eliminar al menos uno del principal clúster de genes completo de virulencia de *Salmonella* seleccionado del siguiente punto (i) a (iv): (i) isla de patogenicidad de *Salmonella* 2 (SPI-2), (ii) isla de patogenicidad de *Salmonella* 1 (SPI-1) y SPI-2, (iii) *spvRABCD*, y (iv) SPI-1, SPI-2, *spvRABCD*, y *faeHI*, como una célula huésped productora de bacteriófagos y se 40 aplican en diversos usos.

[Divulgación]

45 Con el objetivo de resolver los problemas con la modificación recombinante de los fagos de la progenie y los remanentes bacterianos tóxicos en el transcurso de la producción de bacteriófagos sobre la base de los hechos descritos anteriormente, los presentes inventores desarrollaron cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con Reivindicación 1 a utilizar como una célula huésped para la producción de bacteriófagos. Además, los presentes inventores confirmaron principalmente la reducción de la virulencia al medir la eficiencia de la 50 invasión de *Salmonella Gallinarum* en las células epiteliales aviares, y se reconfirmaron al medir la mortalidad de las gallinas infectadas con cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum*. Por otro lado, los presentes inventores aprueban el uso de huéspedes productores de bacteriófagos, el uso de las composiciones farmacéuticas y aditivos para pienso para la prevención o el tratamiento de la salmonelosis aviar a través de la comparación de la productividad de los bacteriófagos entre las cepas de tipo silvestre y las avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum*.

55 Otro objeto de la presente invención es proporcionar el uso de la cepa avirulenta modificada de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con la reivindicación 1 en la producción de bacteriófagos específicos de *Salmonella*, o un método para producir fagos utilizando la cepa o las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con la reivindicación 1. Las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con la

presente invención se pueden usar para la producción en masa de bacteriófagos líticos específicos de *Salmonella* libres de toxicidad remanente y se aplican al desarrollo de un nuevo concepto de sustitutos de antibióticos que tienen un alto valor de utilidad y garantizan un valor añadido significativo.

- 5 De acuerdo con la presente invención, se proporciona además una composición farmacéutica de acuerdo con las reivindicaciones 9 y 10, una vacuna de acuerdo con la reivindicación 11 y un aditivo para pienso de acuerdo con la reivindicación 12.

- 10 El clúster del gen SPI-1 codifica proteínas del sistema de secreción de tipo III que permanecen en las superficies celulares, actuando como un antígeno, mientras que el clúster del gen SPI-2 codifica proteínas que participan en la supervivencia en los fagosomas después del paso a través de las células epiteliales. Por lo tanto, la inactivación del clúster del gen SPI-2 en solitario, con el clúster del gen SPI-1 intacto, deja el antígeno necesario para la producción de un anticuerpo que induce una respuesta inmune, pero no permite que la *Salmonella* sobreviva durante la fagocitosis, por lo tanto, no da como resultado una enfermedad sistémica. Por lo tanto, la cepa de *Salmonella*
 15 *Gallinarum* inactivada por un clúster del gen SPI-2 podría usarse como una vacuna viva.

De acuerdo con la presente invención, se proporcionan cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con la reivindicación 1 con una reducción notable de la patogenicidad.

- 20 Como se usa en el presente documento, el término "clústeres de genes de virulencia de *Salmonella*" se refiere a los cuatro clústeres de genes implicados en la virulencia de *Salmonella Gallinarum*, incluida el operón de la isla de patogenicidad de *Salmonella* 1 (en lo sucesivo en el presente documento denominado "SPI-1") que codifica las proteínas estructurales y las proteínas efectoras tóxicas del sistema de secreción de tipo III, el operón de la isla de patogenicidad de *Salmonella* 2 (en lo sucesivo en el presente documento denominado "SPI-2") que codifica las
 25 proteínas estructurales y las proteínas efectoras tóxicas del sistema de secreción de tipo III, el operón *spvRABCD* que codifica proteínas patógenicamente activas en plásmidos virulentos específicos de *Salmonella* aviar, y el operón *faeHI* que codifica las fimbrias. Mientras funcione de forma funcional en *Salmonella Gallinarum*, se puede usar cualquier clúster de genes.
- 30 El término "clúster de genes", como se usa en el presente documento, se refiere a una población de genes adyacentes en un cromosoma o un plásmido que son comúnmente responsables de los mismos productos. Los genes en un clúster están bajo la regulación de genes reguladores comunes.

- La inactivación de genes en bacterias se puede lograr usando diversos métodos. Por ejemplo, mediante
 35 modificación genética (mutación) de las estructuras de señal de la expresión génica, o también mediante la técnica de ARN antisentido conocida en la técnica sin excesiva experimentación. Las estructuras de señal de la expresión génica son, por ejemplo, genes represores, genes activadores, operadores, promotores, atenuadores, sitios de unión a ribosomas, el codón de inicio y los terminadores, pero sin limitación (Jensen y Hammer, *Biotechnology and Bioengineering* 58:191195 (1998), Carrier y Keasling, *Biotechnology Progress* 15:5864 (1999), Franch y Gerdes,
 40 *Current Opinion in Microbiology* 3:159164 (2000), Knippers ("*Molecular Genetics*", 6ª edición, 1995) o los de Winnacker ("*Genes y Clones*", 1990), cuyo contenido de cada uno se incorpora en el presente documento por referencia).

- Además, se puede usar un mecanismo de interferencia de ARN (ARN de interferencia: ARNi) que induce la
 45 degradación del ARNm del gen diana a través de la introducción de ARN bicatenario (ARNds) que consiste en la cadena de sentido que comprende el ARNm del gen diana y las secuencias homólogas del mismo, y la cadena antisentido que comprende la secuencia complementaria. Además, el método que utiliza transposón, que se puede mover a otra ubicación dentro del genoma de una sola célula, se puede usar para inactivar el gen a través de la mutación mediada por transposón para bloquear la función del gen diana. Las mutaciones que conducen a un
 50 cambio o reducción en las propiedades catalíticas de proteínas enzimáticas de clústeres de genes se conocen de la técnica anterior (Qiu y Goodman (*Journal of Biological Chemistry* 272:86118617 (1997)), Yano *et al.*, (*Proceedings of the National Academy of Sciences, USA* 95:5511 5515 (1998)), y Wentz y Schachmann (*Journal of Biological Chemistry* 266:2083320839 (1991)). Pueden encontrarse descripciones resumidas en libros de texto conocidos de genética y biología molecular, tales como, por ejemplo, los de Hagemann ("*General Genetics*", 1986).

- 55 Preferiblemente, la inactivación del clúster de genes se realiza utilizando un método seleccionado de los siguientes: modificación de uno o más nucleótidos en el gen, eliminación de uno o más genes, inserción de un gen exógeno en los genes, eliminación de todos de los clústeres de genes, inserción de secuencias supresoras en el promotor del clúster de genes, mutación del promotor, inserción de una expresión que suprime la secuencia de regulación del

clúster de genes, introducción del ARNi para uno o más nucleótidos en el grupo de genes, mutaciones mediadas por transposón, y una combinación de los mismos.

Los métodos descritos anteriormente pueden entenderse comúnmente por los expertos en la técnica y llevarse a cabo como se describe (Sambrook *et al.*, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Tercera Edición (Cold Spring Harbor Press 2001)).

Por ejemplo, se pueden modificar uno o más nucleótidos de un sitio activo dentro de un gen para disminuir la actividad de la proteína expresada. Alternativamente, un gen resistente a los antibióticos u otro gen o genes pueden insertarse en el gen de interés para evitar la expresión de proteínas intactas. El método más preferible es eliminar la secuencia completa de un grupo de genes del genoma (Russell CB *et al.*, J. Bacteriol. (1989); 171:2609-2613, Hamilton CM *et al.*, J. Bacteriol. (1989); 171:4617-4622, Link AJ *et al.*, J. Bacteriol. (1997); 179:6228-6237). En la presente invención, se elimina la secuencia completa del clúster de genes de interés para asegurar eficazmente la inactivación de los genes. Para esto, se puede emplear el método de delección en un solo paso que utiliza lamda Red recombinasa, conocido como un método para eliminar clústeres de genes, desarrollado por (Datsenko KA *et al.*, PNAS, (2000); 97(12):6640-6645).

Con respecto a la información de los genes de virulencia a eliminar, se obtuvieron secuencias de nucleótidos de SPI-1 y SPI-2 en referencia a las secuencias de genes de virulencia dentro del cromosoma de *Salmonella Gallinarum* (*Salmonella enterica subsp. enterica serovar Gallinarum str.287/91*, NC 011274), divulgado por el NCBI. Para la secuencia del operón *faeHI*, se hizo referencia a la secuencia del gen del plásmido de virulencia de *Salmonella Gallinarum* (genes de la subunidad fimbrial menor del plásmido de virulencia de *Salmonella Gallinarum*, AF005899). Para el operón *spvRABCD*, se consultó la secuencia del mismo gen de *Salmonella Typhimurium LT2*, que es altamente homóloga con *Salmonella Gallinarum*, porque su secuencia no se divulga en el NCBI. La secuenciación del operón *spvRABCD* de *Salmonella Gallinarum* también se realizó con referencia a la secuencia del gen correspondiente de *Salmonella Typhimurium*.

Los ejemplos de los clústeres de genes de virulencia de *Salmonella* incluyen el clúster del gen SPI-1 (SEQ ID NO: 1), el clúster del gen SPI-2 (SEQ ID NO: 2), el operón *spvRABCD* (SEQ ID NO: 3), y el operón *faeHI* (SEQ ID NO: 4) de *Salmonella Gallinarum 287/91*.

Para preparar las cepas que se habían convertido en avirulentas, se eliminaron al menos un clúster de genes de virulencia.

La presente invención incluye una cepa de *Salmonella Gallinarum* en la que solo se elimina el clúster completo del gen SPI-2 (SG3-d2), una cepa de *Salmonella Gallinarum* en la que se eliminan integralmente los clústeres de genes tanto SPI-1 como SPI-2 (SG3-d1d2), y una cepa de *Salmonella Gallinarum* en la que los cuatro clústeres de genes de virulencia (SPI-1, SPI-2, *spvRABCD* y *faeHI*) se eliminan integralmente (SG3-d4). SG3-d2 se deposita con el N.º de acceso KCCM11009P, SG3-d1d2 con el N.º de acceso KCCM11010P, y SG3-d4 con el N.º de acceso KCCM11011P.

Se han publicado estudios sobre la eliminación independiente de genes individuales de los clústeres de genes (Hapfelmeier S *et al.*, J Immunol, (2005); 174(3):1675-1685, Brumme S *et al.*, Vet Microbiol, (2007); 124(3-4):274-285, Desin TS *et al.*, Infect Immun, Jul (2009);2866-2875), pero las cepas avirulentas de *Salmonella* se desarrollaron mediante la inactivación integral de dos o más clústeres de genes completos que no se habían divulgado antes del estudio de los presentes inventores. La cepa de *Salmonella Gallinarum* se denominó *Salmonella Gallinarum* SG2293-d2 cuando solamente se eliminó la totalidad del clúster del gen SPI-2, y SG2293-d1d2 cuando tanto SPI-1 como SPI-2 se eliminaron integralmente. Además, se denominó SG2293-d4 tras la eliminación de la totalidad de SPI-1, SPI-2, *spvRABCD*, y *faeHI*. Los términos "SG2293-d2" y "SG3-d2", "SG2293-d1d2" y "SG3-d1d2", y "SG2293-d4" y "SG3-d4" pueden usarse indistintamente en el presente documento.

Para determinar la avirulencia de las mismas, se sometieron a ensayo analizando las cepas preparadas mediante la eliminación de clústeres completos de genes de virulencia de acuerdo con la presente invención para determinar la eficacia de la invasión en las células epiteliales aviares y el brote de la enfermedad y la mortalidad (%) tras la infección en aves de corral. Preferiblemente, se permitió que las cepas de *Salmonella Gallinarum* en las que se habían eliminado los clústeres de genes de virulencia invadieran las células epiteliales aviares, de manera que pudiera medirse la eficacia de la invasión. Además, las cepas se inyectaron en capas de huevo marrón para medir la mortalidad.

De acuerdo con otro aspecto de la misma, la presente invención proporciona una cepa avirulenta modificada de *Salmonella* de acuerdo con la reivindicación 1 para su uso en la producción de bacteriófagos líticos específicos de *Salmonella* y un método para producir fagos usando los mismos.

5 Se usó ΦCJ1 (documento US 20100135962), un fago específico de *Salmonella*, para examinar la productividad del bacteriófago de las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum*. El fago muestra una actividad bactericida específica contra *Salmonella Gallinarum* y *Salmonella pullorum*, pertenece al grupo de morfotipos de la familia *Siphoviridae* B1, que se caracteriza por la cápside isométrica y la cola no contráctil larga, y tiene un tamaño de genoma total de 61 kb y proteínas estructurales mayores con un tamaño de 38 kDa y 49 kDa.

10

El método para producir un bacteriófago de acuerdo con la presente invención comprende cultivar las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con la reivindicación 1 en un medio, inocular un bacteriófago en el medio, y recuperar el bacteriófago. A este respecto, el fago puede producirse brevemente usando una placa o de forma masiva utilizando caldo. En el caso de la producción utilizando una placa, un bacteriófago se
15 inocula en una relación adecuada en bacterias cuando las bacterias entran en una fase logarítmica, se mezclan con agar superior, y se vierten en una placa. Cuando aparecen las placas de fago, las fracciones de agar superior se recogen y se centrifugan, seguido de filtrado del sobrenadante para proporcionar una reserva de fagos. Para la producción en masa como caldo, se prepara una mezcla de fagos y bacterias de la misma manera que en la producción de placas, y se incuba durante 5 horas en caldo fresco, en lugar de en agar superior.

20

De acuerdo con un aspecto adicional de la misma, la presente invención proporciona una composición farmacéutica para la prevención o el tratamiento de la tifosis aviar, que comprende la cepa avirulenta de *Salmonella* de acuerdo con la reivindicación 1 como principio activo. De acuerdo con la invención, se proporciona además una vacuna de acuerdo con la reivindicación 11 para la prevención o el tratamiento de la tifosis aviar, formulada con la cepa
25 avirulenta de *Salmonella*.

La composición o vacuna puede comprender opcionalmente un vehículo farmacéuticamente aceptable. El término "vehículo farmacéuticamente aceptable" como se usa en el presente documento, se refiere a un vehículo o diluyente que no deteriora la actividad biológica ni la propiedad del principio activo y que no irrita al sujeto. Las preparaciones
30 destinadas a la administración oral pueden estar en forma de comprimidos, trociscos, pastillas, suspensiones acuosas u oleosas, polvos, gránulos, emulsiones, cápsulas duras o blandas, jarabes, elixires, etc. En lo que respecta a las formas orales tales como comprimidos y cápsulas, el principio activo puede formularse en combinación con un aglutinante tal como lactosa, sacarosa, sorbitol, manitol, almidón, amilopectina, conjugado tal como celulosa o gelatina, un excipiente tal como fosfato dicálcico, un disgregante tal como maíz o almidón de batata, o un lubricante tal como estearato de magnesio, estearato de calcio, estearilfumarato de sodio o cera de polietilenglicol.
35 En cuanto a las cápsulas, pueden comprender además un vehículo líquido tal como aceite graso.

La composición de la presente invención se puede formular en preparaciones para administración no oral, tales como inyecciones subcutáneas, inyecciones intravenosas o inyecciones intradérmicas. Para esto, la composición de
40 la presente invención se puede mezclar con un estabilizador o tampón en agua para preparar una solución o una suspensión que después se formula en dosis unitarias tales como ampollas o viales.

Como se usa en el presente documento, el término "vacuna" se refiere a una preparación biológica que mejora la inmunidad a una enfermedad particular al inducir la formación de un anticuerpo tras la inyección en el cuerpo, una
45 preparación que contiene un antígeno, por ejemplo, formas muertas o atenuadas de un microorganismo causante de enfermedad. Las vacunas pueden prepararse a partir de patógenos muertos. También existen vacunas vivas, pero con virulencia atenuada de las mismas. Las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la presente invención tienen las mismas proteínas antigénicas que las del tipo silvestre, pero tienen una virulencia mucho menor en comparación con el tipo silvestre, por lo que pueden usarse como vacunas profilácticas vivas de la tifosis aviar.

50

De acuerdo con la presente invención, se proporciona adicionalmente un aditivo para pienso que comprende la cepa avirulenta modificada de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con la reivindicación 1. Cuando se aplica a aves de corral, el aditivo para pienso de la presente invención sirve como una vacuna viva que previene la tifosis aviar.

55 El pienso de la presente invención se puede preparar mezclando el pienso con la cepa avirulenta modificada de *Salmonella Gallinarum* tal como está o en forma de un aditivo para pienso. En el pienso, la cepa avirulenta modificada de *Salmonella Gallinarum* puede estar en estado líquido o seco. El estado seco se puede lograr mediante diversos métodos de secado incluyendo, pero sin limitación, el secado neumático, el secado espontáneo, el secado por pulverización y la liofilización. Además de la cepa avirulenta modificada de *Salmonella Gallinarum* de

la presente invención, el pienso de la presente invención puede comprender además un aditivo típico útil para mejorar la conservación del pienso.

5 El pienso que comprende la cepa avirulenta modificada de *Salmonella Gallinarum* de la presente invención puede ser materia vegetal tal como un cereal, nuez, un subproducto del procesamiento de alimentos, mijo, fibra, subproducto farmacéutico, un aceite vegetal, almidón, harinas de semillas oleaginosas y restos de cereales, o materia animal tales como proteínas, minerales, grasas, aceites minerales, proteínas unicelulares, plancton de animales y restos de alimentos, etc.

10 Los ejemplos del aditivo para pienso que comprende la cepa avirulenta modificada de *Salmonella Gallinarum* de la presente invención incluyen, pero sin limitación, diversos agentes para prevenir el deterioro de la calidad y mejorar la utilidad, tales como aglutinantes, emulsionantes, conservantes, aminoácidos, vitaminas, enzimas, probióticos, agentes saporíferos, compuestos nitrogenados no proteicos, silicatos, tampones, colorantes, extractos, oligosacáridos, etc. Además, un agente de mezcla puede estar dentro del alcance del aditivo para pienso.

15 La composición de la presente invención se puede administrar a animales en forma de una preparación farmacéutica para animales, o mezclando con pienso o agua. Preferiblemente, se mezcla en forma de un aditivo para pienso con el pienso antes de la administración.

20 Siempre que permita que la composición de la presente invención alcance tejidos o células de interés, puede tomarse cualquier vía de administración, tal como vía no oral, intraarterial, intradérmica, transdérmica, intramuscular, intraperitoneal, intravenosa, subcutánea, oral o intranasal.

Será evidente para los expertos en la materia que la dosis diaria total adecuada puede ser determinada por un
 25 médico tratante dentro del alcance del criterio médico. El nivel de dosis terapéuticamente eficaz específico para cualquier paciente en particular puede variar dependiendo de una diversidad de factores, incluyendo el tipo y grado de reacción deseada, la composición específica, incluido el uso de cualquier otro agente de acuerdo con el uso previsto, la edad del paciente, el peso, salud general, género y dieta, el tiempo de administración, la vía de administración, y la tasa de excreción de la composición; la duración del tratamiento, otros fármacos utilizados en
 30 combinación o a la vez con la composición específica; y factores similares ya conocidos en las técnicas médicas. Típicamente, la composición puede administrarse a una dosis diaria de 10^4 a 10^8 UFC una vez o a modo de dosificación dividida.

[Efectos ventajosos]

35 Las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con la presente invención, preparadas mediante la eliminación de un clúster o clústeres de genes de virulencia completos, son útiles como células huésped para producir de manera eficaz bacteriófagos líticos específicos de *Salmonella* a escala industrial con la ventaja de ahorrar coste. Las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* simplifican el proceso de purificación
 40 utilizado para eliminar la toxicidad después de la producción de bacteriófagos, lo que reduce considerablemente el coste de producción y resuelve el problema de seguridad de los productos. Además, las cepas modificadas pueden usarse como vacunas vivas, que garantizan mayores efectos inmunológicos y seguridad que las vacunas convencionales.

45 [Descripción de los dibujos]

Los anteriores y otros objetos, características y otras ventajas de la presente invención se entenderán más claramente a partir de la siguiente descripción detallada tomada junto con los dibujos adjuntos, en los que:

50 La Figura 1 es un diagrama esquemático que muestra los genes de virulencia de *Salmonella aviar* (isla de patogenicidad de *Salmonella* 1, isla de patogenicidad de *Salmonella* 2, *spvRABCD* y *faeHI*) y los sitios correspondientes a los cebadores para inactivar los genes de virulencia; y
 La Figura 2 es un gráfico que muestra la eficacia de la invasión *in vitro* en células epiteliales aviares de las cepas de *Salmonella Gallinarum* inactivadas por el gen de virulencia (SG3-d1, SG3-d2, SG3-dld2 y SG3-d4), junto con controles de tipo silvestre de *Salmonella Gallinarum* SG2293), vacuna viva de *Salmonella Gallinarum* (SG9R) y *E. coli* no patógena (MG1655). La eficiencia de invasión se expresa como un porcentaje del recuento de microorganismos dentro de las células dividido con el recuento de microorganismos dentro de un medio de cultivo. Los microorganismos se usaron a una concentración de $8,0 \times 10^7$ ufc por pocillo.
 55

[Mejor modo]

En lo sucesivo en el presente documento, la presente invención se describirá con más detalle con referencia a los
5 Ejemplos. Sin embargo, estos ejemplos son solo para fines ilustrativos, y la invención no pretende limitarse por estos ejemplos.

[Modo de la invención]

10 **EJEMPLO 1: Cribado de genes diana a inactivar mediante la comparación de genes de virulencia de *Salmonella Gallinarum***

La primera etapa de la preparación de cepas avirulentas de *Salmonella aviar* fue el cribado de los genes de virulencia diana a inactivar. La isla de patogenicidad de *Salmonella* 1 (SPI-1), y la isla de patogenicidad de
15 *Salmonella* 2 (SPI-2), que son ambos clústeres de genes del sistema de secreción tipo tres esenciales para la administración de la patogenicidad de *Salmonella*, y *spvRABCD* y *faeHI*, ambos de los cuales son genes en plásmidos de virulencia, se determinaron como genes diana, y en la base de datos del NCBI se buscaron las secuencias de nucleótidos de los genes diana (*Salmonella enterica subsp. enterica serovar Gallinarum str. 287/91*, NC 011274). Como la secuencia de nucleótidos de *spvRABCD* de *Salmonella Gallinarum* aún no se había divulgado,
20 los cebadores se sintetizaron con referencia a la secuencia de nucleótidos del mismo nombre gen de *Salmonella typhimurium* (plásmido de *Salmonella typhimurium* LT2 pSLT, NC 003277), que tiene una alta homología de nucleótidos con *Salmonella Gallinarum*. En cuanto al operón *faeHI*, la información de su secuencia de nucleótidos se obtuvo a partir de los genes de la subunidad fimbrial menor del plásmido de virulencia de *Salmonella Gallinarum* (AF005899).

25 **EJEMPLO 2: Preparación de cepas modificadas avirulentas mediante la inactivación de los genes de virulencia de *Salmonella Gallinarum* y por la integración de los sitios inactivados**

30 **2-1. Inactivación de los genes de virulencia de *Salmonella Gallinarum***

Para eliminar los genes de virulencia relacionados con el TTSS de *Salmonella Gallinarum* de tipo silvestre (SGSC N.º 2293) como se determinó en el Ejemplo 1, se empleó el método de deleción en un solo paso usando lamda Red recombinasa, desarrollado por Datsenko KA *et al.*, (Datsenko KA *et al.*, PNAS, (2000);97(12):6640-6645).

35 Se usó un gen resistente a cloranfenicol de pKD3 como marcador de antibiótico para identificar la inserción en un sitio diana de un cromosoma. Usando un par de los cebadores SPI-1-P1 (SEQ ID NO: 5) y SPI-1-P2 (SEQ ID NO: 6) de la Tabla 2, que corresponden a 50 pb de la región flanqueante 5 de *avrA* y 50 pb de la región flanqueante 3 del gen *invH*, en los que SPI-1 que comprende de *avrA* a *invH* es el objetivo para la eliminación, y una parte del gen resistente a cloranfenicol de pKD3, se realizó una reacción en cadena de la polimerasa (en lo sucesivo en el
40 presente documento denominada "PCR") [Sambrook *et al.*, Molecular Cloning, a Laboratory Manual (1989), Cold Spring Harbor Laboratories], con pKD3 como plantilla. El producto de PCR obtenido era un fragmento de gen de aproximadamente 1100 pb de longitud.

A este respecto, se usó un kit de premezcla de PCR HL (BIONEER) y se llevaron a cabo 30 ciclos de
45 desnaturalización a 94°C durante 30 segundos, hibridación a 55°C durante 30 s y alargamiento a 72°C durante 1 minuto. El producto de la PCR se separó en gel de agarosa al 0,8% mediante electroforesis y se eluyó en un tamaño de banda deseado.

De acuerdo con el método de Datsenko KA *et al.*, el fragmento del gen de 1100 pb de longitud se introdujo en
50 *Salmonella Gallinarum* de tipo silvestre competente, transformada en pKD46, que después se extendió sobre placas LB que contenían cloranfenicol (30 mg/l). En cuanto al transformante resultante, su gen se examinó mediante PCR utilizando un par de cebadores SPI-1-P3 (SEQ ID NO: 7) y SPI-1-P4 (SEQ ID NO: 8), que corresponden a regiones de aproximadamente 1 kb de distancia de ambos extremos del gen diana de eliminación. El producto de PCR obtenido de este modo era de 3100 pb de longitud, lo que indicaba que el clúster del gen SPI-1 estaba inactivado.

55 La cepa resultante se cultivó a 37°C, una condición para eliminar el vector pKD46, para seleccionar una cepa que no pudiera crecer en una placa LB que contenía ampicilina (100 mg/l).

Posteriormente, el marcador de antibiótico insertado en el clúster de genes inactivados se eliminó mediante

transformación con pCP20. La eliminación del marcador de antibiótico se identificó mediante PCR utilizando los cebadores SPI-1-P3 y SPI-1-P4. El producto de PCR resultante tenía una longitud de 2000 pb, lo que también indica la inactivación.

5 Posteriormente, la cepa que ahora estaba libre del marcador de antibiótico se cultivó a 42°C (una condición para eliminar el pCP20) para seleccionar una cepa que no podía crecer en una placa LB que contenía ampicilina. La cepa inactivada por clúster del gen SPI-1 obtenida de este modo se denominó SG3-d1 (SG2293::ΔSPI-1 de *Salmonella Gallinarum*). La cepa SG3-d1 se depositó en el Korean Culture Center of Microorganisms, YuRim B/D Hongje-dong, Seodamun-gu, Seúl, Corea el 2 de julio de 2009 con el N.º de acceso KCCM11009P.

10

Los clústeres del gen SPI-2, *spvRABCD* y *faeHI* también se inactivaron de la misma manera que en el clúster del gen SPI-1. Las cepas inactivadas por clúster de genes resultantes se denominaron SG3-d2 (*Salmonella Gallinarum* SG2293::ΔSPI-2, acceso N.º KCCM11009P), SG3-ds (*Salmonella Gallinarum* SG2293::Δspv), y SG3-df (*Salmonella Gallinarum* SG2293::Δfae), respectivamente. Los cebadores utilizados para eliminar genes y para identificar la

15 eliminación de genes se resumen en la Tabla 2, a continuación.

[Tabla 2]

Cebadores para la eliminación del gen SPI-1 del cromosoma	
SPI-1-P1 (SEQ ID NO: 5)	TTATGGCGCTGGAAGGATTCCTCTGGCAGGCAACCT TATAATTTTCATTAGTGTAGGCTGGAGCTGCTTC
SPI-1-P2 (SEQ ID NO: 6)	ATGCAAAATATGGTCTTAATTATATCATGATGAGTTC AGCCAACGGTGATCATATGAATATCCTCCTTAG
Cebadores para la eliminación del gen SPI-2 del cromosoma	
SPI-2-P1 (SEQ ID NO: 9)	ACCCTCTTAACCTTCGCAGTGGCCTGAAGAAGCATAC CAAAAGCATTATGTGTAGGCTGGAGCTGCTTC
SPI-2-P2 (SEQ ID NO: 10)	ACTGCGTGGCGTAAGGCTCATCAAAATGACCAATG CTTAATACCATCGCATATGAATATCCTCCTTAG
Cebadores para la eliminación del gen <i>spvRABCD</i> del plásmido de virulencia	
spv-P1 (SEQ ID NO: 13)	GTGCAAAAACAGGTCACCGCCATCCTGTTTTGCACA TCAA ACATTTTTGTGTAGGCTGGAGCTGCTTC
spv-P2 (SEQ ID NO: 14)	TTACCCCAACAGCTTGCCGTGTTTGGCCTTGAACATA GGGAT GCGGGCTTCATATGAATATCCTCCTTAG
Cebadores para la eliminación del gen <i>faeHI</i> del plásmido de virulencia	
fae-P1 (SEQ ID NO: 17)	TTACCGATATCAATGCTCACCGCCAGGGAGGTATGC CAGCG GGACGGTAGTGTAGGCTGGAGCTGCTTC
fae-P2 (SEQ ID NO: 18)	ATGAAAATAACGCATCATTATAAATCTATTATTTCCG CC CTGGCCGCGCTCATATGAATATCCTCCTTAG
Cebadores para la identificación de la eliminación del gen SPI-1 del cromosoma	
SPI-1-P3 (SEQ ID NO: 7)	ATGTTCTTAACAACGTTACTG
SPI-1-P4 (SEQ ID NO: 8)	AGGTAGTACGTTACTGACCAC
Cebadores para la identificación de la eliminación del SPI-2 del cromosoma	
SPI-2-P3 (SEQ ID NO: 11)	TGTTCTGACTGCCGATGTCCG
SPI-2-P4 (SEQ ID NO: 12)	AGTACGACGACTGACGCCAAT

Cebadores para la eliminación del gen <i>spvRABCD</i> del plásmido de virulencia	
spv-P3 (SEQ ID NO: 15)	GACCATATCTGCCTGCCTCAG
spv-P4 (SEQ ID NO: 16)	CAGAGCCCGTTCTCTACCGAC
Cebadores para la delección del gen <i>faeHI</i> del plásmido de virulencia	
fae-P3 (SEQ ID NO: 19)	CAGGCTCCCCTGCCACCGGCT
fae-P4 (SEQ ID NO: 20)	CAGGCCAACTATCTTTCCCTA

2-2. Integración de la inactivación de los genes de virulencia relacionada con el sistema de secreción de tipo III

Para inactivar integralmente los clústeres de genes en una cepa, la cepa SG3-d1 se sometió secuencialmente a la inactivación de los clústeres de los genes SPI-2, *spvRABCD* y *faeHI*, utilizando un método similar al del Ejemplo 2-1.

Para comenzar, se realizó la PCR utilizando los cebadores SPI-2-P1 (SEQ ID NO: 9) y SPI-2-P2 (SEQ ID NO: 10) con el fin de inactivar el clúster del gen SPI-2, sirviendo pKD4 como plantilla, dando como resultado un fragmento del gen de 1600 pb. Este producto de PCR se introdujo en la cepa SG3-d1 en la que permaneció el vector pKD46 (Ejemplo 1-2), seguido de la propagación de las bacterias sobre una placa LB que contenía kanamicina (50 mg/l). En cuanto al transformante resultante, su gen se examinó mediante PCR utilizando un par de cebadores SPI-2-P3 (SEQ ID NO: 11) y SPI-2-P4 (SEQ ID NO: 12), que corresponden a ambas regiones flanqueantes del gen diana de eliminación. El producto de PCR obtenido de este modo era de 3600 pb de longitud, lo que indicaba que el clúster del gen SPI-2 estaba inactivado.

La cepa resultante se cultivó a 37°C, una condición para eliminar el vector pKD46, para seleccionar una cepa que no pudiera crecer en una placa LB que contenía ampicilina (100 mg/l).

Posteriormente, el marcador de antibiótico insertado en el clúster de genes inactivados se eliminó mediante transformación con pCP20. La eliminación del marcador de antibiótico se identificó por PCR usando los cebadores SPI-1-P3 y SPI-1-P4 en el caso de SPI-1 y los cebadores SPI-2-P3 y SPI-2-P4 en el caso de SPI-2. El producto de PCR resultante tenía una longitud de 2000 pb, lo que también indica que se había producido la inactivación.

Posteriormente, la cepa libre del marcador de antibiótico se cultivó a 42°C (una condición para eliminar el pCP20) para seleccionar una cepa que no podía crecer en una placa LB que contenía ampicilina. La cepa inactivada por clústeres de los genes SPI-1 y SPI-2 obtenida de este modo se denominó SG3-d1d2 (SG2293:: Δ SPI-1 Δ SPI-2 de *Salmonella Gallinarum*, N.º de acceso KCCM11010P). La cepa SG3-d1d2 se depositó en el Korean Culture Center of Microorganisms, YuRim B/D Hongje-dong, Seodamun-gu, Seúl, Corea el 2 de julio de 2009 con el N.º de acceso KCCM1 1010P.

En la cepa SG-d1d2, los clústeres de los genes *spvRABCD* y *faeHI* se inactivaron adicionalmente. Para este fin, el clúster del gen *spvRABCD* (el gen resistente a kanamicina de pKD4 se usó como marcador de antibiótico) se inactivó de la misma manera que en la inactivación de SPI-1 en el Ejemplo 1-2, mientras que la inactivación del clúster del gen *faeHI* (el gen resistente a cloranfenicol de pKD3 se usó como marcador de antibiótico) se realizó de la misma manera que en la inactivación de SPI-2 en la cepa inactivada de SPI-1. En cuanto a los transformantes resultantes, sus genes se examinaron mediante PCR utilizando el conjunto de cebadores spv-P3 (SEQ ID NO: 15) y spv-P4 (SEQ ID NO: 16) para la eliminación de *spvRABCD*, y el conjunto de cebadores fae-P3 (SEQ ID NO: 19) y fae-P4 (SEQ ID NO: 20) para la eliminación de *faeHI*, que corresponden a las regiones de aproximadamente 1 kb de distancia de ambos extremos de los genes diana de eliminación respectivos. Los productos de la PCR obtenidos de este modo eran de 3600 pb, 3100 pb de largo respectivamente, lo que indicaba que los clústeres de los genes *spvRABCD* y *faeHI* estaban inactivados. La cepa resultante se cultivó a 37°C, una condición para eliminar el vector pKD46, para seleccionar una cepa que no pudiera crecer en una placa LB que contenía ampicilina (100 mg/l). La cepa de *Salmonella Gallinarum* en la que todos los cuatro clústeres de los genes SPI-1, SPI-2, *spvRABCD* y *faeHI* se inactivaron integralmente se denominó SG3-d4 (SG2293:: Δ SPI-1 Δ SPI-2 Δ *spvRABCD* Δ *faeHI* de *Salmonella Gallinarum*) y se depositaron con el N.º de acceso KCCM11011P en el Korean Culture Center of Microorganisms, YuRim B/D Hongje-dong, Seodamun-gu, Seúl, Corea el 2 de julio de 2009.

2-3. Secuenciación del operón *spvRABCD* de *Salmonella Gallinarum*

En ninguna parte se ha divulgado aún la información genética sobre *spvRABCD* de *Salmonella Gallinarum* (SGSC N.º 2293). Su secuencia de nucleótidos se analizó en la presente invención. Para ello, los cebadores se sintetizaron como se resume en la Tabla 3, a continuación.

[Tabla 3]

spv-S1 (SEQ ID NO: 21)	GGTCAATTAATCCACTCAGAA
spv-S2 (SEQ ID NO: 22)	ACGGGAGACACCAGATTATC
spv-S3 (SEQ ID NO: 23)	TTCAGTAAAGTGGCGTGAGC
spv-S4 (SEQ ID NO: 24)	CCAGGTGGAGTTATCTCTGC
spv-S5 (SEQ ID NO: 25)	ACTGTCGGGCAAAGGTATTC
spv-S6 (SEQ ID NO: 26)	TTTCTGGTTACTGCATGACAG
spv-S7 (SEQ ID NO: 27)	TCCAGAGGTACAGATCGGC
spv-S8 (SEQ ID NO: 28)	GAAGGAATACACTACTATAGG
spv-S9 (SEQ ID NO: 29)	GTGTCAGCAGTTGCATCATC
spv-S10 (SEQ ID NO: 30)	AGTGACCGATATGGAGAAGG
spv-S11 (SEQ ID NO: 31)	AAGCCTGTCTCTGCATTTCCG
spv-S12 (SEQ ID NO: 32)	AACCGTTATGACATTAAGAGG
spv-S13 (SEQ ID NO: 33)	TAAGGCTCTCTATTAACTTAC
spv-S14 (SEQ ID NO: 34)	AACCGCTTCTGGCTGTAGC
spv-S15 (SEQ ID NO: 35)	CCGTAACAATGACATTATCCTC

El resultado del análisis se proporciona en la SEQ ID NO: 3.

5

EJEMPLO 3: Ensayo de *Salmonella Gallinarum* inactivada por clústeres de genes de virulencia SG3-d4 para determinar la avirulencia mediante la medición de la eficiencia de la invasión en una célula epitelial aviar

Salmonella Gallinarum y *Salmonella pullorum*, que son especies únicas de *Salmonella* debido a la falta de flagelos móviles, infectan específicamente a las células aviares y pueden invadir otras células animales, pero con una eficacia muy baja. En este ejemplo, se realizó un ensayo de invasión celular *in vitro* (Henderson SC *et al*, Infect Immun, (1999); 67(7):3580-3586) en la línea de células epiteliales aviares (tumor abdominal de periquito), proporcionada por el Dr. Lee, Georgia University. Se esperaba que las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* SG3-d1d2 y SG3-d4, desarrolladas por el método de eliminación génica descrito anteriormente, invadieran la célula huésped con una eficacia muy baja en función del nivel reducido de proteína relacionada con TTSS. Una revisión reciente de la investigación sobre los mecanismos de infección de los microorganismos patógenos indica que incluso cuando solo se elimina un gen específico de SPI-1, la cepa de *Salmonella* muestra una disminución en la eficiencia de invasión de las células epiteliales (Loströh CP *et al*, Microbes Infect, (2001); 3(14-15):1281-1291).

20 En la presente invención, se comprobó que la eliminación de genes relacionados con TTSS conducía a una disminución de la virulencia al medir la eficacia de la invasión de las cepas modificadas de *Salmonella* aviar en la línea celular epitelial aviar BAT.

La eficacia de la invasión en células epiteliales aviares se midió en placas de 24 pocillos por triplicado, y se proporcionaron los valores medios de tres mediciones. La línea celular BAT se cultivó a 37°C en DMEM complementado con suero fetal bovino al 10%, glutamina 1 mM, 100 UI/ml de penicilina y 100 µg/ml de estreptomycin bajo la condición de un 5 % de CO₂. La línea celular BAT se sembró a una densidad de 2,5 x 10⁵ células/pocillo en placas de 24 pocillos y se incubó a 37 °C durante 1-2 días en una incubadora con el 5 % de CO₂ para formar monocapas de células. Después de la distribución de la célula y la incubación durante un día, se cambió el medio de cultivo por DMEM sin antibiótico. Para la comparación de la eficacia de la invasión, se emplearon *Salmonella Gallinarum* de tipo silvestre SG3 (SGSC N.º: 2293), las cepas de *Salmonella Gallinarum* inactivadas por los clústeres de los genes de virulencia SG3-d1, SG3-d2, SG3-d1d2 y SG3-d4, y SG9R, que es una vacuna viva disponible comercialmente, sirviendo MG1655 de *E. coli* no patógeno como control.

35 Después de cultivarse principalmente en semilla, todas las bacterias de ensayo se incubaron vigorosamente durante 4-5 horas en un medio LB principal, y los cultivos se diluyeron a una DO₆₀₀ = 1,0. A 200 µl de las células animales incubadas en el medio sin antibiótico, se le añadieron 200 µl de cada uno de los cultivos diluidos para que las bacterias se dividieran en alícuotas a una concentración de 2,0 x 10⁸ UFC/ml por pocillo. Las placas se incubaron a 37°C durante una hora en una atmósfera de CO₂ al 5 % para permitir que las bacterias penetraran en las células epiteliales. Posteriormente, el medio se eliminó por aspiración y las placas se lavaron con IX PBS para eliminar los microorganismos restantes. Después, las células epiteliales se incubaron a 37°C durante 2 horas en presencia de 50 µg/ml de gentamicina en una incubadora de CO₂ al 5 % para eliminar los microorganismos que quedaron fuera de las células. El antibiótico se eliminó por lavado con IX PBS. Para examinar los microorganismos que lograron

penetrar en las células epiteliales, las células animales se lisaron durante 15-30 minutos en 500 µl de Triton X-100 al 0,1 %. Los lisados celulares se extendieron sobre placas LB y se incubaron durante una noche a 37°C para poder contar los microorganismos que habían crecido. Para calcular la eficacia de la invasión, también se incubaron 200 µl del cultivo de microorganismos con una DO₆₀₀ = 1,0.

5

Eficiencia de la invasión (%) = Recuento de microorganismos que han invadido la célula/recuento de microorganismos en el medio de cultivo (DO₆₀₀ = 1,0) x 100

Se calcularon las eficiencias de invasión celular BAT de las cuatro cepas de *Salmonella Gallinarum* transformadas preparadas por la inactivación de clústeres de genes de virulencia. De ellas, la cepa modificada en la que solo se inactivó el clúster del gen SPI-1, responsable del mecanismo de invasión celular, disminuyó la eficiencia de la invasión en un 84 % en comparación con el tipo silvestre. Se encontró que la cepa modificada SG3-d1d2 con la eliminación tanto de SPI-1 como de SPI-2 y la cepa modificada SG3-d4 con la eliminación de los cuatro clústeres de genes disminuyen la eficiencia de invasión celular en aproximadamente el 89 % y el 91 %, respectivamente, en comparación con *Salmonella Gallinarum* (SG3) de tipo silvestre. Las cepas modificadas de la presente invención también tenían una capacidad de invasión notablemente reducida, en comparación con la de la vacuna viva disponible comercialmente Nobilis SG9R. Estos datos demostraron que la inactivación de los clústeres de genes relacionados con TTSS disminuye la virulencia de *Salmonella Gallinarum* (véase la Tabla 4 y la Figura 2).

20

[Tabla 4]

	Cepa	Propiedad	Genotipo	Índice de internalización (%)
Grupo de control	MG1655	<i>E. coli</i> avirulenta	Tipo silvestre	2%
	SG3	<i>Salmonella Gallinarum</i> virulenta (tipo silvestre, SGSC N.º 2293)	Tipo silvestre	100%
	Nobilis SG9R	Vacuna viva contra <i>Salmonella Gallinarum</i> (disponible comercialmente)	SG:: Δ <i>recA</i>	67%
Grupo de ensayo (<i>Salmonella Gallinarum</i> avirulenta)	SG3-d1	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: ΔSPI-1	16%
	SG3-d2	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: ΔSPI-2	34%
	SG3-d1d2	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: ΔSPI-1/ΔSPI-2	11%
	SG3-d4	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: ΔSPI-1/ΔSPI-2/Δ <i>spv</i> /Δ <i>fae</i>	9%
(SG3 100% = 0,36% de eficiencia de invasión en la práctica)				

La avirulencia de la cepa modificada de *Salmonella Gallinarum* SG3-d4 se confirmó por una prueba *in vitro* que muestra una eficiencia de invasión extremadamente baja en las células epiteliales aviares, y se reconfirmó en pruebas en animales, y los resultados se dan en el Ejemplo 4.

25

EJEMPLO 4: Ensayo de SG3-d4 de *Salmonella Gallinarum* para determinar la avirulencia mediante la medición de la mortalidad de los pollos

Se encomendó este ensayo al Research Institute of Veterinary Science, Seoul National University. Las capas de huevo marrón de una semana de edad (pollo Hy-Line) se dividieron en muchos grupos de 10 que se separaron en los respectivos gallineros antes de la infección con patógenos. No se usaron programas de vacunas en los animales experimentales después de la eclosión.

30

Se emplearon en el ensayo *in vivo* cinco cepas de *Salmonella* aviar que incluían la *Salmonella Gallinarum* de tipo silvestre SG3 (SGSC N.º: 2293), la *Salmonella Gallinarum* inactivada por clúster de genes virulentos SG3-d2 y SG3-d4 (identificada para disminuir en virulencia por ensayo de invasión *in vitro*), la vacuna viva disponible comercialmente, Nobilis SG9R, y la MG1655 de *E. coli* no patógena.

35

Después de cultivarse principalmente en semilla, las cinco cepas se incubaron vigorosamente durante 4-5 horas a

una DO₆₀₀ = 1,0 en un medio LB principal, y la concentración de cada uno de los cultivos celulares se ajustó a 1,0 x 10⁸ UFC/ml. Las bacterias se inyectaron por vía subcutánea a los pollos a una dosis ajustada que después se controló durante dos semanas para determinar la mortalidad. Posteriormente, se realizó una autopsia de los pollos que estaban vivos para examinar las lesiones y aislar las bacterias.

5 Durante las dos semanas posteriores a la infección artificial de los patógenos (1,0 x 10⁸ UFC/ml), los pollos infectados con *Salmonella Gallinarum* modificada (SG3) se observaron y mostraron síndromes externos típicos tales como baja motilidad, diarrea azul y baja ingesta de pienso, y parecían estar muriendo. La mortalidad no fue alta, pero la autopsia reveló lesiones en casi todos los pollos.

10 En contraste, se observó que el grupo de pollos infectados con la cepa modificada de *Salmonella Gallinarum* (SG3-d4) se movía activamente y no moría, aunque algunos de ellos tuvieron diarrea durante las dos semanas. Además, se encontró que casi no tenían lesiones en la autopsia. Por lo tanto, se demostró de nuevo que la cepa modificada de *Salmonella Gallinarum* de la presente invención tenía una virulencia muy reducida. Se observó que los grupos de

15 pollos infectados con la cepa modificada SG3-d2 en la que el gen responsable de la invasión primaria en las células huésped permanece intacto, mientras que el gen SPI-2 involucrado en la infección sistémica y la supervivencia sobre la fagocitosis está inactivado, o con la cepa modificada SG3-ds en la que el gen spv, que se sabe que participa en la patogenicidad, está inactivado, tenían una mortalidad baja o nula (%). Por lo tanto, incluso la inactivación de clústeres de genes únicos tuvo una gran influencia en la reducción de la patogenicidad (véase la

20 Tabla 5).

[Tabla 5]

	Cepa	Propiedad	Genotipo	Mortalidad (%)	Frecuencia de las lesiones en aves vivas (%)
Grupo de control	MG1655	<i>E. coli</i> avirulenta	Tipo silvestre	0%	20% (2/10)
	SG3	<i>Salmonella Gallinarum</i> virulenta (tipo silvestre, SGSC N.º 2293)	Tipo silvestre	20%	88% (7/8)
	Nobilis SG9R	Vacuna viva contra <i>Salmonella Gallinarum</i> (disponible comercialmente)	SG:: Δ recA	0%	40% (4/10)
Grupo de ensayo (<i>Salmonella Gallinarum</i> avirulenta)	SG3-d1	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: Δ SPI-1	40%	17% (1/6)
	SG3-d2	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: Δ SPI-2	10%	0% (0/9)
	SG3-ds	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: Δ spv	0%	20% (2/10)
	SG3-d4	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG:: Δ SPI-1/ Δ SPI-2/ Δ spv/ Δ fae	0%	10% (1/10)

25 De acuerdo con los hallazgos de la autopsia, el hígado y el bazo estaban hinchados y debilitados, con la frecuencia significativa de lesiones hepáticas de color marrón verdoso o verde azulado, en el grupo de pollos infectados con *Salmonella Gallinarum* (SG3) de tipo silvestre. Al igual que la vacuna viva Nobilis SG9R disponible comercialmente o la MG1655 de *E. coli* no patógena, sin embargo, se descubrió que las cepas inactivadas por clústeres de genes virulentos de la presente invención (SG3-d1d2 y SG3-d4) casi no tenían lesiones, y demostraron ser inofensivas para los pollos.

30 **EJEMPLO 5: Comparación de la productividad del bacteriófago Φ CJ1 específico para las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum***

35 En última instancia, el desarrollo de cepas avirulentas de *Salmonella* se debe aplicar a la producción de bacteriófagos líticos específicos de *Salmonella*. Se demostró que las cepas modificadas de *Salmonella* preparadas en el Ejemplo 2 tienen una virulencia muy atenuada en los Ejemplos 3 y 4. Finalmente, se utilizó Φ CJ1 (Solicitud de

Patente Coreana N.º 10-2008-121500/documento US 20100135962), que infecta específicamente con *Salmonella* aviar, para examinar una diferencia en la productividad de bacteriófagos entre las cepas de *Salmonella Gallinarum* de tipo silvestre y las modificadas.

5 El bacteriófago aviar específico ΦCJ1 se cultivó a gran escala, sirviendo la cepa de *Salmonella Gallinarum* (SG3) de tipo silvestre o la cepa modificada como célula huésped. Para ello, cada cepa bacteriana se cultivó a una DO₆₀₀ de 0,5 (2,5 x 10¹⁰ unidades formadoras de colonias (UFC)) en 50 ml de caldo LB en un matraz con agitación. Se inoculó ΦCJ1 a 1,25 x 10⁹ UFP (unidades formadoras de placas) para formar una MOI (multiplicidad de infección) de 0,05, y se dejó en reposo durante 20 min a 37°C, seguido de una incubación adicional a 37°C durante 4 horas. Se añadió
10 cloroformo en una cantidad del 2% del volumen final y se agitó durante 20 min. Después del paso del sobrenadante a través de un filtro de 0,2 μm, se contó el título de ΦCJ1.

Se produjo ΦCJ1 a un título de 6 x 10¹¹ UFP/ml de la cepa de tipo silvestre (SG3) y a un título de 8 x 10¹⁰ UFP/ml de la cepa modificada de *Salmonella Gallinarum* (SG3-d4). Estos datos demostraron que las cepas modificadas
15 preparadas mediante la inactivación de clústeres de genes de virulencia no tienen problemas con la infección con bacteriófagos, y pueden usarse como células huésped para producir bacteriófagos (véase la Tabla 6). Además, ΦCJ2 (documento US 20100158870) y ΦCJ3 (documento US 20100166709), ambos desarrollados por el mismo solicitante, se produjeron utilizando la cepa modificada como una célula huésped. Se encontró que la célula huésped permite la producción de ΦCJ2 a un título de aproximadamente 2 x 10¹⁰ UFP/ml y ΦCJ3 a un título de
20 aproximadamente 5 x 10⁹ UFP/ml. Al igual que ΦCJ1, ΦCJ2 y ΦCJ3 se produjeron a partir de la cepa modificada de la presente invención, sin diferencias significativas con respecto al tipo silvestre.

[Tabla 6]

	Cepa	Propiedad	Genotipo	Título de producción de ΦCJ1 (UFP/ml)
Grupo de control	SG3	<i>Salmonella Gallinarum</i> virulenta (tipo silvestre, SGSC N.º 2293)	Tipo silvestre	6 x 10 ¹¹
Grupo de ensayo (<i>Salmonella Gallinarum</i> avirulenta)	SG3-d4	<i>Salmonella Gallinarum</i> con gen de virulencia eliminado	SG3:: ASPI-1/ASPI-2/Δspv/Δfae	8 x 10 ¹⁰

25 Como se ha descrito hasta ahora, las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum*, preparadas mediante la inactivación de los genes de virulencia, de acuerdo con la presente invención, son útiles como células huésped para producir eficazmente bacteriófagos líticos específicos de *Salmonella* a escala industrial con la ventaja de ahorrar costes. Las cepas avirulentas modificadas de *Salmonella Gallinarum* simplifican el proceso de purificación utilizado para eliminar la toxicidad después de la producción de bacteriófagos, lo que reduce considerablemente el
30 coste de producción y resuelve el problema de seguridad de los productos. Además, las cepas avirulentas modificadas pueden usarse como vacunas vivas, que garantizan mayores efectos inmunológicos y seguridad que las vacunas convencionales.

Aunque las formas de realización preferidas de la presente invención se han divulgado con fines ilustrativos, los
35 expertos en la técnica apreciarán que son posibles diversas modificaciones, adiciones y sustituciones, sin apartarse del alcance de las reivindicaciones adjuntas.

LISTADO DE SECUENCIAS

- 40 <110> CJ CHEILJEDANG CORPORATION
- <120> CEPAS AVIRULENTAS MODIFICADAS DE SALMONELLA GALLINARUM Y COMPOSICIÓN FARMACÉUTICA USANDO LAS MISMAS
- 45 <130> OPA09048PCT
- <150> US61/487.137
<151> 17/05/2011
- 50 <150> US13/274.854
<151> 17/10/2011
- <160> 35

ES 2 724 729 T3

<170> KopatentIn 1.71

5

<210> 1

<211> 34934

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

10

<220>

<223> Isla de patogenicidad de *Salmonella* 1

<400> 1

ttacgattta agtaaagact tatattcagc tatkcttttt ttatgagcgg atatagagag	60
ttttttatcg ttttagcataa cggcattggt atcgaatcgc tcataaagcg tttcattcct	120
tttgtttact atactgcttc ccgcccggc attggcctcc acatattcat ttaatcgttg	180
tacgccttga gtatgtttgt aaaaactcac cggcagataa cggctcgtct tatcggacgg	240
gagaaaagggt tcttcaccac acagacgttc acaaatatta tcttcatgaa tttttactaa	300
gttcataaat tcaagctgaa gttttttggc gagcgcagg ctaaaaatac cgcattcaga	360
agagcttcgt tgaatgtcca gctcgacct agcaaaaata caatcaggca gttgttcacg	420
ttcaagagct gctttgttcc tcaacgccag taaagcagg ccaaaagcgc tacacgctgc	480
tggttcgaac aaaatcaccg atgtctttcc gtccataact ctaaaatcga cgactgaaat	540
atggatacct gaacttcccc tattttacgag aaatcgggca gattcaacgc cttccattct	600
ggctctcctt atagaggaaa caagctcatg gactgacata acaaatttaa gatttaactc	660
tggatacttc ttattggcct gtgcaacaag aaaaggcatc atttcgagat cggtttcctc	720
gtaactgata tgaatccagc tgccatctat aatttcaact tccagacgct caacaataca	780
ggccaatgct tcgggtgtta gctccccgct gacgtcaggc tgaggcgata aactcgcccc	840
catattacga gtcgtaggac ttagcatact tttccctcca catgatagct cctgcaccga	900
aaatatcatc ttttaacttt cagattcaat atattgcctg caaaaatatg cctcaatgat	960
tgagccaggc taccaaccac ctccggatga ttatatataa gaattactac tcaaaaaatc	1020
ttttttataa taaaagctca acacatggtc ataaatgata aaaaatattt taattcattc	1080

ES 2 724 729 T3

ctaccgcaat cggtaacgcg caattatcgt caggtacagc agggttatgt gcaaaagcag 1140
tgcgctgtaa atgcgcgctct agtttcagtc cccggaacag cgatagcggg gaagagtcca 1200
tccccaaacg atacataacc ttcttacgat aaatactgac ggtttttggt cccagaccaa 1260
atTTTTtCgc cagttcaatt gccggatgtc cggaggataa taatatcagc agcgcataatt 1320
tcgcctgCGT gacaccgGga ggtagattcc accagcgGta ttgattgata ttaacaata 1380
cctcttccgG cgtctcgccG gcattaaaag catacgtagc agccacggtt ttcttttgTg 1440
gcctgtgGca gaaacgcagc caggcttccG gaagacggag cttctctcGc tccgagcgga 1500
tagcgcagga tagttcgtct tttaaaacat aatccataac gccaaaatat tgcagcacac 1560
agcgatcGat ataatacaag cgatctgcca ctacccaaac tttacggttc tgcaaccgcg 1620
tcagcaacgc atgaaaaaga taaacatgct catgCGgggt caaagctaaa atcagcccGg 1680
cgtccggcat atcggataga gaatgcaaaa gtgCGgtaa tgagttacac gttttaacgc 1740
acttttccgG atatttttGc ttaaaaatag actgaaggGc ataacaatta gtccagtaa 1800
taccgtatat aattacattt ctcatTTatt tatcctTTTT tgaaaactga ccacagcttc 1860
ggtaatgatt tttcttctGg ggcgactact gcgcaagtag ataacgcctt cttactacaa 1920
aggtAataag accgatacG ttattacatg cgcaatgTcg ttaccgaaat gaattccttt 1980
tacaAatctg ataatgatta aatttactgt tttactttac tgtaatctct tagagtacaa 2040
cgattgcccG gcgcctggTg gccatgtatg tctgacaatg aacgcttctG attccctttc 2100
attaactaca tatcactggT gtagcgatac tgaaatatac actacgatta aaaaaatatt 2160
tggtatctgt aacgcaaaCa gatagtaacG tttaaaataa tttcacaAat caatggTtca 2220
tcgtacgcat aaagctaagc ggtgtaatct taaaatgccG tttaaaaata gcgataaaat 2280
aagaaggcGt atcatagcca cacatcgTcg cgacttGtga aatatttcca gccccatac 2340
gtaataattt tatagcctga ttcatacGag catctaggta tattttgcta aaactcacct 2400
cttcagcGgc cagttttcGc ttcagacttG atacgctcAt aaacagcttt cccgccacct 2460
cagcctgtga ccatttgcgG gtgagatcGc tgataataat gttataaaact ttctcttttG 2520
tcgtAatTTt tattgctcGc tcaaggaaat caaaccacc gggcttacGt acaaatgcGg 2580
atataagata catcaatgag aaatatgaat aatcatgatc atcaatactc acattactac 2640
aaacccgTgG acatgccaca ccatgcaaaa tagagtcaaa agtatcactc atccctggca 2700
acaagtccGc atgaaaaaaa tactttggTt tcgTTTTtaa tgatagctct cgatcattat 2760
agtttcttGt actgtaaaaa actttgtaga atttttgcat taagtcatag gaaacttcca 2820
gtgaagaaaa atcaatatgc ccttctattt cgctcactac aagcgtgatt gtttgatctt 2880
tttccaataa aaataaacac ggcgcagatt gttcgatgaa ctccccaaat tcgTTTTcaa 2940
ttcgaaaact gcctttatta agtttaaaCa ataagcagTt tgcgacataa tagtctctta 3000

ES 2 724 729 T3

cgtcagctaa tccatttatt aatggaaatt tgttcggtg ttgaaggtga ttattgctaa 3060
 tggcctcaac tgatttattc attgaaggca ataccatatt ttatcctgtg tgctataagg 3120
 aactcaaaat cgttatattc ttataaacia ataattaa ctcacagaga tgatttaa 3180
 ccgatttttt tattattata gccataaatt acattccaac gcgcggttcat ttcgtcacia 3240
 aaagataccc ttacaaactt tatgcacaat tttgtaatga aagcttacia tattaatata 3300
 atcatttcag aataaaacgg ctggcagaca tottaataat ccatatacat caataagata 3360
 gacacactgg catgggtgcat tttctgcatt atttctgtat atatacacia taccttatca 3420
 caaatcgcca gcaatggggg ttcaccagtc aattgcctct ttgttttccc cgcccgataa 3480
 aataatctcc tgcattccagg aggtcatttg tgactgtgag ttctattgtac caactaatac 3540
 cccgtttaaa gcctcatata aatgggtgcc cggttcaact tttgctaaca tgtttttag 3600
 catagccgtt tgctgctcaa aagaacaaa agccgaatca ccaactgttag gatctttgaa 3660
 ggcattcatc tcttgataaa tgctatcttt aagcgtttca gaagaggctg actcaggaag 3720
 cgccagaagt cgttggtaga atgcatcata aagatcaacg tcgcccgat tgcttaaagg 3780
 cgcgctatcc acattattca gcatagcggc cctggcactc aacgaaacca caccctgcg 3840
 ttcagtatct gctgtcggga ccaataaga agtcggaatc gtacccggta tcacctata 3900
 acctccgctt gcgtttttgt ctccattca tcaataagtg cgttaatggc gttatcagaa 3960
 attgtccggc agtcttggg aagtcatca agatgatgct taatgacgcc tactgccgtt 4020
 tcaacaaatt gttcaggatga aaattctgag atctgatcgc cgcaactcat gataaaggc 4080
 tgttcctgat gatatttaag attaaaagtg cctggccagt tctccataag caacaccatc 4140
 agtttttggg gatctttttt cgcatctaat ggtagtgta aaaaaagttg cccctcaggc 4200
 ttatcgaaat cccttagcca ctcatccagg acggttaaaa gcgtttcggg atggtcgacc 4260
 gcagctgaaa ataactcggg gccataaatc tgtatttttt ccatccactt ccaggccatt 4320
 gtctgattat cagtaagata agcggcgacc tgctgtaacg cgtctatcat tccctgctcg 4380
 taaccttctt gataggcgta catccgcaag gtctttgcct cttcttccgc ctctcgaaa 4440
 atacgcttag ccggttgatg cgcctgctgt tctaactctt caatagagaa ataacgttcc 4500
 agcgttttac gctttatcag tatcccctca acaggcgaaa gcggggacgg tattgggata 4560
 tttttgagca tattgtaagg ccagtagcaa aattgacatt tctacagcat cctgcttcaa 4620
 tgcctcctca ataatggag gaaaaagcaa aggaaaacgc tgtgctaaag attcaggtaa 4680
 aaattcattt agggcattta actgtgcata cccgacgcta agtaaaaacc ggtgattcgg 4740
 cgccttattg cagacagata aacttggtcc ctgatgcatt gccaaaaatg cttgcgcca 4800
 atccggcagg ccaagcaagg ctccctgcct tgccagatcg gctctcagtt tatggcaacc 4860

ES 2 724 729 T3

gagtaaatac gctacctgcg gcagtcggcg ccaactgacgc agccacagct gcgtcagtga 4920
 gttttgaata cactcctttt ctccgttctt aagccgcoat gccgccagta ttaactcatt 4980
 tgccgccgcc ctggcggcgg gtctgacaat catttccggc gctatctgca accgctgagg 5040
 atggatatac gataacggat caaaaatgat tctttgcccag ataatgggta atggctgcct 5100
 attcatttga cgatttcgcc ttatcatcag ccgttatgcc tttcttattg cgggcataat 5160
 ggtttttgta ataccagacg ccaaagcctg ctgacatcac ggataacaaa ataatcaaca 5220
 caatccaact ggttgcaaaa gaattacggt ttactgggtg gccgggagcc tghtaattggg 5280
 catcagaacg ttctgacaac acaacagaaa tgttgtcata atccacatcg gcaaaactat 5340
 tctttaagaa acgcttgata tcgctgatct gatgcgcaag cggcgaacct cgttcatata 5400
 cggctaatac cgacagatga acaggttttg gcggacggcc attttcacca gcatcaatat 5460
 cataactaat atggaccctg gcggagagca cgcctccat cgtctgtaat gactgttcca 5520
 gtcgctgttc aatagccgaa tataacctgg ccttttcagc tcgcgagac gataccagcg 5580
 aatccgccgg gaacatctgc gctatttcca cccgtggccg gggaggaagc tgataagttt 5640
 taatccagta caccgcagcg gtaaaatcag gctcagcaac ggtaatgcta tagcccaatt 5700
 ttccgctatc aattttattc gcctctatat tgtgcatttg cagaacggca atgacctcat 5760
 tagcctgttc ctggtccagt ccttttaaaa gatccttacc cttacagccg gcaagggtca 5820
 ttaccagcag aaaggatatat agatatogac gaatcatgag cgtaatagcg tttcaacagc 5880
 cccgactcct ttacagagtaa gggactttac catagaaca tacaggttat aatctgaaat 5940
 catctcttgc gaaatagcca gctctttagg atccgtcacc agattagggc cctcaatcct 6000
 gttggtaatc gtctgtttat ccacagccgt ggcaatcgcc gaaccagaaa aagcctggag 6060
 tagccgggtc tccagcgaga caatgtccgt ctccatagac ctgatattga ccgcctgccc 6120
 tataacggca ttctctggga caatagttgc aatcgacata atccacctta taactgatta 6180
 acggaagttc tgaataatgg cagcatcaat atccttaaag acttttaccg tgttcgattg 6240
 cgcgttacgg tacaagtatt attccgagag cttactctga tacgcccga gtagcggcg 6300
 atcggagggt tttgctgcta atttatccag cgcctctggt acctgcgttt gtagattatc 6360
 aacgcccgtc tcaaattttg ctgagacgtc atccagatag cctgaccaag gtgttgccat 6420
 aatgacttcc ttatttacgt taaattaaag tgggcttggg aaataccaat ggctgggct 6480
 cattttgata taaccttccg ccccgactg aaatgagcgc cccttgagcc agtcatcttt 6540
 taattcgatc gcaaactgca catagcgtcc tocccattg cgghtaatagc tatcgacaaa 6600
 ttgacgggct ctgagtattt ctacatcatc gagcgcccc tgaataacaa acgttacgcc 6660
 ccccttatga ttctcgggg aataaggtaa cgcctgctgt tttagccccg cttccgcctg 6720
 gcctgctgcg gtaacatcgt ccatcaacgt gatgttaacc gaatccgcgt aaggcattag 6780

ES 2 724 729 T3

cgctctcagc ttttgactta acatctcagag ctctttcttg ctcatcgtgt ttcgctggcg 6840
 gcttagccag aaaacggggt tacgcggctc atcgaaatga atccgataat aagccagctg 6900
 cggataatag gtatccagcc agatagagat acgcttattt tcttcgtttt cgtaatacac 6960
 tcgcgcatth ttatcataat cgcccctcgc taaaacctga cgagcccaca gcgtatctct 7020
 ttcattttgc gcagcgacat agagcatttt gtcccggcct ggcaacacct gaaaacgctc 7080
 cttctcctgc cccaataacg aatcgagctc tgcggcctgc cgctgcggcg agttaagtat 7140
 ccataacgctc cccacagtcc caattcccaa tataaaaaac ccggccagtg ctgctacaat 7200
 tccgttttta aaacgcggct cgttcttttt tgcagacggt tctaacttct caggctgctc 7260
 gggcaccacac ggctcgccttt ccggggaat caggataagc aattcaccga cctgtattgg 7320
 cgtatttaat tgcaccgaac gagattcaga atttccttct ttcagctcat ggagtataat 7380
 ttcggtcgta tccgatatca cctggatttc aaaatttact ccgccatggt ccagcgggat 7440
 aaaaaagcta tcggcaggtat tatcagggag ttggcctgaa gcagtgcgct catcactctg 7500
 acctaccaca aagagtgttc ggccctgtcag caatgaaac tcacagccgt tcagtgcgct 7560
 gttaagtaat cgaactatgt atggcccagg gcttgttatc gtcttctctt ttgatgtttc 7620
 catatatact gttagcagat tctgtcgttc tcgatagcag cagattaccg cacaggacac 7680
 agggattcct gatgaaaata gaatgaaaag tgagaaaata aatcaattta ttctgtataa 7740
 tgcgtctcaa cacatattaa aagaaccatc atccccattg gggcttaaac tactgtagat 7800
 aaattaccba aatttggtt cttttggtgt aacaatcaga ccattgcca cacacgctaa 7860
 taaagagcat ttacaactca gattttttca gtaggatacc agtaaggaac attaaaataa 7920
 catcaacaaa gggataatat ggaaaatgta acctttgtaa gtaatagtca tcagcgtcct 7980
 gccgcagata acttacagaa attaaaatca cttttgaaa ataccggca gcaaattaaa 8040
 agtcagactc agcaggttac catcaaaaat ctttatgtaa gcagtttcac tttagtttgc 8100
 tttcggagcg gtaaaactgac gattagcaat aatcacgata cgatttactg tgacgaacct 8160
 gggatgttgg tgctcaaaaa agagcaggta gttaacgtga cgcttgaaga ggtcaatggc 8220
 cacatggatt tcgatatact cgagataacc acgcaacgac ttggtgctct ctatgcactt 8280
 atcccaaacg agcagcaaac caaaatggcg gtaccacag agaaagcgca gaaaatcttc 8340
 tatacgctg actttcctgc cagaagagag gtatttgaac atctgaaaac ggcgttctcc 8400
 tgtacgaagg atacaagcaa aggttgagcgt aactgtaaca acaaaagttg tattgaaaat 8460
 gaagagttaa ttccttattt tctgctgttc ctgcttactg cttttctccg actcccggag 8520
 agttatgaga tcatccttag ctccgctcag ataacgttaa aggagcgcgt ttacaacatt 8580
 atatcttcgt caccagtag acagtggaag cttacggatg ttgccgatca tatatttatg 8640

ES 2 724 729 T3

agtacgtcaa cgctcaaacg gaaacttgca gaagaaggta ccagctttag cgacatctac 8700
 ttatcggcaa gaatgaatca ggcagcaaaa cttttacgca taggcaacca taatgttaat 8760
 gctgtagcat taaaatgtgg ttatgatagc acgtcctact tcattcaatg tttcaaaaa 8820
 tattttaaaa ctacgccatc gacattcata aaaatggoga accattaaca tttttgtat 8880
 ctgtcactta agtaaagatt tttattaata ttgtaataat ttaaaattca gactgcgcat 8940
 taacacgctc tatcaggatg ggaggctatt caatatcatt gttctgtccg gaagacagct 9000
 tatactgata tctctggtaa tttaaagtaa ggctgattat ataacacgat ttttgtgaac 9060
 ttgtcatcgc tatgatgact ggtaaacga tattgcctta ttcacagcgt aagaattcgt 9120
 ccagatgaca ctatctcctt ccggctttaa ccctgtggat taaggccggc attttatca 9180
 tattataca tcatcggttc cctctgagaa ctatttgctt gaacggttta taccgaaaca 9240
 gtcacgcttg ttagctttct gccaggcata cctcctctct tctcctgat atcgatataa 9300
 tgcctggggc cagcctgagg atgatactgc tcataaaccc cctgcctttt tgacgctata 9360
 actgaagggg gtaaagaaaa gacgatatca ttattttgca aaaaaatata aaaataagcg 9420
 caccatataa aacagtcttt catttatatt ttggaacctt agacaaatta cactcttaaa 9480
 ctttcaacga atggctatct agtggaatc ttcgagaaaa atggttctga tgggtgaatt 9540
 atcagacat taacctgaa gatataataa gcagcattta cacccaaaa aaatgcagta 9600
 agatagctac aaaactaatc tctattgcaa tgaggccaag ttaaataatgt aaatatttag 9660
 atgccaggcg ctgactctct ctgcaccagg atatacggca gcgtccattc gataatcacg 9720
 gttagttata acaatattat taccaacatg tcagttatct aaagcacagg cataagctaa 9780
 ataatacaat gttaaaaaca tataaacccg agcccgtaga atatgacatt aagctcataa 9840
 taaaagctca acctgaccgt tagtactaac agcagaatta ctgaaacagt agattctatc 9900
 ctaacgactt gtattagtta ttataacttt tcaccctgta agagaatata ctattatcat 9960
 gccacatttt aatcctgttc ctgtatogaa taaaaaatc gtctttgatg atttcatact 10020
 caacatggac ggctccctgc tacgctcaga aaagaaagtc aatattccgc caaaagaata 10080
 tgccgttctg gtcacctgc tcgaagccgc cggcgagatt gtgagtaaaa acaccttact 10140
 ggaccaggta tggggcgagc cggaaagtaa cgaagaatct cttaccgct gtatttatgc 10200
 cttacgacgt attctgtcgg aagataaaga gcatcgttac attgaaacac tgtacggaca 10260
 gggctatcgg tttaatcgtc cggctcgtagt ggtgtctccg ccagcgcgcg aacctacgac 10320
 tcatacattg gcgatacttc cttttcagat gcaggatcag gttcaatccg agagtctgca 10380
 ttactctatc gtgaagggat tatcgcagta tgcgcccttt ggctgagcg tgctgccggt 10440
 gaccattacg aagaactgcc gcagtgtaa ggatattctt gagctcatgg atcaattacg 10500
 ccccgattat tatatctccg ggcagatgat acccgatggt aatgataata ttgtacagat 10560

ES 2 724 729 T3

tgagatagtt	cgggttaaag	gttatcacct	gctgcaccag	gaaagcatta	agttgataga	10620
acaccaaccc	gcttctctct	tgcaaaacaa	aattgcgaat	cttttgctca	gatgtattcc	10680
cggacttcgc	tgggacacaa	agcagattag	cgagctaaat	tcgattgaca	gtactatggc	10740
ttacttacgc	ggtaagcatg	agttaaatca	atacaccccc	tatagcttac	agcaagcgct	10800
taaattgctg	actcaatgcg	ttaacatgtc	gccaaacagc	attgcgctt	actgtgcgct	10860
ggcagaatgc	tacctcagca	tggcgcaaat	ggggattttt	gataaacaaa	acgctatgat	10920
caaagctaaa	gaacatgcga	ttaaggcgac	agagctggac	cacaataatc	cacaagcttt	10980
aggattactg	gggctaatta	atacgattca	ctcagaatac	atcgctcgga	gtttgctatt	11040
caaacaagct	aacttacttt	cgcccatttc	tgcatatatt	aaatattatt	atggctggaa	11100
tcttttcagt	gctggtcagt	tggaggaggc	cttacaacg	attaacgagt	gtttaaaatt	11160
ggaccaacg	cgcgagccg	cagggatcac	taagctgtgg	attacctatt	atcataccgg	11220
tattgatgat	gctatacgtt	taggcgatga	attacgtca	caacacctgc	aggataatcc	11280
aatattatta	agtatgcagg	ttatgtttct	ttcgctaaa	ggtaaacatg	aactggcacg	11340
aaaattaact	aaagaaatat	ccacgcagga	aataacagga	cttattgctg	ttaatcttct	11400
ttacgctgaa	tattgtcaga	atagtgagcg	tgccctaccg	acgataagag	aatttctgga	11460
aagtgaacag	cgtatagata	ataatccggg	attattaccg	ttagtgctgg	ttgcccacgg	11520
cgaagctatt	gccgagaaaa	tgtggaataa	atttaaaaac	gaagacaata	tttggttcaa	11580
aagatggaaa	caggatcccc	gcttgattaa	attacgtaa	aatctgagag	aggagatatg	11640
cattattttt	ttatcatcgt	aatctggttg	cttagcataa	atacggcatg	ggctgattgc	11700
tggcttcagg	ctgaaaaaat	gttcaatatt	gaatccgaac	tactttacgc	tatcgcccag	11760
caggaatcgg	cgatgaaacc	tggcgccatt	ggtcataaac	gagatggttc	aaccgatctt	11820
ggcctgatgc	aaattaacag	cttccatatg	aaaaggctga	aaaaaatggg	gattagtgaa	11880
aaacagttgt	tacaggaccc	ctgcatttct	gtcattgtgg	gcgcttccat	tttatcagat	11940
atgatgaaaa	tctacggtta	tagctgggag	gccgttggcg	cttataatgc	cgggacgtcg	12000
ccgaaacgat	cggatataag	gaaacgttat	gctaaaaaaaa	tttgggagaa	ttacagaaaa	12060
ttaaaaggaa	tgtcagcaga	agagaaaaac	aaaagacttt	ctatcgcgtc	aaacaaataa	12120
ttatacagaa	atagcttact	ttcagatagt	tctaaaagta	agctatgttt	ttatcagcgt	12180
gccgtcgtca	taagcaactg	ggcttgcat	gcttttagtt	gtacaaactg	tgaggcgtct	12240
tccagcattc	tattgttccg	tgaattccgg	aaatctgcac	gtacctgctc	cagattacta	12300
tgaggattat	ccttaagtac	aagggccgcc	gccatcgttc	cggttctccc	cactccgccc	12360
agacaatgaa	tcatcggtaa	atgcttatct	gatgaactac	gccccggcgc	gccattttgg	12420

ES 2 724 729 T3

ttactatthtt tcaccctatc cgcaggtat tctaactgat cagtagacgg taacggctgg 12480
 tgatctggcc aatthttcac atgcaatacc gggattgtat accgctthtc cccgcaggac 12540
 agttgcatat tgtattggtc tatcgttctt cctgactgg ctgagctcac thtttgctg 12600
 ttggtatgca cctcgccaaa ggtgtagctc cctctgaaat aggggtggtaa ttgtthtgcc 12660
 tgcattctgat cttccgacgt taacaccacc aggcattgagc attctthttc aagaagcatt 12720
 ttcattatgcy ctgccagcgc atccggcgta thttthgggt acgaaccggc taatgccaca 12780
 ggcttaccgt caaaagttaa cgtattcact ggcacaggca ttccatcgtt cagthtcacc 12840
 tgggtthgct gattaattgg aatgctgctg accgcaaacc gtgccaggcc cagtgtcgg 12900
 ccgctcatcg tctgtggcat tggcgcgccg gcttctatth tctcaagttc agctgtaaca 12960
 thtttcagtt cthtagcaat aacgtgaatt thttthacag cctgggttaa ttcattgagta 13020
 gaggtthtat caaccacct ctcaacctct cctccacagg ttcccattg tgagaaccgg 13080
 gctacaccga cctgaaatatt tgttaacgth gtaacataat cattaagtht ttagcctct 13140
 ggaathttat ttaaattctg taaattcgtc attaatgaac gcagcgggcc gttacctgaa 13200
 gccatctcct ggaagthttc tgcagggcta thtccatcca thtthtccag ttgcggtaat 13260
 gthctthtaa gthccctthtag cgcgatatcg agtaaaagth gcttactthc tgcthcaaca 13320
 tctgtattht thtctgccac thttgtatcg ccgctthta tgactaaagc ggcattctg 13380
 acccaacat tatccttgct cthtaataagg thtataaacc cthcgtcagc agctthttaca 13440
 cactccgtga tctgactgc taaacgthg gtaagggtht tgttcatatt tatacgggac 13500
 attaacagth cgtcattaac cgtctthtcc ccatatthtt ccgthtagthc atggagaaat 13560
 gthctgtaaaa tctthtggthc ctgtactctg atatthtccg tatgthttthg caccacttca 13620
 gthgtthtaa ataacggcat thttccaagc caggttaata cthttgacga aaathtttca 13680
 ggcgcaacat atgccttatc agtatthtcc ttagcaatat aaagtcgggc atcattcagc 13740
 acccaactt ttgaaaacga agacaacgth aaattattca atthtctctc ctcatactth 13800
 agcatattcc tgcagthtgt thttgagcgc thcctgctga thcaciaatg actcaagctg 13860
 cgatataata tggtaagtht thgtcagatc ggtaattgca tgtataagca acaacgthc 13920
 tgcggcatca atatacgtca acgtacctc attattcgc gccagthcac cattaatcac 13980
 cataatctgc cgcagatag aatcgccaca aacaggcgat aacggtaaa thcataccgth 14040
 caataaccag atatcatctt tagcttcaat agacgtaaaa atatcgctat cgagtaataa 14100
 taagcactga thgtgtcgt caaaagtgag cggtaaaccc aathtctcac caatattagc 14160
 gataatatcc tggthgtctt gcaatttact thcctctgca attatctt thataagatt 14220
 gcttcttcaa atthaatctg gthacacaat gthctgatac thtttcgcgc ccatcgccgg 14280
 gcgcaatatt tctctcctth aatccagthg aatagccatt cactacgcat cggaacacat 14340

ES 2 724 729 T3

atcagcagct ccttcgcatc attttcaaca tgacgtaact tgcctttaat aacaaaacgc 14400
 gaactgtcag caatatcatc atatattgca gccatacctg aaccgggtac tacatgtgtg 14460
 atgattttca taacaattaa tcttattcaa ttgtttgcaa gcgagagaaa aatactacac 14520
 cctggactca agactttttt taacaacacg gcatatatcc gcaaaggtcg tcatatcagg 14580
 aagatcgttt tcattgcaac taatgtcaaa ctctcacta agaccaaata caatatcaat 14640
 taaatccaat gagtcagcgt aaagatcctc aaccagattg gtctgacatc tgatactatc 14700
 aacatcaacg gcaatacagg aggtgatcac ttttttgact ctgtcttcaa tatccatatt 14760
 catcgcactc ttcccggta attaacgctg catgtgcaag ccatcaacgg tagtaataac 14820
 ccgatccacg ccaggtttat tcaggatga ctctgaagcc gggccagctc gccagctacc 14880
 gtctccgata aggccgtcca gcacattact taacacatag tcagtttccc cttttagcct 14940
 ggtcagcccc gcctctctgg caaactgcag tgcaatctca gccagttttt ctttttgtgg 15000
 atgatgagta atgacctctt tgagagtctc cattttcgct ttcaattctg ggtgcttgtc 15060
 aatatcgcta cattgcgctt tcaacgctgc actctttatc gtgtcattgg gtaatatttc 15120
 cgcacgcaag ccgtcaaacg ctctgcgtac agggaacggg gtggaggatc ctggctccag 15180
 ggctttacgt atcacacca aaaacgtctc acgggcgtcg aaatgcattg aatgcatatt 15240
 cgtaacgctc ggtactgttg agaggaaact attttgctta aacttcaaac cagaaaatgg 15300
 gccagtotta tctgtctgac tattatcatt atcggctcgtc ccggctttat tacctgtaat 15360
 taccgtcgtg tctgattgta aggtatcggg tttaacattc tcgacgccag ccagttgact 15420
 ggcaagcggc ttcacattca caatctctgc cgtctggctt tgcctgtttat tatcatcaac 15480
 gccgtgcacc gtggcctgta ccggcttgcc gataatgctc ttgctgggta cgccatcgac 15540
 ttcataaaaa gaggttgttt caccatagat gcccttttct gacgtgacca cctttccatc 15600
 tttactttcg gatgaagcgt tggtcacagc ctctgccgtc gcatgagccg tgacgtcaat 15660
 tttaccgcg atgccatggt caattgcccc tgtgctggcg ctgtgtgccg tctccgtttg 15720
 atgcatagtc gaatccacac gcgaatgact atgacttacg ttgctgctgt tagtcgaatg 15780
 gtgtgactcg ccattgcggt ggctgttacc aataaatggt cggctattat caatcgtctt 15840
 ccggctatta tcatggttgc tattatcgat atggcgctgg ctattatcga catggcttcg 15900
 gctattgtta atatgcttac tgttatccac gctatgggta ctgctatcaa tattaatatt 15960
 gatattaata cccgtaggtt ctgctttttt cccaccatca ggtactggtc cagccgcagg 16020
 ctccggaatt ttagggtcag gcagtttacc tgcaggaatt tttgcaaaaa cattacgtag 16080
 cagcaggggt atcaacgttt gcatttcaag gtgccgggct tcccgtccta cgctggtacc 16140
 ctgctcttgc gttaattttt ggtggcacat atcaagcggc tcaaccgcct tcgcccggcg 16200

ES 2 724 729 T3

tttgtcaaca aggtgcgtaa gattgctgcg ggtaaacgga tctaacgtac agccaaagtt 16260
 atgttcaatg cagctggcaa tatagggcat cacctcctgc ataacaagat tcgtcgataa 16320
 tttacttaat tcaccaccag tgttattttt gataatatct aacagctgct tttccaggtt 16380
 ttcagcttc gcttccgctt tctttgtttc tggcagccat ggcccaaaag ctgacttttc 16440
 tttcaggcca tcttttatga tttgctcggg atactctgcc cccaccttca tcagtagcgt 16500
 cttcgcctca ggagaatcac tgggtggcgtt gagcgtgaa cgaaagagcc cggcaaactc 16560
 cattatcget ttctaccgg cgacattatt tgaattggta aaaacttctt ttaacgcctc 16620
 agcgtctttc ccgcatttaa acaatgcac cagactcgcc tgtttgatca gcgcgggaaa 16680
 atcttccagt tgcgggcctt taatttcccc tgacagcgtc gttgtggcac tttctctgac 16740
 tgcgaaaaga ttcccgcaa gattcgtggc ctgcgttttg atctcggctt gcataacctgg 16800
 tattatgacg gggggctgag tccttacact tgtaaccatt attaatatcc tcttctgtta 16860
 tccttgcagg aagcttttgg cggtttccag gctgctactt atcgtactgc tcagcacttt 16920
 taccaggttg tcgtacaatg aattggcatt gctatatttt tgcgtcagcg tctgtaatgt 16980
 ggttttcata ttttcttccg gcgctttaa acccgactgc caggcttgat atttggcgtt 17040
 atccatttcc agttttgagt cttttcccgg cgcgcctaaa ccatcaatat cctgaacct 17100
 tttttgtaat ggcgtcagat caacggtgac gacataaccg gatccataag atttcaggca 17160
 gctattcggg aaattcaatt cactgagcca ctgtctcgct tccgcttcag tggctacttt 17220
 aacgcgctg cctgactgag ctggaataa aacggtatta ctgtttattt gattatattt 17280
 attgactaaa ctgtttaaat ctttttgag tgaggtaaaca tctagcttaa cggattacc 17340
 gtccttacct ggtaataacc agcctccat tttgaaaga atatcactga aggcctgata 17400
 aaaatcggta tagactgcca caacgttttc ataaacgccc agatagctgt cacctatcgc 17460
 cgatatattt tgggaaacca tatcccaaat ctcagcatca gaaatggttg ttctcggctg 17520
 cgccataggc gaagcgctaa ataaggccga cgtcggcgca gaaaacgcgc tccgcaggtt 17580
 ctcatthtgt tctcgggata atgacacgcc agacttggcc agagcattca ggctgctggt 17640
 caactgctgg cgcgccagcg tgcgctcgtc attattctct tcagagatcg gtggcgttga 17700
 ctgcagcgtc tgctgtgcct gctggatttt agtagccgcc tgcgataatg aaatgatatc 17760
 tgtaccgcca tgttctgtgg tagacggtac cacggcagtc tcgacgtgct cgctcgccga 17820
 gggagtctgc ggccgctcgg caacgatccc cggatgagga gaagcggaa aatthtgaat 17880
 attaagcata atatccccag ttcgccatca ggagcgcgat taaatcacac ccatgatggc 17940
 gtatagatga cctttcagat taagcggaa tattgcctgc gatagcagca agtgcggatg 18000
 cttcagactg gttaatgctc tccattgttt tcagcatttc ctgaatcagg ctggctgatt 18060
 tacgtgaact ttcacgggct tcgtccgatg cgggtcgtggc aacacggtta ttcacctggc 18120

ES 2 724 729 T3

taatttgctg ctcggaacgt tcctgagtag cggcgtactg cccggacgcc cctgcaatac 18180
 caccgaccgt gaccgagttc ttcataatca gatcgcccgt catctgcatc ttgcgcgcat 18240
 caattcgggt catatccatg gtattctgct caagacgaat atcggattcg acagactcaa 18300
 gacgtttcga cagaatagcc tgatgttcag gggagatttg tttattactg tctttaatac 18360
 ccagactttc cgtggcgctg gttccggcat tagatttaag cgtcgcatca ttaagatfff 18420
 ttgtcgcacg ggtaccggtt ttcttcataat ttaacgattt cagagaatcg acgccttcag 18480
 caccgagttt gacgctattc tgcccgttca gcacgttttt aatactgtgg ctttcagtgg 18540
 tcagtttatc gatcttcgcy gcattatggt taagcgcgcc tctttcattc tgcagcccct 18600
 tatattccag tttggcgccc acgccagtga tccccactg aagcgcgctc tgggaaatac 18660
 taccggacaa cgcattcatc ccttcgcyca tcatggagct tgctgtcgtt ttagctgcat 18720
 caaagctgac taatgacaac ttaccagaca gtttgctatc agcctggttc aacgtcagca 18780
 ttaacgtatt cgcggcagcc aacagcgyaa cggcactgga agacattccg ctaatatcaa 18840
 aaaactttcc gacttctgcc tgctgctcgc gtaactgggt ttgcacaacc tcattcgctt 18900
 tagtcgtgac attatttgcc agagcattca aatcctgatt catgtcgyta ttttgaatac 18960
 tggcttttaa aaaggacgtg atcgttccgy gggtttgcyt taatacccct ggcgcaggyg 19020
 cgtcagtyt aggactcaac cccagtycac tgactttact gctgctaata ccaatactat 19080
 tcagaatadc tttagcgyta acgyattgcy aagctgtctg tgaactattc tcaacagaat 19140
 gattatttaa ataagcgyg gyatttattc ccacattact aattaacata tttttctccc 19200
 tttattttgy cagttttat gcgcgactct ggcgcyaaat aaaacgcgya gcatccgcat 19260
 tttgctgac cgcagaaagac atgycttttt gcagttccgc cgttaccttc tggttttcac 19320
 caaatatttc tacgyattgt ttaagccact gctgaatctg atccatgyca aaacgygyca 19380
 gcataaaatc agcaagcgycc tcgctgycat ttttaataaa tacgyccctcy gcaacaccac 19440
 cgyctgactg gyctgcygta ttcgtgactt ccatgcccya cgyccattta tttaggytat 19500
 tacctaccag ctctttactt aagcattcy tttgcygycc catcttgcta cctacattac 19560
 ccagaccgct agtaatacgt tgcatcccct ggytaaagag tttgctgccc ttttgcycca 19620
 actgtttcag cacgttaggy accaacttct taatcgtttc gcccatcatt ttgctcagcy 19680
 cgttaccag tttcgyccc gcgcctttcc cgyacaactgc gaccaccaca atgaccgyca 19740
 ccatgycaat agcgygyca atcgcaccaa caatgctgcy gcccatctct gccgttttct 19800
 tatcgytgc taatccttcc agcgttttg taatcgcctt gccaatcagc tccattaacy 19860
 gcttcagcac atgctccata atcgygttta gcgcctgctg aataaacgyac acccccgctcy 19920
 ccgccttcac aatttcacy gccaccatta ccgyaagtcc caccgyagcc agcgyccagac 19980

ES 2 724 729 T3

tcgccccacc ggtaaaaaca gcggccacaa cgctgacaat ggtagcagc gcgccgagga 20040
 ctttcccgat acatcccata atgcggttcg tttcctcggc tttgcgcgtc tcttcctgga 20100
 attcagccga tttcttttcc atctccgcct gacgcccttc ctgcaaggcg ttgaaaagcg 20160
 caagatcggt ttgcaggcct tcttcogtat ttttgcccac aatctcaata aacatggcca 20220
 tgagcatagt gaggcgggcg acatttgaca gattatcctg ctcaccctgg gaaacctgat 20280
 tctgagaggc ggcatagacc gttccctgga atttggtcag aatggtatcc gctttctcgg 20340
 ctttcgcttt ggcgtctgtg cctgctttaa ccgtcgcctc cgtggcetta tctaaggcct 20400
 ctttcgcctc tgtcgttctt tttccggcct gttctaccgc ggcttcagct tgtgcatagc 20460
 cggggtcagc cgggtccagc gattgcaatt tattttgcgc ctgcgtcagt tttttggtcg 20520
 cagcgtcata aacactcttg gcggtatccg tctttttgat actggcttca tagagatccg 20580
 tcgcctcctg agcctctccc agagccgtct ggaattcttt cgatacctga atccccatct 20640
 ctttttgtga ctcaatcatc gcctgccata ccgccagacg agactccagt tgagacagcg 20700
 aaacatcacc cagtagcgtc attaacttgc caagcagtaa tgtcaattgc ccttcgctgg 20760
 agagtttttc ccggcgggcg tccgtaggcg gcttcagacc caccgtatta atagcgtctt 20820
 cgccggactt tgttccggct ttaaggtcgc ccgcttctgt tgccaccaca tctttaaag 20880
 ctttatccgc cgctttttaa aagtcctgtt tottacgaac gccttcaaaa gccgcctcag 20940
 cgaggcgcgg attttgggta tatccgctac ggctaagtct acttgcgta tttaccataa 21000
 ttattocttt tcttggtcac tgtgctgctc tgtctccgcc gtttttagcg cctccagata 21060
 gaccaacgct tttgcccgca gagactcatc ttcagtacgt tcattgaca gttcaaaaaca 21120
 ctgtctggct tttgctgcct tacgcattaa taattgacac tgcccggtaa aaaaaacggg 21180
 gcgataatca tttttaagta acgtaaaccg tactgcataa aggtcacatg ctttctgaaa 21240
 ttgttttttc agttggcata ccgccccag toccatggtg taatcgggat tgtaaaaatc 21300
 ataaatgcat aagaacgaa agaatgtctc agcttcatcc agtcgtccct ggttataaaa 21360
 ctcataagca tgagcatata aaccgtccat catatcttga gggatcccat gaacgtcttt 21420
 tagcgtggcg ccttcaacta ccggcatocca aatcatttcc gcaacacggt cttcgctgac 21480
 attattttga taatccatta cttaactctg ttatctgtca ccgactttgt agaacttaac 21540
 gactgcgttt atctgatgca gttattaaac cccgacggtg gttagtgaac attcaaaaaa 21600
 cgcccaatga atacatcgct actgctttac gcggctcaat gccgtacctc gttttcttgt 21660
 ggctgaataa cgtcctttgcc cgcgttttct acctcttcca gccaaaccag aagacgtaaa 21720
 acttcatcaa tttcttccag actcaccaga tcataacggc gatgggtttt gaaaagactg 21780
 cgcgccagtt tgatatcgac gatcacaggt acgccaacct tctccgcata ggcgcggagc 21840
 gccagtgcgc gctgattcgt ttcatacacc gagatcatcg gaatcggcat caattcgggt 21900

ES 2 724 729 T3

ttaaaataaa	tcccgatcgt	aatatgcgtg	ggggtggcaa	caatcaggcg	tgagttttca	21960
atatcagatt	tcacctgttc	agacagaatt	tccatatgaa	cttcacgtct	tttagattta	22020
acctctgggt	tcoccttctg	ctccttcatt	tcacgcttca	cttcttcctt	atccattttc	22080
atatctttca	tggtcaggaa	atattccgca	atagcatcca	ataataagac	aatcaatgcg	22140
caagcaaggc	aagttaatac	caatgcgagg	agaagttcac	gccaaatgac	ggcaatacct	22200
acaatattgc	catttagctg	agaaaagatt	tcaaccttat	atctcttcca	gcaaatgatg	22260
gcgccacca	caaaggatga	gagatacagt	agggttttga	ccgtatcttt	aaccgtgcg	22320
atactaaaa	gtttttttgc	cccttctacc	gggtttaacg	ccgataaatt	aggctttaat	22380
gcttctgtcg	ccagcacaaa	accggcctgt	aataacgccg	gtaatgcgga	acacactaag	22440
cagagcagca	taaatggaat	cagatatttt	aaccctatcc	caaaaacggc	caaactgtag	22500
tcagccatgc	tctgatcaaa	attatccgca	ataatgatct	taattatccc	cataaactca	22560
ttaaatagagc	catacgacac	cagataggca	attcctccca	gcgtcaggca	ggcgataatg	22620
agatctttac	ttttaaatga	ctggcctttt	ttagcggagt	cttccagccg	tttttagtc	22680
ggtttttctg	ttttattcga	ggacatgcgt	cgccctcgc	tcgtaaaacc	aactgcttaa	22740
ccctgtggcc	tggaagaga	gtcgcagtac	attgtccggt	agtaccggag	agaaataaag	22800
cagcataatt	aaaacggcaa	taccgctttt	taccgtcagt	gaaatcgcaa	aagcgttcat	22860
ttgcggagca	aagcgcgaca	ataaaccag	gaatacttct	gacagcaaca	gcactaatac	22920
caccggactg	gccagaacca	aggcgttttg	agccactga	ttaataaacg	ttaatagcgg	22980
cggtaatgaa	ggcgtgcact	cgttcatcgg	atcgcatagc	tgatagcttt	tatttaacac	23040
gtcaaccatc	gtgaccagac	cgccgttttg	taaataaacg	acagcggcaa	acatattcag	23100
gaaattagcc	atctccgagg	tatcaatacc	gtttgccgga	tcgatactgc	tacttagcgt	23160
tgcccctcgc	tggttatcga	taatacaacc	cagcgcgatgc	ataaccctaaa	aaggccatga	23220
tagcagacag	cccagcatga	cgctaccgc	cgcttcttgc	agaactaacg	ggatcatcgc	23280
caccgataaa	aacggcggcg	cctcgttcaa	tgcatgcggc	catactccca	atgccaccag	23340
gatgataatg	gcgtttctcg	gcgcgccgct	taataccccg	ctattcaaaa	acggcaggaa	23400
gaaaaaatc	ggcgctacgc	gagcaaacc	tagtgccgca	gacgcaacca	ggtgatgaat	23460
ttcaaagtac	aacgcgtaaa	gcatttttta	ccccttagcc	aacgccagga	atatcacctg	23520
acgcccgtaa	gagagtaaaa	cttcgccata	ccagccagac	agtaaaaaca	agcataaaca	23580
cacgccaagt	aatttaatgc	caaaaggcag	cgtctgttcc	tgtaattgcy	ttaccgtctg	23640
gaataaccct	accaggaggc	cgataatcgt	tgcgacaatc	gtcggccacc	ctgacaggat	23700
caaaaacaaga	tagagcgcct	tattacctgc	aaactactaa	tcatccattt	aactatcccg	23760

ES 2 724 729 T3

tctcgtaatg atgtcatggt gcaatgtcca tatactgtaa tatcaatccc ttagacagta 23820
 aggtccagcc atcaagcgcg acaaaaagca ccaacttaat aggtgtagat atcgtcaccg 23880
 gactcatcat catcatcccc agcgcagta gcacgtgga taccaccagg tcgacgacaa 23940
 caaagggcaa atagagataa aaaccaatth taaacgcgct ttttatttcg ctcagcgcat 24000
 aagcaggtaa taacgcaaht attgatggtt tttcaatthc atctttgtca cgctttaccg 24060
 tctcggctctc ttctccatac tgacgcttca gttgcgcggt ttcaaaaaac tgaactaact 24120
 cgcgatctga atatttgatc agataatcgc gataaccatc cagaccttca tcaacgtggt 24180
 tacttaatga cgaaatatca ttaaaggtga catctctcgtc ctcaaaatag acgtaggcat 24240
 catgcattat tggccacata acaaacatag aaagcagcaa tgcgacgccc ttaagcgtca 24300
 tatttgaagg tatctgctgc aatcccaggg cgttacgcac catgacaaat acaatagaaa 24360
 atttaacgaa acaggttcct gacgcaataa taaatggcaa caggggtgaa aatgccagta 24420
 aggcaattaa tgagatatca ttccccatta ccagactcgc tcagccattc atggatctca 24480
 acgcctaagg tgcattcat ctgtaccagt tcgccattac ccagcaaac accattcgc 24540
 ataatttcaa cgttaagttc agcattggtc ggcagtgata atagctgttg ctgccccatg 24600
 gcttcagatt cggcaggggt aacgttctta cgatacaaaa caaattccag tttgacgggc 24660
 aattgattca agccaggcag agtttctgca gtttcagttg tattattttc ttcttcgata 24720
 tgttgaatat ctaacgtttc cacaataatt ccccctcaa cacggttgaa atgacctaac 24780
 tttttcgcgt agcaataaac ttccgcacgg gaagtacgaa tcaggagtac atctccgatc 24840
 ccgattcggc ccagcaacga acgctcggta tcaactgtac cgattacaaa gcgcaacggc 24900
 caacgcagca ttttcggcct gccgcccccg actgcaggca gttcaggaag atattcaaac 24960
 cacaggccgc cccgatcgcct cataatgtgc aacaatthc cttccggcag cgcgcttccc 25020
 ggcacgggggt tctctacgca taaacgccga caggacaaat gcggcacggg caactcaaac 25080
 ggtcgcctctg tcgcagcaag ccagggaacg accaggtgct cagcgcaccg agaaaccgcc 25140
 gccccgcga gagcgggaga gacatgctca agccagtccc caggttgaat ccacgccgac 25200
 caccgttttt ctgcatcgcct caaccgaacc cacattcctt gtcgcgtcgg atattccagc 25260
 gtacttctct ggccatggcg ctggcattct gtcgcggttt gcgccaatag ccattcgcga 25320
 cgatcaatct gtctcacacg caatgacatc aggcgtcatc ctctcgcga gattgctgtc 25380
 tgtgctggtg ctgctgcgga ttttgttgat cgtctcgcgt caggtgccag cgctggggat 25440
 taccgttttg ccatgatca tgcaaacgat gttcaacctg cgtatttgac ggtattaacg 25500
 aaaactcccc tgcttgccgc gcctgaatat tgacggaata gtcatttccc cagcgcgtgaa 25560
 aacggtaagt cagcagccta tcctctcctt tcacgccatc ggcagtcgga aaaatagtca 25620
 tcatcggcct tgattgcgcc gctaaaggca tttttcctc gccgcccgggt aattggctaa 25680

ES 2 724 729 T3

gatcggcgat agtgggtggt tgcagcggaa gctgagaaac atctttaacc tttttatgat 25740
ctttatcgtc aggccttaccg gtattggctg cggccattcg ggcaggtgcg acatcccgcg 25800
ccagcggcgc gccctcttta cgaacgcctt cggccgcgat ggctttatta tccccaggca 25860
atgccttgat attatcgta gagattcccg tggcggtatc ggctacttca ctaacggact 25920
ccacggcttt taaatcagca gataatTTTT taccgcttac gctttctaac ggcctatTTT 25980
tagacgatag caacgctgcg gatttatcta ctttggcctc cgcagaaatc aaaccgacag 26040
atTTTcagc agtgactttc aacagTTTT cagcaatcct gagttcgcct tttccggtat 26100
gatgcagacc agaaacgttg ccattgtgat gttctgattt cgctggcgcg ccatgtcgcc 26160
atgccgccag taataccggt aaagccgTTT ctttatgcat tacgaaagca tcgccatagt 26220
cgcgatcttt tttatcaccg gaatattctg tcttatgTTT ttccaccgct tttttaatg 26280
cttctgataa accgccaacc tcatcctgct cgggcagtaa aatgTTcccg gatgaactga 26340
cagctgacac atcgcccatt aaattatctc ctctgactcg gcctcttcct gctgtatctc 26400
tcgctggata tagaatcttt tctgacggat tatccagcgt tgatagtTcc cttctttgcg 26460
caaccaatat ttactTTTT tctgaaactc ttccctTTTc ttttcagct cgctccgTTT 26520
ttcctgaatt tgtataatct ggagttctaa atcttttatc tgccggcgaa caatagactg 26580
cttacgtaat aacgtataaa tttcctcacg actgagctgt ctgttttctg cacgcagcgt 26640
atctaataac aatttcagac ccgctatTTg ttcaaggatc gcctcctcct cggcctgcag 26700
cccgcggTcc tcatcctgat agcgaagtaa tatcgactca cactgtgaat gaaataccgt 26760
acagcgcgcg tgcaatactt taattctggt cagcgaatgc attcataccg ctcaacgtgt 26820
catcaaagga tgaatactgc gctaccggct ggcataacca ggctttcagc ctatcccgca 26880
tctgcatcgc ccgatcgta tcgatTTTT cgcaggacg atattctccc aagtcaatga 26940
aaagctggag ctcttccaaa cgcgtcatta atttacgcac ggcagatgcc tgttcagcat 27000
gtgtcggcgt cgtgacttgt ccaaaaacgc ggcttacgct tttcagtaca tcgattgccg 27060
ggtaatgtcc ctgcccggcc agctttctgc tcagatacag gtgaccgtca aggatagagc 27120
gaatttcac cgcctcggg tccgcctctt cctcgctttc cagcagtacc gtataaaagg 27180
cagtaatgct tcctcgcctg gtcgcccctg ggcgttccag caagcggggc aaattatcga 27240
atcggaggcg gggataacct cgacgggccc gacgctctcc cgacgccagt gccacgtctc 27300
gcaaagcacg cgcataacgg gtcatggaat cgataaaaag cacgaccgct tttccctggt 27360
cgcgaaaata ttccgctacg gttgtcgcca gttgcgcgcg attgcagcga tcgaccgagg 27420
ggaaatcgga agtggcaaaa accagcacgc atTTTcttt cttatgcgaa gcgcgcaaca 27480
tatccacgaa ttcagtgacc tcacggcctc gttcaccgat aagaccgata acaaagacat 27540

ES 2 724 729 T3

ccgcctccgt ttgctcgatc agcatatgca tcagcatggt cttaccgcat cctgcgaggg 27600
 caaaaatgcc cattcgctgg cctacgccac aggtcaataa cccgtcaatc gcgcgcacac 27660
 cggtaatcag cggttcacgg acgccaacgc gtgaagcgta agacggcggg gcgacatcaa 27720
 taacgcggtc ttcgctaate ggcgccactt caggggtaaa acgctcaacg attttccctg 27780
 tcggatccaa caccgcgcct aataccgagt atcccacca cgcgataac gcacgtccag 27840
 tgggataaag cagcagatcg cggctcagcc cctgggcatt gccgataagg ctcagcacgg 27900
 tgcgttcccc ctgtaagcca accacctgcg cactgcaac aacctgtttt tggtgccagc 27960
 cacggcgtat ttcacacagt tcgccaatgg ccacatcgcg caattccgcc tcaataattg 28020
 ggccggttat tttttgtggg taggccagat attgcagtaa acgaggtggt ttcattctcat 28080
 tagcgaccga ctaaaaactt ccagatagtt gtaaaacca ttcaaggcag tagagaactt 28140
 ttcaccgtca gataaaaaat ccggatgcac taaggcttta agcattagct cccattctg 28200
 ctccccagt agtaattgcc cgcgcggggc aaaatggcat ccttccatga tggtcattaa 28260
 gatttcataa gcccgctggt gtaataccac catgctgtca gcaccaatt gcgccagat 28320
 ccatacatca tcgtccttga cgctgataca gatacttggc aatgcaaata aatccagaac 28380
 aattgttgaa tggctatcta ttcctcogat gagtgaagga tcgcaaccac ttacttccag 28440
 tgcggaacga actaattcag cgatatocaa atgttgcata gatcttttcc ttaattaagc 28500
 ccttatattg tttttataac attcactgac ttgctatctg ctatctcacc gaaagataaa 28560
 acctccagat ccggaaaacg accttcaatc attttcttaa taaatcgacg gacatcgaca 28620
 gacgtaagga ggacaagatc tttatgtgca atcaataaat catccaactt aagtgtaatg 28680
 agatccatca aattagcggg ggcttcggg tcaaggctga ggaaggtact gccagaggtc 28740
 tgacggatcc ctttgogaat aacatcctca acttcagcag ataccattac tgctcgtaat 28800
 tcgccgcat tggcgaatth atgacaaata taaccgcca ttgctccacg aatatgctct 28860
 acaaggttaa tgacatcttt ttctcttggc gccacaatg cgagcgcttc cataattaat 28920
 ttcataattc gcacggaaac acgttcgctt aataaacgct gcaaaacttc agatatacgt 28980
 tgtaccgtgg catgctgag cacttcttta agtaaatcag gaaatttcgc ttccagttgg 29040
 tccagcatat gttttgtttc ctgaataccg aaatattcat tgacggtgcg cgcagcgtc 29100
 accgccagac agtggttaaag ctcacaaagc gcgttcgca acacatagcc aagctcccgg 29160
 agtttctccc cctcttcatg ogttaccag aaatactgac tgctaccttg ctgatggatt 29220
 gttggattaa taccaaagga cagcacttca toggaataat ttaccactcg catcaaatca 29280
 aaatagaccg taaattgttc aacacggatc tcattaatca acaatacgat gctgttatcg 29340
 tccagccct cgccatcgcg taacaatact tcggcaggc gcacgcata atcaataaag 29400
 aactgactac gtagacgctc cgcaagttga gctttttcca gatcttcacg ccggctcttc 29460

ES 2 724 729 T3

ggcacaagta atatcaacgg tacggtctct gtagagactt tatecgagatc gccaatcagt 29520
 cccaacgacg ccccttcttt ttcctcaata ctaagcggct gctcgccttt gctggtttta 29580
 ggtttgccgg cgctacgttt tgcttcacgg aatttaaaat agaagagtac gcttaaaacc 29640
 accgataaaa taacaaatac cggcagcggg aatcccggca gagttcccat tgaaatggtc 29700
 aaaatagccg taacaaccaa tacaatggg ttgttcaaca gctcgcgtcat gatattccgc 29760
 cccatattat cgctatcgcc atttacgca gtcacgataa aaccggcact aatcgcaatc 29820
 aacaatgccc ggatctgggc gacaagacca tcaccaatgg tcagcatggt ataagtagac 29880
 agagcggagg acaaatccat accatggcgg gtcacccca ccgaaatacc gccataaag 29940
 ttcacaaaga taataatgat gccggcaata gcgtcacctt tgataaactt catcgcaccg 30000
 tcaaaggaac cgtaaagctg gctttccctt tccagtagc ttcgcccgttc gcgcgagca 30060
 tccgcatcaa taataccggc cttcaaactc gcatcaatac tcatctgttt accgggcata 30120
 ccatccagag aaaatcgggc cgcgacttcc gcgacgcgtt ctgaaccttt ggtaataacg 30180
 ataaactgga ccacgggtgac aatagagaag acaacaaaac ccaccgccag gctatcgcca 30240
 ataacgaatt gcccgaaagt ggcgataatt tcaccggcat cggcttcaat caagataaga 30300
 cggctggtac tgatcgataa tgccagacga aagagcgtgg taattaacag taccgcagga 30360
 aacgttgaaa aactgaggat tctgtcaatg tagaacgacc ccataaacac caatatcgcc 30420
 agtacgatat tcagtgcgat caggaaatca accagatagg taggtaatgg aatgacgaac 30480
 atagaaatga tcatcaccat tagtaccaga atcagtaatt caggctgtaa acgagcactg 30540
 ttaagtagag aaagcagcac tataggtatc ctgttaatat taaattaaga cagcttttca 30600
 atagtacgac gctgttctgc catttcatgc ttgtaggcaa tatcgggtcat actacgtaac 30660
 gccattaaca attcttctc ccaatattct tcataaaaga gtgaagaggg tatggcttta 30720
 catacttgat aaaatatctg caaaaaggat gcatgttctt tatgactaag caataacgca 30780
 ttcaaaccta taatatcggc taacagcga tccacttcat gtggctgttg caatagcga 30840
 agcatcagta gtagccacga cgactcctcc gcattaaacg ctttggtaaa cgaatacgc 30900
 aacaatgtac tcacaaacag taggtcagcg gagcgcgaaca ttttaagttg cgtcaggcgt 30960
 cgtaaaagct ggccaaactc caggcgcgaa caactggcgt cattcgcgtc aatatcggtt 31020
 aatagcgaac cctcaataaa atccagtacc accagtcgac gttgatagcc ataactggct 31080
 atccagtcat agtaaatctc cacttcatgt gattcactct ggataaattg ccgatagctg 31140
 gcgcgcaata agcctggttt taacgataat gttttcccaa aaagccgggc cttcaacgca 31200
 caattaatcc ctgccttgag ggtcttcgga tcggtttgct cttcaacgtg cttaagtaac 31260
 gactccagct ttttccgcac gatctcttcc aggtctttac gacgaagcaa ttcgcgtaac 31320

ES 2 724 729 T3

acaaggacta aatcactggg gtcaggaaat aagctacgcg cctgacgtaa aaaatcttct 31380
 aacgcgccgc catgtacgct aattagcttt aagatttgct tgccttcgg taaagcctca 31440
 tcttcagca cgcgttcaaa actgttagat aaattactgg attttttttc ataatcgcga 31500
 cggttacgaa attgcgccag cgcctgacg atttcgtcgg tgcactggac aaatttttgt 31560
 acttcgcccc ctggagacga atcctctgcg gcctgttgta tttccgcctg ttgcgcatca 31620
 gtatgctggg tgcacatcctg atgagatgtc tgccgggaca atattctgga aatgaaata 31680
 ccggagggtg agccaggaat catttaattg cctcctgacc tctatccaga taaacacgaa 31740
 cccatttctg taacttatcg tccccactcc aggcacgct ttgcttcaga atattgttta 31800
 ccgattcgcct ggcacccggc gttaacgggt cgacaatttc ttttggttca atcatgaaca 31860
 cacgaacaac attactttta ttcttactgg aatagcggaa caggctacca ataagcggta 31920
 atttgccata aaacggaata ctttgacagc tatcggattt tgcacccctg gtataaccac 31980
 cgaccagcaa actttttccg tgcggcactc togcaatagt gctaattaac gttcgccca 32040
 cttcgggtaa cgcacatcag gaggtggtag tatcggattg cggcgtctta tcgttgccat 32100
 cttcaatgtc cagcgacatt tctatctgac catctgcgga aaaacggggc agcactcggc 32160
 tcattgttcc gtatgttaca tgctcaagcg ccacattacg tcccccaatc agcttggtgt 32220
 aaaacgttct gttgttatca aaaatagcgg gaacattttc ctgggtcagt aataccgggc 32280
 gtgaaaccac cgtcgcctgt ttcttctctt ctaacgcatt gaccgcggcg atgaatcgac 32340
 tgccatcgag ggtacttatt gaagactggt ttaatgacac gccaaagttg tccccaatag 32400
 taatgctgcc gctccatgaa gtgccccaac gctccagatc gcttttatta agatcgacaa 32460
 tccacagga taattctacg tgacgtttgg cgacatccag cgctttaacc agcatttcga 32520
 taaaattcac ctgctcagcc gttcccttta ctaacaaact gttggtatcc ggataggcca 32580
 cgattttaat attgcccgcc gcggcatttt gctttaaagc ttctgcaga ctcatgccac 32640
 cggcataatt tgctgcttta cctttttctc cattcgtgta aaacgctggc atcgccgggg 32700
 gttcgctact gacaatatta cctaaagggt gctcttctcc ctgcaacaac ctttcaatgg 32760
 ccgtggcaat accggggata accattttct gatcgcgagc attataggta cgatcgccca 32820
 cgaaggtatt gttcagacgc atcaccccta ttttctgacg tcccagctca ataccatcgt 32880
 tttgcttgtc catcatggtg gcggcgttga ccacatatac aacatagacg ggtggccctg 32940
 aaacatagaa tgttccttta cggttatcgc cacgtagcgg gtaatttttg ttatataaac 33000
 ctgagcgttt tagaaaattg ttgaactcat tgagtgagac gttgcgtaaa gaaaccacgg 33060
 cattgcgcat ttcactggcg tcataaatat agatagcctg cccatcgaaa taccaaatca 33120
 gccccagttg tagggaaagc ttctccagta atgcgttagg atcgtgaaac tcaaagttgc 33180
 ccgtaatttt tttcgtgcc gccattttgc taacaatgac aggctccttt agctgtagcg 33240

ES 2 724 729 T3

ccatggcatc gaaaaatgtc cgcaggctat cgtctttcgc aacaaacca cttcccgtta 33300
caggtatfff ttactagaa taaccaggtg taaccagaac aagcgcgca catgccagca 33360
ctctggccaa aagaatatgt gtcttcattt gtctgccaat tgaataatat ttgataatff 33420
ccgcggcgaa acgccgatca gctctttgat ctactagaa aaatgtgaag gcgatgagta 33480
accatgatta acggctaatt ggggtgatgt ctctggcct tctacactat tcagcagca 33540
ttgcgccata cgccagtttc gtaattcact ctctcgtttt ccgcccaacg ctctgctgca 33600
caaacgacga aaatgggtat aagaaacgcc atagtcttct ccagcattc tcatcgtgtt 33660
gccgtggtt gactgagcga gtaaatagcc aaccaaccag taactctcgc tttttcgtaa 33720
cagagccagt accttattga aggccggaga aggtgtaata atttgctgca aaaaccagta 33780
ctcgcagcgt ttacgatcct gccaaatagc gcgaaactca ggactcagca aaaccattt 33840
atcggattca gcatatgtcg tgtccactaa tctcggcca tcgataaatg ccagtaatff 33900
gctgagtact tcaatfffta acggtcgaaa aaccaggtct cctgatactg gtgcgacaac 33960
ggcctgctcg caaaaaagca gcgcgccttc ctgaatcagg caatffftcat tgtgtcggct 34020
ttcagaaaat gacatatgca gcttttgccg ggaacacgct tgtataaac atgcttccgg 34080
gctgcggatt ttccgcttct ctcttctttt aagtaacttcc tgcgtattta gcatagttgt 34140
cagcaccagt taaaaatcat tftaatatgt aaacaatacc gggagcgggt ggcaaaatcc 34200
tgatgcaatc attatgaaac tgatgccgcc cgtaattaa attggccaac ttgcacagtg 34260
cttgctgatt taaaatagaa aattagctca tagtgataa attctggctt attgttctgc 34320
agcagcaaaa attcagatat tgtcatctgg atggagaatt aattatffat atcaggagtt 34380
tttttgcta gcatcctga aacgcattcg cctcttatca ctattgtcag ataacattct 34440
gacggttggt taaaacatt gcgcctcatt ctctctgagt tggagttaat atgaaaaat 34500
tttatagctg tcttctgtc tttttactga tcggctgtgc ccagggtgcc ctcccttct 34560
ccgtgagcaa accggtacag caacctggcg ctcaaaaga gcaactggcc aacgcaata 34620
gtattgatga gtgtcagctc ctccgtatg tgccgtcaga ccttgcaag aataaatcat 34680
tatcaaacca gaacgctgat aattccgat caaaaaatag cgcaatcagc tcaagcattt 34740
tttgcaaaa atataaaca accaaagagc aggcgctcac ctcttccag gaacatccac 34800
aatacatgcg ttcgaaagag gatgaagagc aactcatgac cgaatffaa aaagtcttc 34860
ttgaaccogg aagtaagaat ttaagcatat atcagacgct acttgctgcc catgaaagac 34920
ttcaagcctt ataa 34934

<210> 2
<211> 25262
<212> ADN
<213> Secuencia artificial
<220>

5

ES 2 724 729 T3

<223> Isla de patogenicidad de *Salmonella* 2

<400> 2

ttatgggtggt	tcggtagaat	gcgcataatc	tatcttcac	accatacgt	acaaggtgc	60
aacgggttca	aataacgttt	caggaatfff	atctccgct	tccacttcaa	aaaataatga	120
gcgggccagc	tcaacatttt	caacaacggg	gatgcagttg	cgttcagcga	tgtaacaat	180
atagttagct	tgagcatcac	tgctttttc	caggacgct	ggtattggca	tatcggggg	240
atgatagcca	agacaaaccg	caatatgct	tggattacgc	actaccgcaa	cagattgttt	300
aacagattga	gctaaactcc	cactttgtat	ttactctgc	atttcccgac	gccgtgtctt	360
catttgagga	tcgccctcca	gatctttatg	ctctgtttt	acgtcatctt	tactcatttt	420
tagatctttt	ctaactttat	aatattgaaa	agaatagtcc	agtatgcca	cgacgatata	480
aaaagccatc	accccaaccc	ataaccattt	tattaaagaa	gaaaccacaa	gcaggccaca	540
ggctaaccce	cagtacggta	gcgcccga	agtactggca	taataataaa	agaaaaagc	600
aaagataaga	gatagcatga	taactttcag	gctggattta	cataattcta	ctacgctatg	660
taaagagaat	atctgcttaa	aattacttac	cggatttata	tgctcgcttt	taaaacctat	720
ggccttgctg	gcaataacca	ccccacctg	aagaaacag	ctaccacag	tagcaactat	780
tacccagcgc	cccagaaaca	gcagtgacga	agtcagtgac	tctattaaag	catgactcaa	840
ttgcgttaat	gcataagaaa	atggtttatt	tactaattgt	aatgtgaaag	ttattgactc	900
aatcagtatc	aaaatcatct	tttcagtaaa	gaaatgaaaa	tacaaataaa	gcgcaatcag	960
ctgaaataat	gatgttattt	caatactttt	gacaacctgc	ccttccttac	ggccatcacg	1020
taatttcttt	tctgtaggct	gttctgtttt	ctcgctcata	cagatggaaa	ccagtctttt	1080
agataaatat	aaaatttatc	gctttcaacc	aaatagtgat	gaagagcata	agggaatgag	1140
atcaggagcgc	tcagtagaac	cgatatactt	ttgagcggca	ttgagaggaa	aacacattc	1200
aattgttgtg	ccgaccgatt	taaaagacct	aaagccagat	cggctaatac	catacatatt	1260
atggcaggaa	gagagaagct	gatacataat	tgataaagcg	ttctccactc	tgcttgata	1320
tattttaaaa	attgctggtc	aaataataaa	gtacgccctg	gtggtaata	ttgatatgac	1380
tcatacagaa	tgtttaatat	aaactccatg	ccgccgctta	taaagaaaat	aacacacaag	1440
aactggctga	aaagcaagcc	aaaaagtgag	gtttcagctt	ctattgtaga	attgaatc	1500
gtaccattg	tcgcgccacg	taaagtatca	agcagaaacc	ccgccatc	aacggcccaa	1560
aaggaaccgc	ccgcacaaaa	ccaattaaa	aaaccaataa	tcacctctcc	ggtgactaac	1620
cctaaccagc	tgtaactctt	accaatatgc	atcataatct	tctgctggta	aatgattggt	1680

ES 2 724 729 T3

aatatgggaa aggtaagtga cataagcacg ccattacgta aaatcgcgga ccctaaactg 1740
ccacttttta ataggggaag taataaagag aggctcaatg gtcgaataaa agccacagcc 1800
aatgcaataa gccactcatt tacctgttgt gccattcaac catgctctcc aactcgtaac 1860
attatctgcc gggataaatt caacaggata cgcctaagcc atgggtagct gaccattaag 1920
gttattgcaa ttgccaataa tttaatcatg aactgtagcg tttggctctg tatttgagtc 1980
aaggcctgaa caaggcttac gatgacacca actaccgatg ccaccaacac caccggcata 2040
gacgtaaaaa ggacgatcca taaaagttgc gttacaaatt gcgtaattc agaatcattc 2100
atgaaaagct ctgtaccaat tgcgccagtg tcagatccca accgcctgcc agtaaaaaata 2160
ttagcagctt aaacggtaat gaaatggtca ttggcgatac catcatcatc cccatagcca 2220
gcagtatatt tgaaataagc aggtcaatag ccagaaaggg aagataaata agtaatccaa 2280
tccgaaatgc ctgctcaac tgactcaccg taaatgcgg aattaatat agcaaagaat 2340
caggttttat ctttcttttt atgtcttcag gccaggttcg ttttatcaa ctccgaaaat 2400
aattggcttc cttctcttca gagttttttt gcaaaaactg tcgataaggc gctaattgctt 2460
tactgtccca ctgacagctc cagaaaggag cgcacagcgc ctgaaccgga tgccagcgcct 2520
cttttacagc taatagcgtc ggccccataa tgaataagga aagtacaagc gcgaggccat 2580
acagtgcgat atttggggga acttgttgaa taccagagc atttcgtaa atcgaaaata 2640
ccaccgccag ttttaaggaaa gaggttccca tgacgataat gagaggcagt attgaaagca 2700
gaaacaatat accaatcagt tgcaaaggcg aatcggttaa agacatactg tatctctcat 2760
gacacgacct agaacgctat tatattgttc gcatattatt tttcttatca ggtttacgct 2820
gtatttttgc aaagatacca acgtgtaata cgcaccataa attcattgcc acaggcaatc 2880
aactcacctt gcccaataat acggtcattt actcttatcg tcacctctgg cgcaaacat 2940
ccacctacag gcaaacgctc ccccgtttta agttgtcgta attgtccaat ttccagactc 3000
gcacgtccga tctcaaagag cacctgttgt ggtatctgct caagttctac tgaagatggt 3060
ccgtcactct ttgacattgg actccctgac gcaagtagcg tttcgatata ctggactaat 3120
tcatacaaatt tcatcgtggt atcctctgtc agcaacaccc tcgctagat cccccaggt 3180
agttgaatag caaaaaaacc gagtctgatg tcgccaaagc aatgaatccg aacgcccatg 3240
ccgatttcga tagactcaag ttcaattaac gtaagctggc accagcctaa atatacaggg 3300
actactacag gaggggcag ataaaatctgt tgtcgcgcag cagaaagctc tccgactata 3360
ttgcgcaaaa aaccggttg ccatgtaaaa ataatgctat ggaactcatg ttcttcaact 3420
gtccatttaa tatgcaacgc tagctgatgt ggtagattac tgcaggatgt tggcggttcg 3480
ttctgacaga gggttgcac actggcttgc aataacggcg ccagccccc ttcagctatt 3540
ccatatagca attcaggatc gatagccgat cgattagcgg tgccaattaa cccttcacac 3600

ES 2 724 729 T3

cagcgcctgcc agcattcttc tgcaatccac accctaccca gctcattatg ataattttatg 3660
gtaaataatg tcccttgctg tactggatat tgttgcatat tcaatgtcag ctcaccaatg 3720
gtagcgcctt gcggttgaag catctccatc cacggacgct cttcattcgc tattcttaac 3780
atagaatatc tccagggaaa ttatataccc catatgcagc aactgagact ccagccactg 3840
ctttagcgct ttcacgcaac ggtaaatctc atgatgaggg acattgattc ttaactgaat 3900
tagccccctt gattcacaga cttcacactc tacaccgtca agataaccgc cactaacacg 3960
ataacgcttc gtaaaaacca cgttcttatt caatgctgca ggaggattat tctcaccaat 4020
gggtaatgcc tgggtgcatga gttgttcaaa gtccatacgt tccgcctccg cctcgttattc 4080
atcctgataa gactggcatg gcaacccaag acttccctca actttggtaa tacgcatcgc 4140
ttaataccat agtaattttt tctttctttt tcataagcgc attaaaattc ttctgtaatt 4200
cgcttcgccc ggagacaagc tgctgatact gattctctaa ctgctgccgt tgcgtcaaaa 4260
agctctgcgc ctgagtgaat aaccggcca tttgtgtttt cttatccaac aataaatgac 4320
aagataacgt accttgccag cccattaatt ctttcagtct ggtagacact gctaaagcgc 4380
gcgctcggca aatctgctgt tccgtaataa tgcctgttg ctgctgatca agtacggtaa 4440
gcttgccgcg taattgcttt tcacgccgcg cgattatctc cagcaaagt tccatgatca 4500
ctcggtgagt atttgggtga atttttctat aagtagctcg ggtccgcata cttcatcctt 4560
actttgtcgc aaaaatgtgc aaatatccgg ataggtatca atggctttgt cagtatcagt 4620
atcaactcct cgctggtatt cccaatgcg tattaacagt tcaacctcct ggtaaagcgc 4680
caggcgcgcg cgcaatatcg ccgccagttg acgatgctca tggctggtaa cgactggaaa 4740
aacgcggctg agcgttgcca gcacgtcaat ggcaggataa tgccccctct ctgcaagccg 4800
ccgggatagc acaatatgtc catcaagtag tgaacggact tcatccgcca acggctcatt 4860
catatcatcg ccttcacca gtaccgtata aaatgcggta atactgcctt tttccccat 4920
tcctgtacgt tctaaaagtc gtggcaatgc actaaatag cctggcgat attctccaga 4980
aactgcggtc tctccggcgg ccagagcgat ttctcgtcgc gccctggcat aacgcgtcag 5040
tgagtcggca agcaagacga ctgcctttcc attatcgca aaaaattctg ctatcgtggt 5100
agccacaaac agcgcctca cgcgctctaa ggcgggtctg tcagaggttg cgacaacaat 5160
gacacagcgt tttcgggtct cttcagacag tgtaaaatcg atgaattcgc ggacttctcg 5220
tccacgttca ccaattaaca ccagaacatt gctgtctcgc tctggcgcat tacacagcat 5280
cgccagaagc gtgcttttcc ccacgccag agcagaaaaa ataccactc gttgcccttc 5340
gccacaggtt gcaacgctat caatagcgcg aatccccgtc attaatggtt gagtgatagg 5400
ctgtcgaacc attgcccggag gaggcattgc atcatagtct ttccagcaga cgtcgggcag 5460

ES 2 724 729 T3

ttcgcgcca tcaaggggac gacccaaacc atcaatgact cgccctaata acgcttcgcc 5520
 cacgggaacc tgatggcttc gccttaaggg catcacttgc tgcccgcagt gaagtccgat 5580
 tgtactcgta aaaggagata gcaaagcttt gctgccatta atccccacga cttcagcaag 5640
 ttcttctcca ggctttatac agcacaaactc acccataaat accccaggca accacgcatt 5700
 taacaacggt gcgctgacat cctgaattcg gccccatcga caataacat cggggggcgg 5760
 atatttcagc ctcagacggt gcatcaattc attcttcatt gtccgccaac tcctcttcgc 5820
 taaggtcaat actttctacc acttgataa ggctctctc tcctaattcc tgccatgaca 5880
 aaatcggtag gtcgaacaag gtggcttctg taattttctg caagaaacgt cgggtgtcga 5940
 cagaagtgac aatgaataat ttggctgact gcttcagcgc ctgctcgata agttgcagga 6000
 tctgctctt atgacgagac gacagcgcag tataggtccc cattaccgtc tggcgaatgg 6060
 attcacgcac gaggttctca ataccttcgc cgatccgcaa aatcggcagc ggttttcctt 6120
 ccggattaag acgacgcaga atatgacggc gaagcgcgat acggacatat tctgtcaaca 6180
 tcaggacatc ttttccacgt ggcgcccagt caattaaggt gccgaaaata agacgtaaat 6240
 ctctaataga aaccggttct gatacaagcc gttgcaaagt ttcagcgatt ttattaatgg 6300
 gtaactggcg ttgaagctct ttcaccagct cagagtagtt tttttccatc gcattcatta 6360
 gataacgcgt ttcctgaaca ccaataaact ctcccatatg ccgaagcagg acacatttta 6420
 ataaggcaga gatacgttgg ctgcccgcga aaacgtccag tccaaaacct tgcgccttat 6480
 gggccatgtc ttttgtaagc caacagatct gccccatccc gttcggtaac gtctggctgt 6540
 caccaccac actagcgtcc gcgcctatca ataaataatc cgcctgagcg ggaatagata 6600
 aactaaatac gggttcctga tatagcagta ccgtcaatth ttcgggtgggt tcaggcaaaa 6660
 cctcaatatt cacctcaggg agagggacgc cggtatcctc aaataaaaac catctcatgg 6720
 cgtcaatatac acgaatcagg tcggcagaat gtaacgtcgg gctaagacgt aagattagag 6780
 gacatgcgcc gggaaccata ctatcttttt ccgggtgctc gacgccattt gcggaaacca 6840
 cagacttttt gcgcgcaatg aggataattg gcaatgctaa caacgctgaa aagaaagcga 6900
 gagtgataaa aggaaagcca ggaattaaag cgaggagcat taaaaccaca gcggttaata 6960
 tgagcgactg aggttgtctg gcaatttgag aactcaactc tgtcgcagg ttctggcggt 7020
 tctcaccggy gacacgggtg acaataatc ccgcgctaag ggaaatcagc agcgatggaa 7080
 tttgccaca taaaccatct ccgattgaca gtacgctata agtgtgaaca gcctcactca 7140
 tcgacatatac atattgtacg atagcgataa tgataccgcc gataatgttc accagaacaa 7200
 caataatacc ggcaatcgta tcgcctttaa caaatttcat cgcaccgtcc atcgcaccga 7260
 gaaagcggct ttcctgctgg acatgctgctc ttaatgtacg ggcatggtct gcacgataa 7320
 ctccggcacg caaatcgcca tcgatactca tttgtttgcc tggcatccca tcaagcgaga 7380

ES 2 724 729 T3

aacgtgcgct aacttccgcc accctctcga taccttttgt aatgacaata aattgcacga 7440
tagtaatgat ggtaaatacg accaacccaa cggtagatt tcctcctacg acaaacttac 7500
cgaaagcatc cacaatatta ccggcattat gttgtaacag taccagccgt gatgtgctga 7560
ttgtgagtga caaacgatat aatgtagtaa taagtaataa agacggaaat accgataaat 7620
cgagagggtc actaagataa atagcaatta agagcaggat cactgaaaac ataaggttga 7680
tagtaatcag gatatcaacc atccaggctg gcaaaggtaa cagcatcatc acaatagcga 7740
ttaataacac cgtcgccaga accatatacct gccgaccgc gcatacactg agccactggt 7800
gcccctgac tccctcacct aacctgaac gcattgcgac tccagaaatt ttatttgcg 7860
atgatgtaat cgtaaccaga gctcggcggg gctggaaaga ggtggagaac aactcattgc 7920
aagcccatcg cgcaacaaaa ataatcgctt aggaatacc tggaacgctg cgggtttcca 7980
gtagccaac gctttaaaaa gcagttcttc gtctaagaag gtttgcttga gtatctgaca 8040
taagtgaata cgacagttat gatagtttag ataggtttca tattgtcctt gccgccagaa 8100
catattggtc gctaaaggcc gttcagctaa tcctgctaata tgaataaaaa gctgaatatt 8160
acgttcagta atgagatccc aatccatcct gacgcctcat gatgagccag aaagccaatt 8220
tacctaata ttgaaagcca ggtatcagaa taaaacctga tttatcttta cttcacgaag 8280
cgtttcgaga atttgttcac gttgatcttc gtcgttaaaa cagttatcgg gtatcagcat 8340
aaactgcgca tcaagttggt ggagtaaccg attgaacatc ttcgatgaag aaactatagc 8400
ggtaagtcta tcaagcaacc aatcactgaa aagccagcgc tcacaaataa tatcgagtag 8460
tagcggcagt aatgtattag gcggcaactg gcaaatccac tcctcacgct ggcaactctt 8520
ttcaaggcca aggaataaca gcaaacgacg caaacgtact aatgctgcg ccaaacgact 8580
ttgctccgag ggttcgatgc atatgctaag ttcaaaggct attgctctta gcaaaaatcg 8640
gacccttca cagcgatccg gccagtctgc cacgcgtctg aaccactgcg ataagggcat 8700
ttcatcggtg tctatcgctt gttgcataaa acgcttcagc gaggacagcg tagcggtatc 8760
cacttcgcca agttccagta aactaaaaac ggcaagttcc catccctcct cgcgtgtaag 8820
cgtatccagt tgcgattgca aatcgcggtt tttctttttt gacaaccgc cggcagtaag 8880
cgccattgca agagcgataa tttgatacgc attctgtaaa tcaggatcac tattctcttc 8940
ggtaagcgga cgcaacgctg cccattatc ctctgtatt tgttttatca aacgcagcaa 9000
agcctgctgc ctgcgctcca gttctcagc atcagtgaat ttattacttt cgcgcagttt 9060
accactcagc gccattccta tttcttccat cgtctcatag agcgtgccc ccgtcgtttc 9120
ctgtaactcc tggagagcta acattgaagg cgaaataacc tcttgctcct ctataacctg 9180
gccaggggta aatgctgtag gggcgtcat ttttatctca ttaattttaa tattcatcgc 9240

ES 2 724 729 T3

tacctctttt atcttcacca ttacgtaacc atttcagtaa cgcggtgaaa tgacgagaaa 9300
 gtgaaaactc aacggcatat cgtgttgagg aaagttcagc ctgatcggga gagaaaccag 9360
 gctcagataat caacgtaaac cgcttgccaa aagtttcacg catcaatgcc tctttttcag 9420
 gatgaatacg caaataaagc gctccctctt ccgcatagc cgtggcctgg cgtgccagac 9480
 gatggcacat aacactgtct accgactggt ggtcgaacca ggccaacaga acctgttcta 9540
 tactattttt aatatgatgc gctgcgtgat cgaccaatga acgaaatga ttttcatctt 9600
 cttgtaaatg ttttaccatgc tgttccagcc attccacttc cttttttcc agcgtatttt 9660
 tacgcaagca cgctagttct tgttgctgct caactttctg ttcacgctga taacgatagg 9720
 cgtctcggat gattttttca gccttacggg aagcggagct cacaatagca tgtgaaactc 9780
 tcttagcttg ttgctcttgc gcaaataaag ttaattgtaa tgttatccac tgtgactcaa 9840
 taatatttcg agcgggtagc ttatggtaa tttccgtcag aggaagtga gtaaaactca 9900
 tagcaaatgc tccatgaaga taatctcggg aagagaagtc ttcggccaaa gtatacgtg 9960
 cggagggggg aataatacta atagcgcagc taaaaccgca tcgcatgctg cttcccagatt 10020
 aagaatggcg gtaccgatct gcaatgcagt ttgttgcatc acttgccggag gaagtatttt 10080
 gccatctctt tgccccaacc aaccatatag ctgccagatc tcatcctcgc taaacactg 10140
 tagaagcaat tgccgatact ctggtagcat aaaatagtca ctacacctga gtttgaataa 10200
 tcccagccca aaggcaaatg ccgatatacg cggcgcaaga cgaacctgcc gcttttgct 10260
 gtcatttaaa caggctggaa taacagagct tctcttagt ctatttaacg ctctgtcaag 10320
 aagacgatcc aactcgggcc gatcgcata acgccagcag tttgaaagat gaaagcccag 10380
 cttatccagc cattccggta cagcgtaacg agcaggttgc cagaaataac gataaagttg 10440
 caacacctcg ggatcaggtc ggctcaaaaa cggcgtctca ggcaaaaata gccgatcagg 10500
 atgccactc ctaataacag tcctgtcaac gataacatca actgataagg gtatttcac 10560
 aaccacttca ccaccttccc tttattggcg ttgataacgt ccataatcca gaatgtttgt 10620
 ctgcgggta cgtcagctac cattctgaat tcagcaggct gcatcaagag actaatctta 10680
 ctgtattgca acccagggat tgacatctct attaaatcct taatttttac ccgaaaggcc 10740
 tccatattga cctgtggtga atattttata aatacggcaa ctgagctcgg agaagcgtta 10800
 cttccctcat cataagtcgg tagcgcfaat gtcacttttg cattaatcac gccctccatc 10860
 tgactcagca ttccttcaat tctttgttct tttaaaaaat taatcttctg ctgttcttcc 10920
 tggggtgata ccactaactg attagccgga aacatcttat ccgccgttgt aactgacga 10980
 tgcggataac cgttaagtct aagtagctca accgcattaa taaactgcga ctgctcgaca 11040
 cgtaaggtaa caccgtcctc ttcctgtttt ttttccgcat caatatgatg ctgcataagt 11100
 aatgccagca tttgattcgc ctcacctctt ggcaatgagc gataaagatc cacatcacat 11160

ES 2 724 729 T3

gcccgaagaa agaacgtaag gacagtaaga aatactatac gatgagcctt catgccatgt 11220
tatccagctt attaagcgct tgcgatgctg cgcctgatat tctggcaaga taatcgacgc 11280
ctaccgtaa ctgcatataa tccatttgtc tggcaacat aacctgcggt aataaagcac 11340
tggcgttact ggtggatgct tcatctttca gcaattgttc aaaaaatta atttgctcct 11400
ggctcggttc tgcagaggac ttacataag attgagtgt tacaggcact acgctcatat 11460
cagaaatatt caatthtcaa acccctcatt tgggtgcagga aataacagac gcagcgccat 11520
agcctctggc aaatctatat ccgataaaat tttcgcggct tttagcggct catttaaac 11580
cgccaacaat aatgccagac ataccaactg taatthttha tccggaacaa taaccgttag 11640
cgctggtaac atcgcatgta cctgggaaat caggctatgg ttaacgcccg caaacatgat 11700
ttccagcagc aaccgtcгаа catcgtcgct aataacttca gattthtagca atgattccac 11760
taagcatatc cttgatcatt ttgatcagt aactthctga attaataaat gtagaatact 11820
gctgtaaggc aaattgcgct ttaatcatcg attctgggt gagcaaatca ttaccattca 11880
thttgtcatt aatggcctgg cctgcctggc gcgcatgtg ggagagcata tccactaatt 11940
gtgcaatatc cataatgctt thcttaaaa taaatacatc gtaaggatac tggcaacata 12000
gcaaaattha gaaagcaatg aacatccggt atatacctga aaacgattac tccggcgcac 12060
gthgttctg cgthtacctga gccagcaaac gatataatgg gctgctgacc tgcataccgg 12120
tcattgccat cccatccata ccgaagcgag taaaactcat tagtccatag gtaatatcat 12180
taagcgcctc taataaatga ggctgtagtc ccaaactacc actccagtat gaatgcgtca 12240
ttaccgtcgc gthtaaggct aatctaccgc ccaggagac gctthtagca atcgccatac 12300
thttgcgthg attggcгаа caathtagca tataaaaaac ggcattgcct atactgtcgt 12360
gagccatagg caaatgatgt thatgatgg agataagaca ggcgacatcc gcgatggcaa 12420
tagcaaggcc aatccctgcc agggctacga gcggcgcgcc tccaccactt agcactgtha 12480
atgctattcc agcggaacag cataaatct gthccgcca aataaccgtt thccaactaa 12540
aaatthctth tggaaaacac thtatcactc gthtgcgaag tccggccaat aaccgtctth 12600
thctthgtth aggacctatt thtaccctc ccatatthgt thctggatgt ggcaatgagg 12660
gacatggagg thattctca ggcgcgthta caggacgthg cctctctacc thgacatthg 12720
ggctaacagg thtcatgtht thctccgaga thgatgacca gaactgtcca thaatgcagg 12780
thcagthaga gathgacaga gcgctgccat thgtthcggc aataacgcac thggatcggc 12840
ataaagthta tcaacagaat thctctgatc thcgcagag gggcgggcaa ggcaataatc 12900
cagthaccga cctatcggc thcaggctaac ggagthaat aactthcca thtccaaga 12960
ggccgcaata thttcagcgc gggcagthg aaactthtag gthaaaacca acatagaaat 13020

ES 2 724 729 T3

agcgattcct gaacgtatta ataaagaaag acaattagca aggggtgtag cgcagttaag 13080
 acttgcccca cattttaagg ccagcgcact gaccacaaga gcaacgctat cactggcggc 13140
 ttgtaatggc tccttttgct gacatatcga ttgataatta tgatacgcac agcaagcatc 13200
 cccaatagca atcacgagcg ccgccccgc aagaatagca atgggtaatc ctgccccgcc 13260
 agaaattacc gctgcagcaa ccgataaccc aaacacgact gtcgcaccca gcgcacgaat 13320
 agtgtattgc ataaaatgta tagcataatc cctctgctgc cttatttggt caggcgtaag 13380
 cagcacaggg gctgcggggg taccagggcg tggaatttca gggggaggaa acgatacctc 13440
 cttcgcttgt atatcggaag gaggactatt accatcgact atattacttg ccgctgacgg 13500
 aatatgaatt ttcatatttc gttctgttat ttaagcaata agagtatcaa ccattatttg 13560
 cgcatcttgg cgaatctcac tccatgaggc atccgcataa ctcatcttga ttgcggttg 13620
 aaaagcctct ctgcgcaacc ogggttcccc catcattttg agacagacgc ccgtttggt 13680
 aaccggttct ggatggctgg catccagcat caaggcatgt ccatagaaat taatggccgt 13740
 tgtgtattct ttaagcatca tccaggtgcc agccaatgca atatgggcac gccaaactca 13800
 tggctggggc atcaccagcc aactaaaatc gattacggcg cggaataat cccctcctg 13860
 ccatgaggcg taaccactgg cataaacggg ttccggatca acggataata gctgtttcag 13920
 aatgtcttgc ggtattttat tttctgatac ttctttcacc atcataccta ttgattgtta 13980
 ttttcacgtg ataatgattt acgtaggaa ggtcatttaa aaacgtcgct ggataagatg 14040
 ctgcgaggat aaaactgtcc agttatogcc atcaagctgt gtaaaggctg ctcccattac 14100
 tgtcaggatg cgcaataatt tcctgcgtag catggctttt ttttcatcca gaacgtcggc 14160
 gattatcaac atctttaaac atgtaactg cgggtgatgc acaaatatcc cgcgtaaaag 14220
 tcccagtaag tgaacaatt gctgtggtcg aggttgcccg ggcgtcaggc gcctgaactc 14280
 acaataatc atttctttg cctcaatacg atagatcacc aggtaaggcg ataataaaa 14340
 ctgctgccc aagtaatatg oggtctcccc taaatatgca ggctcagtaa acacctgatg 14400
 ccgacgaac cattgctcta tttctgac catgtttacc togttaatgc ccggagtatt 14460
 tcagcaagaa ccgtgaccag tgacgacccc acgccgatga tttgctgcat aatttcagtt 14520
 gctttctccg taatttccgt cagggattta ttataagatt gggccccatt ttgttgacgg 14580
 tcggcaatcg ctttatcttg atcactttga cgttgcgcta caccagcccc caggccccatg 14640
 acgccccag ctgtgtggcc tacggcttga cccgctataa gaccggtttc cccgcctacg 14700
 gccctaatac ctatcgtcag tacaccgac aacattgcgc caccgcagc aatcattgat 14760
 gctctaaacg cttcatcaat tgttttcatt tgctctgta aaacattgac ttgcagttcc 14820
 caggccagcc gttgttttc tacgttatag ctgcgcatga tatcgcgacg ctttttgcca 14880
 agctcatta gcttcatcca gatatcatca aataacagaa gcattgattc agtaccatt 14940

ES 2 724 729 T3

ccctccccgg agggagatgg agtgaagaa ggtgtaaca aggaaggcgc tggtaatacc 15000
 agtgctacgt tactcgcttc catatnttta tcctcagatt aagcgcgata gccagctatt 15060
 ctgcctgaa cgctactata gtgatcaatg gtatctaata catctctaag cgcggcaccg 15120
 ctccccttat aaagcttctc taagcgtttt tgttctatct ttttctggtt ttctgtttgt 15180
 tgcattatga aatccagaaa ccgttgctga gttattaatt gctctatntt cttttcgatc 15240
 ttcgctnttt ctgtgtaaac catgccagta ttcactcgac tggcgccctc ggttgccat 15300
 ctgatagcct gtaagccttt aaatgaacaa tcctcagta aggcatacag gattnttttg 15360
 aacatattga agagaacttt attacggaat tnttttaaca ggaactntcc accttcttgc 15420
 acacatnttt ccagggcttc ttttgccgct tctnttgcca tggctntcac cccctcttcc 15480
 gtaaagcttt tcccgcgct tcgcgctata ttatnttcta cgttacgaga aaactcggca 15540
 gcctcctctg ccatctcatt cgccatagcc atttcacgnt caagcggctc aaattgnttg 15600
 gaaaaacttt cgctcacttc ttcgcaaac tnttcagcca actcctctat ttctgcttcc 15660
 cctgcaccta ccatacgctc aaccacttcc tcgcaaaac cggagtcaag cactnttgca 15720
 gctgcgccag ataaacctct cgtcgccata aaagcacggc caatctgaa aacatccagt 15780
 gccagcgcga cggcttcaca accaaattga atcttacttg tcacgtcaat aattgcctga 15840
 caggtatcgt ggtcagcacc gcacatcatt gccgnttcgg ctccggcttt aaccattcct 15900
 gcacaacctc cggctatata agctacgccg ctagccatnt ctgcgggatt accggacaga 15960
 aaccctcca caactnttaa ggagccaatc acagnttcaa atatgccggt aatccagtca 16020
 aaaatagcgc caaaaatgcc cgctnttacgc gctnttacct cctgctctat cgctntctgg 16080
 atctgctcct gatactcctt tacctgctta tcacgtaatg catnttgcac ctcagttgcc 16140
 cgctcaagct gttggcataa cgattgagcg ttattaccaaa aaacgctgag tattaatgtc 16200
 gtcatcaaca ttgataaac cgcgggattg gtctgcaaaa agtcaggcaa tgatagacgc 16260
 ttatgatntc cgggtacggc atcaagcagt tgcttcaacg cattgcttgc ctctgaaga 16320
 ctaatnttcc ctgataacag gcacggggcg ttgccatcg caaaagtaga attcacacga 16380
 tgccggcgct tcccagcga acccgaggaa acgcaactga cattgcttaa gtgatgatgt 16440
 gttaaggcgg ttactcctgc ggtgctgtcg ctattactgt gaattcgatt catntttagc 16500
 tcctgtcaga aagttgctgt aacatctntt ctgcacgctg tcggagaatt tgatgttcc 16560
 tgacctgcc gcaaatcgc accacggcct ttaacgctnt gattgcataa cagacgntat 16620
 cacacgcgag atagcattcc gctgcggccc atggcgctg cggcgcatca atcttaatnt 16680
 gtgccgcgcg tccataagcg tatatcgctt cccccaatg tntttgagcc tggcagcatt 16740
 ccctaacct aaaccagtag tcaaatgacc aggcatacata tatcgtcaac aattgaaaa 16800

ES 2 724 729 T3

gtcgcgctgc gccggcgaac tcttttacct ccataagctg catggcatag cgatacagag 16860
 tattaagcgg ctgtgtaaca tcgtcatcca acaacatacg cagcgagccg ccacgccgga 16920
 aaaaccgcat cgtgtcatgt gcctgttga gggtcgggtc ttttttcatg agtacgtttt 16980
 ctgcgctatc atactggaaa tttccccca cttactgata agccctgtca gttgggtaag 17040
 gacagcgta agctcctgag acattttttg aattgtatc tgcccctgac tcataagatc 17100
 ggtattccgg ttggcgtcat tatccaaagc cgctttgatc gcctgtaggc cacctttatc 17160
 cagcttccca tgatcgccat atttagccat ataatcatca atggtcatac catcgatgag 17220
 aatacatta tcacgcatgt atttaattac atcctcaggc acctcctctt tggttttagc 17280
 atcccctttg gctgcttttag caatcacctc atccatctca tttgactttt cctgggtatt 17340
 tctggcacgt tcagcgttct tctggacttc aataaattta ttatttgca tatcctgaat 17400
 aaccataagg agaataagca aaacaccata cccttcggca aacggatfff gctgggataa 17460
 gtcacactgg ctcccgggat cagcgttgct gacgccgaag ctatttttaa acacaatagg 17520
 gttttgactt ccccataaga tgtttcctga agacattatg ctttaccttt ttgtttttcc 17580
 tgacggatc tccaccgggg cttgagcatt aagttgtttc agtcgtaactt caagttgttt 17640
 aaacaaactt actatftttct ttaaactcctt ctcgccctcc tggttaacctt cggcaacgcc 17700
 ttgtggaaat aggttttgaa gaatactctc tgtctctctg ctctttttgg ggctctctgc 17760
 cctttcagca agctgttgac tcaccttagc ccggatfttg tgaaatfttt taagacagtg 17820
 atttagctgc atgtaacttt gctctaaatc acgatattca ctaaaccgag cttttttctt 17880
 tatcattatt cccctccata tacacgatag ataattaacg tgctaactaa gacccatcc 17940
 cattagggct atfttacttg ccattttgaa cctgggcagt gctcaaaatc ctacgtaact 18000
 acgtgtacgc tccggtfttt gcgcgctatc cgtgtccaaa ctggctgcgc caattaacgc 18060
 ctggtgggat aggcctaaag atatftttac tttactcttg ctcaactcact acaagtgcgc 18120
 tgttatggta acgataataa ataatgttga tgatattttc ggccctgctcg atcgttcaa 18180
 gcaataaggt gttttgctga tattgctgcg gatcctgtaa cttgccgttg ttctctccta 18240
 actgtttccg ggcagccctt aattgtaaaa ttatgccttt ggccctctca cgcgaatgaa 18300
 gcagcaaatc ttctaaccgg gtcaaaagttg tcattttcca ctcaactaa atctaagga 18360
 tagttaatca aagtatcata atgtttaatc gttaccacat cggcactcag atggacaatt 18420
 tctccccat tgggtaacaa tgcccctaca cgtaaacgct ctttattcgt cagtaataag 18480
 taattacat ggcgactctg tacaagcca gccactggcg caggcagata cttgctttca 18540
 tcatgggaag gcgcaatc ctgataaatt aaagaaagag cgggatcctt tttctttaat 18600
 gctgctaacg tttcttgcaa aatgcgttga tgagattcat ccagtaacc actgataaca 18660
 aaagagcgc gcattggcgt aacattgaca agccccacta aaccgttctc tattatcgca 18720

ES 2 724 729 T3

gaaataatat catctccctg agactgatga gagtgactaa tctgccagtg caataaccg 18780
 ggaatatctg caagtaatgg ttgaacctta cgccattgct gatccatttg tatatcatca 18840
 tgaattaaca cgctccccgg cccttcgctg gatacttcag catgcgggta acccattttt 18900
 atcaaaacat cctgcacttc tcgtaccaat aagtcacac agattacacc atcccgatac 18960
 atgaccccc atgattcgag agtcgctctc accttttgca tctgttcgct tgacgagcaa 19020
 taaccggaca actgcaggct gccatcttct ttccattgcg cccgcacata atgaatattg 19080
 cttttgtcta ataaaaactt aaccgcaaa ggtaagtcat ttaccgtttc aggctgacca 19140
 ctaatactta acaggacacc cattccaccg atgaaaatca agaatacgcc agccaaccac 19200
 cagtaccctg atctggaaac gggatattga taatcagcaa gttcacaatc ctgtttacca 19260
 aacgcgatag ccactcccgc aacctgcaaa accccactgg atggtagcgg cttattttgga 19320
 ttaaactctg gccattaac tctaactctg gctttcccgg catcaacaaa taaattatct 19380
 gcctgttctc tcagaataat tttttcattt atagtaagcg gaatacaaat atcgcacct 19440
 ttctccccca gtgacaggtt accttcattc agccatactt cccggccttg taaaacgtga 19500
 cctaaaaaac gtattttcca ggaactctt ggattaacca tgagatatgc cattatttac 19560
 tactgaggct ttaatcaaaa aaagcctgat tacactatgt acttgagtcg tatcattgcg 19620
 aaacaaatgg cctacgacag gaatatcgcc caataaagga attttatttt gcgagtggat 19680
 ttgtttacct tgtttaaatc ctcccagcaa tagactttgc ccggccaata atgtggcctg 19740
 cgaagcaatt tcagaatttt gcacttcggg cagcgggtct gtttcgcttt gcgtatcact 19800
 ttgtgtcca tcctgaatat taagatcaag cattattttt tgcgtgccat tatcatttaa 19860
 caagcgagggt gtaacgcgca acaaagaacc cgtagtgatg gattcaagtt tagccacttt 19920
 ttctccctgc agtttggtat agaaagtaat atttttatcc agcacagcct ggatattatt 19980
 taaagtcacc acagatggct gggaaagtac ataagcctga gagctttttt ccagggcatt 20040
 caaacgcacc ataaagttg aggtatcgct gattaccgtt gaaaaccgc tagcaccacc 20100
 gtcattcaaa cctgtattga acgcaatttt cttgccacc agcgacactg ccgttccccca 20160
 gtcgatgcct aactggtaa tatctocagc attaacatcg ataattttca ccgaaatctc 20220
 tatcatctgc tggcgttgat ctaattctgt gataagtttc cgatacccgg ccatattgga 20280
 cgcataatca cgaacgatca ctgcattctg gcgtgggtcg gcagcaaaca tgggcaatgc 20340
 ctgtgtagcg ggtgaaccat tgttcgtcga tgacgccggt acgctggttt tactcatctc 20400
 acgcaataca ctcacgaccc ctggaaccac gacggactga tcgcatatt ggtattgggt 20460
 atccatcgca gtggcatact taagcgtgta tatacttaca ctcaccgcac tgtcttttcg 20520
 tttgattaac gcattatcca gactgaagc taattgacta atacgagtca ggcagctggg 20580

ES 2 724 729 T3

aacaccgctc acctccacag ctttgggtacc ggtaatttct ttaacctcgc atcccgtga 20640
tgaagaata ttctggctgc gtaagtaatg aatgaaccgt ccagtagata aatattgaa 20700
agtgataacc tgatgtttta ataacgatgc aggatataca tataacatgc tgccatcaaa 20760
ccaggtaagc aatcatatt gtgctgccag gttattcaaa atatcgaccg gtgggtccagg 20820
cggaattttt cactaaatg tagctgttat caatgggcta atagtaatag ccgtatcata 20880
gttctctgag agcagatgta aaacctctgc taatggcatt tgtctggcat aaagggtgaa 20940
gtcattacct ttccatgata actcatcact ctttgtgta ttgagtataa atagtaaaat 21000
taagatkaa cgtttattta ctaccatfff ataccocacc cgaataaagt ttatggatgat 21060
tgcgtattac attttttaaa atgcaagtta aagccaggty tttttctatc tcaatagcaa 21120
taagctcaga gctactactt gtgtgataat aaccgtttaa ccatcccca tccgctgtga 21180
gctgtatagc ataatcatgg acgtccgggt gtgctgcaag cagtagtgtc acataggcaa 21240
gacaaggcct aggtaagcct tccaggctcat ttaagaacaa agaaatagaa aatgcttctg 21300
agaaaatttc tcctctggca ggatgcccat caatagctat tatccaggat cggctattac 21360
cttcggcctt gatatcctga ataatggaa tgccttttaa aactgccagc atgaatccct 21420
cctcagacat aatgggagt ttctatcaaa ttcgctcaca accacatccg taaaagcct 21480
gattcacatt tatttogact atacttttct tgtacaatat caggatgctg tctacatata 21540
ccttgtcaca ggcgattcta tcattcggat tttccgataa attcacaatt acattttcag 21600
cactgacata aaaacttaca atttgaaaaa tcatttatta aatgaactgt tacgatgttt 21660
ttacatcgcc atcttattaa aaagtaattg tagtcatoga ctgggttata tatgaagaaa 21720
tttatcttcc taatgataac accatcgatt aatcttctga tgaaactata tgtactgcga 21780
tagtgatcaa gtgccaaga ttttgcaaca ggcaactgga ggaagcatt atgaatttgc 21840
tcaatctcaa gaatcgcgtg caaacatcct tagtaatcag gctaactttt ttatttttat 21900
taacaacaat aattatttgg ctgctatctg tgcttaccgc agcttatata tcaatggttc 21960
agaaacggca gcatataata gaggatttat cggttctatc cgagatgaat attgtactaa 22020
gcaatcaacg gtttgaagaa gctgaacgtg acgctaaaaa ttaatgtat caatgctcat 22080
tagcgactga gattcatcat aacgatattt tccctgaggt gagccggcat ctatctgtcg 22140
gtccttcaaa ttgcacgccg acgctaaacg gagagaagca cgtctctttt ctgcagctct 22200
ctgatatcga tgaaaatagc tttcgtcgcg atagttttat tcttaatcat aaaaatgaga 22260
tttcggtatt atctactgat aacccttcag attattcaac tctacagcct ttaacgcgaa 22320
aaagctttcc tttataccca acccatgccg ggttttactg gagtgaacca gaatacataa 22380
acggcaaaag atggcacgct tccgttgcgg ttgccgatca gcaagcgta tttttgggg 22440
tgacggttaa acttcccgat ctcatcacta agagccacct gccattagat gatagtattc 22500

ES 2 724 729 T3

gagtatggct ggatcaaaac aaccacttat tgccgttttc atacatcccg caaaaaatac 22560
gtacacagtt agaaaatgta acgctgcatg atggatggca gcaaattccc ggatttctga 22620
tattacgcac aaccttgcac ggccccgat ggagctcggc tacgctgtac ccatacggta 22680
atctacataa tcgcatctta aaaattatcc ttcaacaaat cccctttaca ttaacagcat 22740
tgggtgtgat gacgtcggct ttttgctggc tactacatcg ctcaactggc aaaccggtat 22800
ggcattttgt cgatgtcatt aataaaaccg caactgcacc gctgagcaca cgtttaccag 22860
cacaacgact ggatgaatta gatagtattg cgggtgcttt taaccaactg cttgatactc 22920
tacaagtcca atacgacaat ctggaaaaca aagtcgcaga gcgcacccag gcgctaaatg 22980
aagcaaaaaa acgctgctgag cgagctaaca aacgtaaaag cattcatctt acggttaata 23040
gtcatgagtt acgtactccg atgaatggcg tactcggcgc gattgaatta ttacaaacca 23100
cccctttaa catagagcag caaggattag ctgataccgc cagaaattgt acactgtctt 23160
tgtagctat tattaataat ctgctggatt tttcatgcat cgagtctggc catttcacat 23220
tacatatgga agaaacagcg ttactgccgt tactggacca ggcaatgcaa accatccagg 23280
ggccagcgca aagcaaaaa ctgtcattac gtacttttgc cggtaacat gtcctctct 23340
atcttcatac cgacagtatc cgtttacggc aaattttgt taatttactc gggaatcggg 23400
taaaatctac cgaaaccgga gggatcgtc tgacggtcaa gcgtcatgag gaacaattaa 23460
tatttctggc tagcgatagc ggtaaaggga ttgaaataga gcagcagctc caaatcttta 23520
ctgcttttta tcaagcagac acaaattcgc aaggtacagg aattggactg actattgcgt 23580
caagcctggc taaaatgatg ggcggtaatc tgacactaaa aagtgtccc ggggttgga 23640
cctgtgtctc gctagtatta cccttacaag aataccagcc gcctcaacca attaaaggga 23700
cactatcagc gccgttctgc ctgcatcgcc aactggcttg ctggggaata cgcgcgcaac 23760
caccacacca gcaaaatgcg cttctcaacg cagagctttt gtatttccc ggaaaactct 23820
acgacctggc gcaacagtta atattgtgta caccaaatat accagtaata aataatttgt 23880
taccctctg gcagttgcag attcttttgg ttgatgatgc cgatattaat cgggatatca 23940
tcggcaaaat gcttgtcagc ctgggacaac acgtcactgt tgccgccagt agtaacgagg 24000
ctctgacttt atcacaacag cagcgattcg atttagtact gattgacatt agaatgccag 24060
aaatagatgg tattgaaatg gtacaattat ggcacgatga gccgaataat ttagatcctg 24120
actgcatggt tgtggcgcta tccgctagcg tagcgacaga agatattcat cgttgtaaaa 24180
aaaatgggat tcatcattac attaccaaac cagtgacatt ggctacctta gctcgtata 24240
tcagtattgc cgcagaatat caacttttgc gaaatataga gctacaggag caggatccga 24300
gtcgtgctc agcgttactg gcgacagatg atatggtcat taatagcaag atttccaat 24360

ES 2 724 729 T3

cactggacct cttgctggct gatattgaaa atgctgtatc ggctggacaa aaaatcgatc 24420
 agttaattca cacattaataa ggctgttttag gtcaaatagg gcagactgaa ttggtatgct 24480
 atgcataga cattgagaat cgcgtaaaaa tggggaaaat catcgcgctg gaggaactaa 24540
 ccgacttacg ccagaaaata cgtatgatct tcaaaaacta caccattact taatattatc 24600
 ttaattttcg cgagggcagc aaaatgaaag aatataagat cttattagta gacgatcatg 24660
 aatcatcat taacggcatt atgaatgcct tattaccctg gcctcatttt aaaattgtag 24720
 agcatgttaa aaatggctct gaggtttata atgcctgttg cgcatacgag cctgacatac 24780
 ttatccttga tcttagctta cctggcatca atggcctgga tatcattcct caattacatc 24840
 agcgttggcc agcaatgaat attctggttt acacagcata ccaacaagag tatatgacca 24900
 ttaaaacttt agccgcaggt gctaattggct atgttttaaa aagcagtagt cagcaagttc 24960
 tgttagcggc attgcaaaca gtagcagtaa acaagcgtta cattgacca acgttgaatc 25020
 gggaaactat cctggctgaa ttaaacgctg acacgaccaa tcatcaactg cttactttgc 25080
 gcgagcgtca ggttcttaaa cttattgacg aggggtatac caatcatggg atcagcgaaa 25140
 agctacatat cagtataaaa accgtogaaa cacaccggat gaatatgatg agaaagctac 25200
 aggttcataa agtgacagag ttacttaact gtgcccgaa aatgaggta atagagtatt 25260
 aa 25262

<210> 3
 <211> 6053
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Operón *spvRABCD*

<400> 3
 atggatttct tgattaataa aaaattaaaa attttcataa cactgatgga aacaggttcc 60
 ttcagtatcg caacatcagt actgtatatc acccgaacc cgctgagcag ggttatttca 120
 gacctgaaa gagagctgaa acaaagactc tttatacggga agaatggcac tcttatocca 180
 accgaatttg cacaaactat ttatcgaaaa gtaaaatccc attatatttt cttacatgca 240
 ctggagcagg aaatcggacc tacgggtaaa acgaaacaac tagaaataat atttgacgaa 300
 atttatccgg aaagtttaaa aaatctgatc atttcagcac tgaccatttc cggccaaaaa 360
 acaaatataa tggggagagc cgtaacagc caaataatag aagaactgtg tcagacaaac 420
 aactgcattg ttatttctgc cagaaattat tttcatcggg aatcgcttgt ctgccggaca 480
 tcagtggagg gtggggcat gttatttatt cctaaaaaat tctttctctg cggcaaacct 540
 gatatcaaca ggctggccgg aacacctgta ctttttcatg agggggctaa aaattttaat 600

ES 2 724 729 T3

ctggacacca tataaccattt ttttaaacag aactaggta ttaccaacc tgcattcagt 660
tttgataacg tcgatttggt cagttcactg taccggttac aacaagggtt ggcgatgta 720
ctcatccccg tcagagtctg tcgggctctg ggattatcaa cagatcacgc actgcacatc 780
aaaggcgtag cgctctgtac ctctctgtat taccgacca agaaacggga gacaccagat 840
tatcgtaaag ctataaaact gatacagcag gaactgaaac agtccacctt ctgacctat 900
gcagcgtaag ggccgcaaca cctgtattca cggcatttgc cagattcaga ttgtcagcaa 960
tccccatcct ccatagcggg agttcacccg ggagcatgga gtaaaccggc tggtcgccgt 1020
caatctgaca cagaatcagt ttgatgctct ggtggattac ctaaaacatg ggcatthaacg 1080
cgctggctca cgccacttta ctgaagaaac tgaataacgg tgactatgac ggcgcagcga 1140
atgaattcct gaaatgggac cacgccagcg gtcaggttgt tcccggcctg acccgacgcc 1200
ggagcgctga acgttgttta ttcctgagtt aatttggtgt gccatctttg cacaccggga 1260
accgagattc cgcacagcag aaaaatagca cataaataaa ctcaatataa gccactcatt 1320
ttctggcaat acaaaaataat tcccctgcag acattatcag tcttcaggat ttattctgt 1380
ttatcttcag gagtcatcat tatttatgaa tatgaatcag accaccagtc cggcacttcc 1440
acaggtcgaa accgccatcc gggccccggc agggaaatctt gcaaaatata attattatcc 1500
cgtgtttgat attgtccgtc agaccgtaa acagtttatt aacgccaata tgtcatggcc 1560
gggatccccg ggaggtaaag cctgggacct ggcgatgggc caggcgcagt atatccgctg 1620
catgttccga gaaaatcaat tgaccgcag agttcggggg accttgacgc agacaccgga 1680
caatggcacg aacctgagca gttccgctgt cggcggtatt caggacagc cagagcgtcg 1740
gccggacctg gccaccctga tgggtggtta tgatgccatt aaccagcaa taccgacct 1800
gctgccgtat cattttccac acgaccaggt ggagttatct ctgctgaata ccgatgtgtc 1860
gctggaagat attatcagcg agagcagcat tgactggccg tggttcctga gcaactcgt 1920
gaccggcgat aacagtaact atgccatgga gtcgccagc cggctgtcac cagagcagca 1980
gacactgccg accgagccgg acaacagtac cgccactgac ctgacctctt tttaccagac 2040
caatctgggg ctgaaaaccg ccgactatac gccatttga gcaactgaata cctttgcccg 2100
acagttagcg attaccgttc ccccaggtgg aacagttgat tgcgggtact ctgctgcca 2160
gccggcagtt tagcttcccc cgctaccaga gtagtgagca gcagaccatt ctgcagaatc 2220
tgagcgacgt cattgttcag gtgcattcta ccgcgctgta cggcggcagc acttttgaac 2280
aggccgtaga gcagacgctg taagcagaaa atatacctgt ccatcgtcag acggccagtt 2340
tcaggagata gtgtatggtg atactaaatg gttttcatc tgccacttta gcgctgatca 2400
ctccccctt cctgcacaaa gggggcaagg cgctgagtca gtcaggccct gacggcctag 2460
ccagtataac gctgtctctg cccatcagcg ccgaacggcg ctttgcgct gcgctggcgc 2520

ES 2 724 729 T3

tgactacag cagcgggtggc ggcaatggcc ccttcggcgt gggctgggcc tgcgcgacaa	2580
tgagcattgc ccgccgcacc agccatggcg tgccgcagta taacgacagc gatgagtttc	2640
tggggccgga cggagaagtg ctggttcaaa cgctcagcac cggatgatgcc cccaatccc	2700
tcacctgctt cgggtacggt gacgtatcgt tcccgcгаааg ctacacgggtg acccgctatc	2760
agccccgcac ggagagcagt ttttatcgcc tggagtactg ggtgggcaac agcaacggcg	2820
atgatttctg gttactgcat gacagtaacg gcatcctgca cctgctgggg aaaaccgccc	2880
cagcagcct cagcgatccg caggccgcct ctcatagcgc gcaatggctg gttgaggagt	2940
cggtgacccc tgccggcgag catatctatt actcctactt ggcggagaac ggtgacaatg	3000
tggacctcaa tggggacgag gccggacgcg atcgcagcgc catgcgctat ctacgcaagg	3060
tacagtatgg caacgcgacc cccgccgccc atctgtacct ctggactagc gccacacccc	3120
cggtagcagt gctgttcacc ctagtgtttg actacggcga acgtgggtga gatccacagg	3180
taccgctgc attcactgct cagaacagct ggctcgccc ccaggatccc ttctccctgt	3240
ataactacgg ctttgagatc cgcctccatc gcctgtgcc ccaagtcctg atgttccacc	3300
actttcctga tgaactgggt gaagccgata cgctggtttc ccgtctgctg ctggagtatg	3360
acgaaaatcc gatactgaca cagctttgcg ctgctcggac gctggcctat gaaggcgacg	3420
gttatagaag agctcctgtc aacaatatga tgccaccgcc accgccaccg cctcctccga	3480
tgatgggagg taattcatct cgaccaaaat caaatgggc gattgtagag gaatcaaagc	3540
agattcaagc tctgaggtac tattcagctc aagggtacag tgtgattaat aaatatttac	3600
gtggggatga ttatcctgaa acacaggcaa aagaaactct gctctccaga gactatcttt	3660
ccacaaaatga acccagtgat gaggagttta aaaatgccat gtcagtttat ataaatgata	3720
ttgtggaggg attaagttca cttcccgaaa cagatcacag agtcgtatac cggggcctga	3780
agcttgataa gcccgatta tcggatgtgc tgaaggaata cactactata ggtaataata	3840
taatagataa agcttttatg agtacatcgc cagataaggc atggataaat gacactattc	3900
tcaacatata cctagaaaaa ggacataaag gtagaatact cggagatggt gcacatttta	3960
agggagaggg agagatgctt ttccctcaa atactaaact caaaatcgaa agcattgtaa	4020
attgtggatc ccaagacttt gcaagccagc ttagtaagct gagattaagt gatgatgcaa	4080
ctgctgacac aaacaggata aaaagaataa taaacatgag ggtactcaac tcatagatac	4140
taagaatcta ttccagaagt ggtatgagcg gcctagctct ataaggggtt atactccgga	4200
accccagatt tttccgtcac cctaggcccg caaagtagtg catctaaact tttgccatta	4260
cccttcttta actttctgct cggaacggac cgaaatatca tttttcggc tgataaaaaa	4320
tgaggttttc tggataacta atcgttttat taaaaaac tgagaattta tatctaataa	4380

ES 2 724 729 T3

tatggcgata tatccatatt gcaaaggaga tttcccatgc ccataaatag gcctaatacta 4440
aatctaaaca tccctccttt gaatattgta gctgcttatg atggggcgga aataccatct 4500
acaagtaagc acctgaaaaa taatttcaac tccttgcaca accaaatgcg gaagatgccg 4560
gtatcccact ttaaagaggc gctggatgtg cctgactatt cagggatgcg ccagagtggg 4620
ttctttgcta tgagccaagg ttttcagctg aataaccatg gttacgatgt tttcatccat 4680
gctcgtcgag aatcacctca gtctcagggc aaatttgccg gtgacaagtt ccacatcagt 4740
gtgctcaggg atattggtgcc acaagcattt caagcgtgt cgggattgct gttttcagag 4800
gacagtccgg tagataagtg gaaagtgacc gatattggaga aggtcgtca acaagaccgt 4860
gtagcctgg gcgctcagtt cacgttgat ataaaaccag accaggaaaa ttcgcagtac 4920
agtgcgtcgt ttctccacaa gacacggcaa tttatagagt gtctggaatc cagactatcc 4980
gaaaatgggg ttatttcag acagtgcct gtagcagacg ttcattcctga aaattggaaa 5040
tatctcagtt atcgtaatga actacgaagt gggcgtgatg gtggcgaaat gcagagacag 5100
gctttacgtg aggaaccgtt ttatcgtttg atgacagagt aagtatgggt ttggggagca 5160
acggaacagt aaacgccgtt aaacaactat tttaatgct cattaattta ttaatcaata 5220
aattacaaat tttcattgaa ggctccccc ttactgacga attccggcac cgtaaaggaa 5280
taacgctcat gcatattgat gtgtccgcac tgtaatgggtg aaaattacat aagcaagagc 5340
gttttttgaa aaatattata tttaatgtt tgtaatatgc attttattga ggtagtgtaa 5400
ctatgagagt ttctggtagt gcgtcatccc aagatataat atcacgtata aattcaaaaa 5460
atatcaataa taatgattca aatgaagtca agagaattaa agatgcgctt tgtattgaa 5520
caaaagagag aattttgtat ccaaaaaatt tgagtctaga taatttaaaa caaatggcta 5580
gatattgaaa taatacatac atccattact ctgggaactg cgttttatta tcagcgtgtt 5640
tacattataa catacatcac cgacaggata tattaagttc gaagaacact gcctctccta 5700
cagtgggatt agacagcgcc attggtgata aaatcatttt tggatcatgag cttaaccaat 5760
catattgttt aaattccatc gatgaggtgg aaaaagaaat attaaaccgt tatgacatta 5820
agagggaaag ttcttttatc attagcgcag agaactacat agctccaata attggcgaat 5880
gtagacatga tttcaacgct gtggttatct gtgaatatga taaaaacca tatgtacaat 5940
tcattgattc ttggaaaaca tccaacatac ttcttagctt acaagaaata aaaaaacact 6000
tctcatcatc aggggaattt tatgtcaggg cttatgatga aaaacacgat tga 6053

<210> 4
<211> 1590
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Operón *faeHI*

5

10

ES 2 724 729 T3

<400> 4
atgaaaataa cgcatacatta taaatctatt atttccgccc tggccgcgct ggccctgttt 60
tattccgcag caccocgggg ccgaattctt gacggcgggg aaatacagtt tcaccgtctg 120
gtcactgacg aggctccgaa atggacctgg caggtgggct cccctgacca gacatgggcg 180
gtggataccg ctgatgcccg tacagcgaac ggacaactgg tttttgattt acgcggcaag 240
ggctccctgc cgtttctgga aggccatctg tatgaggtgg cagagcgcgg tggccccggc 300
ttcaccocctt ttatctcctc cagcagtaac gggcagccgt tttccgtgac ggatggcggc 360
acgacgacgg cgcaaacactt ccgcgcctct gtcccggtag gtaaccgcga gaacggtcac 420
gtggcggggc agctttcttt caccctgac cagggaatgg ccgtcagcgc cggacaccag 480
gaagacgggg cggttctacc ggcagcgtat tgcctcgtaa acgggcagag cgtgacgggt 540
gtgcaggccc gaccctgcc gcagtggctc aaaaaccgtc tgccttcctt gctgatgctg 600
aaccggggct tcggtaacgg aatgagcacg gcagataacg gtcaggttat cagtcagggc 660
gtgctggctg acggccgggt gaccggctg gcggcggcct atgcgtccgc cgtctcggat 720
tttgagctga cgctgccggc agaaaacacg ccggtgcagt ggcaggccgg gctgagtggtg 780
acggtgacgg tccagtaaag aacgggcagg gagaggaaga acacaatgaa acgaatgacg 840
atthtactgc tggccgccag tctgctgccg tcctgtgtgc tggcgtggaa cacgcggggg 900
gaagacttca gcggagagct gaagctgggc gggccgggtga ccagcacccg taatccctgg 960
gtctggaagg tcggggaagg gaacacacag ataaacacga aagctgtctc tgtcctgcgc 1020
agtggggagg aggtaatacc ggttcccctg ccggccatga cggctcctgct gggaaaaact 1080
atcctgacca cccgggccgg ccgggagggg cttgccgcgc aggtgacgta cggtaaggac 1140
acagagggtt ttgcaactgac gtggacggca ccgggtatgg catcggtgac actgccggtg 1200
acgggggagg gaaatgtccg taccgggaca ttcaccttcc ggatgcaggc ggcgggtgtg 1260
ctgcgccatg tcctggggaa ccgggcggag tatgccgggc tgtatggcga cctgcagggc 1320
aacggcttgc cgccacagac gcaggtgatg ccggcagggc agacgccggg tgtgctgcag 1380
accctgtttg acagtgaagg cccggtctgg ctccgggaga tgacggtcag cagcgtgtcc 1440
ggactgagcc ggttcagtga cgccgccctg cgccaggttg acggggtata cggcgcacag 1500
acggtggcgg acagcgggtga gctgcgtttt aagggggcgg taccgtcccg ctggcatacc 1560
tccctggcgg tgagcattga atatcggtaa 1590

5 <210> 5
<211> 70
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

10 <220>
<223> Cebador SPI-1-P1

ES 2 724 729 T3

<400> 5
 ttatggcgct ggaaggattt cctctggcag gcaaccttat aatttcatta gtgtaggctg 60
 gagctgcttc 70
 5 <210> 6
 <211> 70
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 10 <220>
 <223> Cebador SPI-1-P2
 <400> 6
 atgcaaaata tggctttaat tatatcatga tgagttcagc caacggatgat catatgaata 60
 tcctccttag 70
 15 <210> 7
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 20 <220>
 <223> Cebador SPI-1-P3
 <400> 7
 atgttcttaa caacgttact g 21
 25 <210> 8
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 30 <220>
 <223> Cebador SPI-1-P4
 <400> 8
 aggtagtacg ttactgacca c 21
 35 <210> 9
 <211> 70
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 40 <220>
 <223> Cebador SPI-2-P1
 <400> 9
 accctcttaa ccttcgcagt ggcctgaaga agcataccaa aagcatttat gtgtaggctg 60
 gagctgcttc 70
 50 <210> 10
 <211> 70
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 55 <220>
 <223> Cebador SPI-2-P2

ES 2 724 729 T3

<400> 10
 actgctgggc gtaaggctca tcaaaatg accaatgctt aataccatcg catatgaata 60
 tcctccttag 70
 5 <210> 11
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 10 <220>
 <223> Cebador SPI-2-P3
 <400> 11
 15 tgttcgtact gccgatgctg c 21
 <210> 12
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 20 <220>
 <223> Cebador SPI-2-P4
 <400> 12
 25 agtacgacga ctgacgcaa t 21
 <210> 13
 <211> 70
 <212> ADN
 30 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> Cebador spv-P1
 35 <400> 13
 gtgcaaaaac aggtcaccgc catcctgttt ttgcacatca aaacattttt gtgtaggctg 60
 gagctgcttc 70
 <210> 14
 <211> 70
 <212> ADN
 40 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> Cebador spv-P2
 45 <400> 14
 ttaccccaac agcttgccgt gtttgcgctt gaacataggg atgcgggctt catatgaata 60
 tcctccttag 70
 <210> 15
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 50 <220>

ES 2 724 729 T3

<223> Cebador spv-P3

<400> 15
gaccatatct gcctgcctca g 21

5

<210> 16
<211> 21
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

10

<220>
<223> Cebador spv-P4

<400> 16
cagagcccgt tctctaccga c 21

15

<210> 17
<211> 70
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

20

<220>
<223> Cebador fae-P1

25

<400> 17
ttaccgatat tcaatgctca ccgccagga ggtatgccag cgggacggta gtgtaggctg 60
gagctgcttc 70

<210> 18
<211> 70
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

30

<220>
<223> Cebador fae-P2

35

<400> 18
atgaaaaataa cgcatcatta taaatctatt atttccgccc tggccgcgct catatgaata 60
tcctccttag 70

<210> 19
<211> 21
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

40

<220>
<223> Cebador fae-P3

45

<400> 19
caggctcccc tgccaccgc t 21

50

<210> 20
<211> 21
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

55

<220>
<223> Cebador fae-P4

	<400> 20 caggccaact atctttccct a	21
5	<210> 21 <211> 22 <212> ADN <213> Secuencia artificial	
10	<220> <223> Cebador spv-S1	
15	<400> 21 ggtcaattaa atccactcag aa	22
20	<210> 22 <211> 20 <212> ADN <213> Secuencia artificial	
	<220> <223> Cebador spv-S2	
25	<400> 22 acgggagaca ccagattatc	20
30	<210> 23 <211> 20 <212> ADN <213> Secuencia artificial	
	<220> <223> Cebador spv-S3	
35	<400> 23 ttcagtaaag tggcgtgagc	20
40	<210> 24 <211> 20 <212> ADN <213> Secuencia artificial	
45	<220> <223> Cebador spv-S4	
50	<400> 24 ccaggtggag ttatctctgc	20
55	<210> 25 <211> 20 <212> ADN <213> Secuencia artificial	
	<220> <223> Cebador spv-S5	
	<400> 25 actgtcgggc aaaggtattc	20

	<210> 26	
	<211> 21	
	<212> ADN	
5	<213> Secuencia artificial	
	<220>	
	<223> Cebador spv-S6	
10	<400> 26	
	tttctggta ctgcatgaca g	21
	<210> 27	
	<211> 19	
	<212> ADN	
15	<213> Secuencia artificial	
	<220>	
	<223> Cebador spv-S7	
20	<400> 27	
	tccagaggta cagatcggc	19
	<210> 28	
	<211> 21	
25	<212> ADN	
	<213> Secuencia artificial	
	<220>	
	<223> Cebador spv-S8	
30	<400> 28	
	gaaggaatac actactatag g	21
	<210> 29	
35	<211> 20	
	<212> ADN	
	<213> Secuencia artificial	
	<220>	
40	<223> Cebador spv-S9	
	<400> 29	
	gtgtcagcag ttgcatcatc	20
45	<210> 30	
	<211> 20	
	<212> ADN	
	<213> Secuencia artificial	
50	<220>	
	<223> Cebador spv-S10	
	<400> 30	
55	agtgaccgat atggagaagg	20
	<210> 31	
	<211> 20	
	<212> ADN	
	<213> Secuencia artificial	

ES 2 724 729 T3

	<220>		
	<223> Cebador spv-S11		
5	<400> 31		
	aagcctgtct ctgcatttcg	20	
	<210> 32		
10	<211> 21		
	<212> ADN		
	<213> Secuencia artificial		
	<220>		
	<223> Cebador spv-S12		
15	<400> 32		
	aaccgttatg acattaagag g	21	
	<210> 33		
20	<211> 21		
	<212> ADN		
	<213> Secuencia artificial		
	<220>		
	<223> Cebador spv-S13		
	<400> 33		
	taaggctctc tattaacta c	21	
30	<210> 34		
	<211> 19		
	<212> ADN		
	<213> Secuencia artificial		
35	<220>		
	<223> Cebador spv-S14		
	<400> 34		
40	aaccgcttct ggctgtagc	19	
	<210> 35		
	<211> 22		
	<212> ADN		
	<213> Secuencia artificial		
45	<220>		
	<223> Cebador spv-S15		
	<400> 35		
50	ccgtaacaat gacattatcc tc	22	

REIVINDICACIONES

1. Cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum*, que comprenden la eliminación de al menos un clúster de genes completo seleccionado de los siguientes puntos (i) a (iv):
- 5
- (i) Isla de patogenicidad de *Salmonella 2* (SPI-2),
 - (ii) Isla de patogenicidad de *Salmonella 1* (SPI-1) y SPI-2,
 - (iii) *spvRABCD*, y
 - (iv) SPI-1, SPI-2, *spvRABCD*, y *faeHI*.
- 10
2. Las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1, en las que un clúster de genes completo de la isla de patogenicidad de *Salmonella 2* de SEQ ID NO: 2 se elimina (SG3-d2).
3. Las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 2, se depositan con el N.º de acceso KCCM1 1009P.
- 15
4. Las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1, en las que ambos grupos de genes de la isla de patogenicidad de *Salmonella 1* de SEQ ID NO: 1 y la isla de patogenicidad de *Salmonella 2* de SEQ ID NO: 2 se eliminan (SG3-d1d2).
- 20
5. Las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 4, se depositan con el N.º de acceso KCCM11010P.
6. Las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1, en las que todos los grupos de genes de la isla de patogenicidad de *Salmonella 1* de SEQ ID NO: 1, la isla de patogenicidad de *Salmonella 2* de SEQ ID NO: 2, *spvRABCD* de SEQ ID NO: 3, y *faeHI* de SEQ ID NO: 4 se han eliminado (SG3-d4).
- 25
7. Las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 6, se depositan con el N.º de acceso KCCM11011P.
- 30
8. Uso de las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de acuerdo con las reivindicaciones anteriores para producir un bacteriófago lítico específico de *Salmonella*.
9. Una composición farmacéutica que comprende las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1 como un ingrediente eficaz.
- 35
10. Una composición farmacéutica para su uso en la prevención o tratamiento de tifosis aviar, que comprende las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1 como un ingrediente eficaz.
- 40
11. Una vacuna que comprende las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1 como un ingrediente eficaz.
12. Un aditivo para pienso, que comprende las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1 como un ingrediente eficaz.
- 45
13. Las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1 para su uso en un método para la prevención o tratamiento de animales.
14. Un método para producir un bacteriófago, que comprende:
- 50
- cultivar las cepas modificadas de *Salmonella Gallinarum* de la reivindicación 1 en un medio;
 - inocular el bacteriófago en el medio; y
 - recuperar la progenie de bacteriófagos del medio.

[Fig. 1]

[Fig. 2]